

Febbraio 2018

# Scheda di Applicazione QIASymphony<sup>®</sup>RGQ

*artus*<sup>®</sup> CMV QS-RGQ Kit (tipo di campione:  
sangue)

R2

IVD

CE  
0197

REF

4503363

*artus* CMV QS-RGQ Kit, versione 1.



Prima di eseguire il test verificare la disponibilità di nuove revisioni delle etichette elettroniche sul sito [www.qiagen.com/products/artuscmvpcrkitce.aspx](http://www.qiagen.com/products/artuscmvpcrkitce.aspx).

## Informazioni generali

Kit	<i>artus CMV QS-RGQ Kit, versione 1 (n. cat. 4503363)</i>
Campioni convalidati	Sangue umano intero in EDTA
Purificazione anteriore	QIAasymphony DSP DNA Mini Kit (n. cat. 937236)
Volume del campione (compreso il volume in eccesso)	300 µl
Set di parametri del test	<i>artus_CMV_blood200_V5</i>
Set di controllo del test predefinito	<i>VirusBlood200_V7_DSP_artus_CMV</i>
Volume di eluizione	60 µl
Versione del software necessaria	Versione 4.0 o superiore
Volume miscela master	30 µl
Volume del template	20 µl
Numero di reazioni	6-24
Durata esecuzione su modulo AS	Per 6 reazioni: circa 9 minuti Per 72 reazioni: circa 35 minuti

## Materiali necessari ma non in dotazione

### Kit di purificazione

- QIAasymphony DSP DNA Mini Kit (n. cat. 937236)

### Adattatori per QIAasymphony SP

- Elution Microtube Rack QS (Cooling Adapter, EMT, v2, Qsym, n. cat. 9020730)
- Telaio di trasferimento
- Tube Insert 3B (Insert, 2.0ml v2, samplecarr. (24), Qsym, n. cat. 9242083)

## Materiali di consumo per QIASymphony SP

- Sample Prep Cartridges, 8-well (n. cat. 997002)
- 8-Rod Covers (n. cat. 997004)
- Filter-Tips, 1500 µl (n. cat. 997024)
- Filter-Tips, 200 µl (n. cat. 990332)
- Elution Microtubes CL (n. cat. 19588)
- Tip disposal bags (n. cat. 9013395)
- Micro tubes 2.0 ml Tipo H o Micro tubes 2.0 ml Tipo I (Sarstedt®, n. cat. 72.693 e 72.694, [www.sarstedt.com](http://www.sarstedt.com)) per l'uso con campioni e controlli interni

## Adattatori e portareagenti per QIASymphony AS

- Reagent holder 1 QS (Cooling Adapter, Reagent Holder 1, Qsym, n. cat. 9018090)
- RG Strip Tubes 72 QS (Cooling Adapter, RG Strip Tubes 72, Qsym, n. cat. 9018092)

## Materiali di consumo per QIASymphony AS

- Strip Tubes and Caps, 0.1 ml (n. cat. 981103)
- Tubes, conical, 2 ml, Qsym AS (n. cat. 997102) or Micro tubes 2.0 ml Type I (Sarstedt, n. cat. 72.694.005)
- In alternativa: Tubes, conical, 5 ml, Qsym AS (cat. no. 997104) or Tubes with flat base from PP (Sarstedt, cat. no. 60.558.001)
- Filter-Tips, 1500 µl (n. cat. 997024)
- Filter-Tips, 200 µl (n. cat. 990332)
- Filter-Tips, 50 µl (n. cat. 997120)
- Tip disposal bags (n. cat. 9013395)

## Conservazione e manipolazione dei campioni

Raccolta dei campioni	Campione di sangue 5–10 ml di sangue in EDTA Miscela capovolta per 8 volte — senza agitare! Non utilizzare campioni di sangue umano eparinizzato.
Conservazione dei campioni	Trasferimento in una provetta in polipropilene sterile La sensibilità del test può risultare ridotta se si congelano i campioni di routine o li si conserva per più di 24 ore.
Trasporto dei campioni	Trasporto di materiale fragile Spedizione entro 24 ore Spedizione per posta in conformità alle istruzioni legali per il trasporto di materiali patogeni* I campioni di sangue devono essere spediti refrigerati (2-8 °C)
Sostanze interferenti	L'eparina ( $\geq 10$ UI/ml) influisce sulla reazione a catena della polimerasi (Polymerase Chain Reaction, PCR). Non utilizzare campioni raccolti in provette contenenti eparina come anticoagulante o campioni di sangue eparinizzato.
Preparazione dei campioni	Evitare la formazione di schiuma all'interno o sui campioni I campioni devono essere portati a temperatura ambiente (15-25 °C) prima di avviare il test.

\* International Air Transport Association (IATA, Associazione del trasporto aereo internazionale). Dangerous Goods Regulations (Regolamenti relativi alle merci pericolose).

# Procedura

## Aggiunta del controllo interno ai campioni

L'utilizzo del QIASymphony DSP DNA Mini Kit in combinazione con l'artus CMV QS-RGQ Kit richiede l'inserimento del controllo interno (CMV RG IC) nella procedura di purificazione per monitorare l'efficienza della preparazione dei campioni e del test a valle.

Per l'esecuzione di un'analisi a dosaggio multiplo in cui si analizzano sia CMV che EBV nella stessa PCR, assicurarsi che sia stato utilizzato il CMV RG IC dell'artus CMV QS-RGQ Kit nel processo di purificazione. Utilizzare un CMV RG IC proveniente dallo stesso lotto per la preparazione dei due campioni e per la configurazione del test dei controlli PCR. Non utilizzare un CMV RG IC con un numero di lotto diverso.

I controlli interni vanno aggiunti con il Tampone ATE (ATE); il volume totale della miscela controllo interno-Tampone ATE (ATE) deve rimanere di 60 µl.

La tabella descrive l'aggiunta del controllo interno all'isolamento nel rapporto di 0,1 µl per 1 µl di volume di eluizione. Si consiglia di preparare miscele fresche per ogni processo di analisi subito prima dell'uso.

In alternativa si può usare lo strumento "IC Calculator" (calcolatore controllo interno) nella Console QIASymphony.

Componente	Volume (µl) (provette Sarstedt)*	Volume (µl) (provette Corning)†
Controllo interno‡	9	9
Tampone ATE	51	51
Volume finale per campione (volume morto escluso)	60	60
Volume totale per n campioni	$(n \times 60) + 360^{\S}$	$(n \times 60) + 600^{\P}$

\* Micro tubes 2.0 ml Tipo H e Micro tubes 2.0 ml Tipo I, Sarstedt n. cat. 72.693 e 72.694.

† Tubes 14 ml, 17 x 100 mm, in polistirene a fondo tondo (Corning® Inc., n. cat. 352051; Becton Dickinson era il precedente fornitore di queste provette e Corning Inc. è l'attuale fornitore).

‡ Il calcolo della quantità di controllo interno è basato sui volumi di eluizione iniziali (90 µl). Il volume supplementare a vuoto dipende dal tipo di provetta per campione utilizzata.

§ È necessaria una miscela di controllo interno corrispondente a 6 campioni supplementari (ossia 360 µl). Non riempire per un volume totale superiore a 1,92 ml (corrispondente ad un massimo di 13 campioni). Questi volumi sono specifici delle microprovette Micro tubes 2.0 ml Tipo H e Micro tubes 2.0 ml Tipo I, Sarstedt n. cat. 72.693 e 72.694).

¶ È necessaria una miscela di controllo interno corrispondente a 10 campioni supplementari (ossia 600 µl). Non riempire per un volume totale superiore a 13,92 ml (corrispondente ad un massimo di 111 campioni). Questi volumi sono specifici per provette Tubes 14 ml, 17 x 100 mm, in polistirene a fondo tondo, Corning Inc., n. cat. 352051; Becton Dickinson era il precedente fornitore di queste provette e Corning Inc. è l'attuale fornitore.

## Configurazione di QIASymphony SP

### Cassetto "Waste" (Materiali di scarto)

Supporto per box unitari 1-4	Box unitari vuoti
Supporto per sacchetto dei materiali di scarto	Sacchetto dei materiali di scarto
Supporto per contenitore dei residui liquidi	Svuotare e installare il contenitore dei materiali di scarto liquidi

### Cassetto "Eluate" (Eluito)

Rack per eluizione	Elution Microtubes CL su Elution Microtube Rack QS e telaio di trasferimento Utilizzare l'apertura 1, posizione di raffreddamento
Volume di eluizione*	Volume di eluizione preselezionato: 60 µl Volume di eluizione iniziale: 90 µl

\* Il volume di eluizione è preselezionato per il protocollo. Si tratta del volume accessibile minimo di eluito nella provetta di eluizione finale. Il volume iniziale della soluzione di eluizione è necessario per garantire che il volume effettivo di eluito sia identico al volume preselezionato.

### Cassetto "Reagents and Consumables" (Reagenti e materiali di consumo)

RC posizioni 1 e 2	Caricare 1 cartuccia reagenti (reagent cartridge, RC) per un massimo di 96 campioni
Supporto per rack per puntali posizioni 1-18	Caricare un sufficiente numero di rack per puntali con filtro monouso, 200 µl e 1500 µl (vedere "Plastica da laboratorio necessaria per lotti da 1-4 campioni", pag. 7)
Supporto per box unitari posizioni 1-4	Caricare box unitari contenenti cartucce per la preparazione dei campioni e 8-Rod Cover (vedere "Plastica da laboratorio necessaria per lotti da 1-4 campioni", pag. 7)

## Cassetto "Sample" (Campione)

Tipo di campione	Sangue umano intero in EDTA
Volume del campione (compreso il volume in eccesso)	300 µl
Provette per campioni	Micro tubes 2.0 ml Tipo H o Micro tubes 2.0 ml Tipo I (Sarstedt, n. cat. 72.693 e 72.694)
Inserto	Tube Insert 3B (n. cat. 9242083)

Plastica da laboratorio necessaria per lotti da 1-4 campioni

Componente	Un lotto, 24 campioni*	Due lotti, 48 campioni*	Tre lotti, 72 campioni*	Quattro lotti, 96 campioni*
Puntali con filtro monouso, 200 µl <sup>†‡</sup>	26	50	74	98
Puntali con filtro monouso, 1500 µl <sup>†‡</sup>	98	188	278	368
Sample prep cartridges <sup>§</sup>	21	42	63	84
8-Rod Covers <sup>¶</sup>	3	6	9	12

\* L'impiego di più di una provetta di controllo interno per lotto e l'esecuzione di più di una scansione di inventario richiedono ulteriori puntali con filtro monouso.

<sup>†</sup> Ci sono 32 puntali con filtro su ogni rack per puntali.

<sup>‡</sup> La quantità di puntali con filtro necessari include i puntali con filtro per 1 scansione di inventario per ogni cartuccia reagenti.

<sup>§</sup> Ci sono 28 cartucce per la preparazione dei campioni in ogni box unitario.

<sup>¶</sup> Ci sono dodici coperchi per 8 barre in ogni box unitario.

## Configurazione di QIASymphony AS

### Materiali di consumo

Durante la configurazione, le rispettive posizioni di ogni materiale di consumo sul modulo QIASymphony AS sono indicate sul touch screen dello strumento.

<b>Materiale di consumo</b>	<b>Nome sul touch screen</b>	<b>Da utilizzare con adattatore/ portareagenti</b>
Strip Tubes and Caps, 0.1 ml (250)	QIA#981103 *StripTubes 0.1	RG Strip Tubes 72 QS
Tubes, conical, 2 ml, Qsym AS (500) <sup>†‡</sup>	QIA#997102 *T2.0 ScrewSkirt <sup>§</sup>	Reagent holder 1 QS
Tubes, conical, 5 ml, Qsym AS (500) <sup>†‡</sup>	QIA#997104 *T5.0 ScrewSkirt <sup>§</sup>	Reagent holder 1 QS

\* Indica il materiale da laboratorio che può essere raffreddato utilizzando un adattatore di raffreddamento con codice a barre.

<sup>†</sup> Per componenti della miscela master, miscela master preparata dal sistema, standard del test e controlli del test.

<sup>‡</sup> In alternativa, si possono usare le provette Sarstedt descritte in "Materiali necessari ma non in dotazione", pag. 2.

<sup>§</sup> Il suffisso "(m)" sul touch screen indica che i calcoli del livello di liquido per la rispettiva provetta sono stati ottimizzati per i reagenti che formano un menisco concavo.

### Adattatori e portareagenti

<b>Rack/portareagenti</b>	<b>Nome</b>	<b>Numero necessario<sup>¶</sup></b>
Portareagenti	Portareagenti 1 QS	1
Rack per campioni	RG Strip Tubes 72 QS	1

<sup>¶</sup> Calcolato per un processo di analisi con 72 reazioni.

### Puntali con filtro

Caricare i rack per puntali iniziando con le aperture 1, 2 e 3 nel cassetto "Eluate and Reagents" (Eluito e reagenti), poi caricare i rack per puntali negli slot 7, 8 e 9 del cassetto "Assays" (Test).

<b>Materiale di consumo</b>	<b>Nome sul touch screen</b>	<b>Numero minimo per 24 reazioni</b>	<b>Numero minimo per 72 reazioni</b>
Filter-Tips, 1500 µl (1024)	1500 µl	4	6
Filter-Tips, 200 µl (1024)	200 µl	10	9
Filter-Tips, 50 µl (1024)	50 µl	25	73
Tip Disposal Bags	-	1	1

## PCR sul Rotor-Gene Q\*

Consultare la scheda di protocollo specifica del software *Settings to run artus QS-RGQ Kits* (Impostazioni per eseguire gli artus QS-RGQ Kit) disponibile all'indirizzo [www.qiagen.com/products/artuscmvprkitce.aspx](http://www.qiagen.com/products/artuscmvprkitce.aspx) per i dettagli del protocollo.

### Impostazioni specifiche per l'artus CMV QS-RGQ Kit

Con il software Rotor-Gene® 2.1 o versioni superiori, le impostazioni specifiche sono descritte qui di seguito.

Reaction Volume (Volume di reazione) (µl)	50
Hold (Mantenimento)	Temperatura di mantenimento: 95 gradi Durata di mantenimento: 10 minuti
Cycling (Ciclizzazione)	45 volte 95 gradi per 15 secondi 65 gradi per 30 secondi (acquisire su Green [verde], Yellow, [giallo]) e attivare la funzione di touchdown per 10 cicli 72 gradi per 20 secondi
Auto-Gain Optimisation Setup (Configurazione ottimizzazione guadagno automatico)	65 gradi (Campioni: Green (verde); IC: Yellow (giallo))

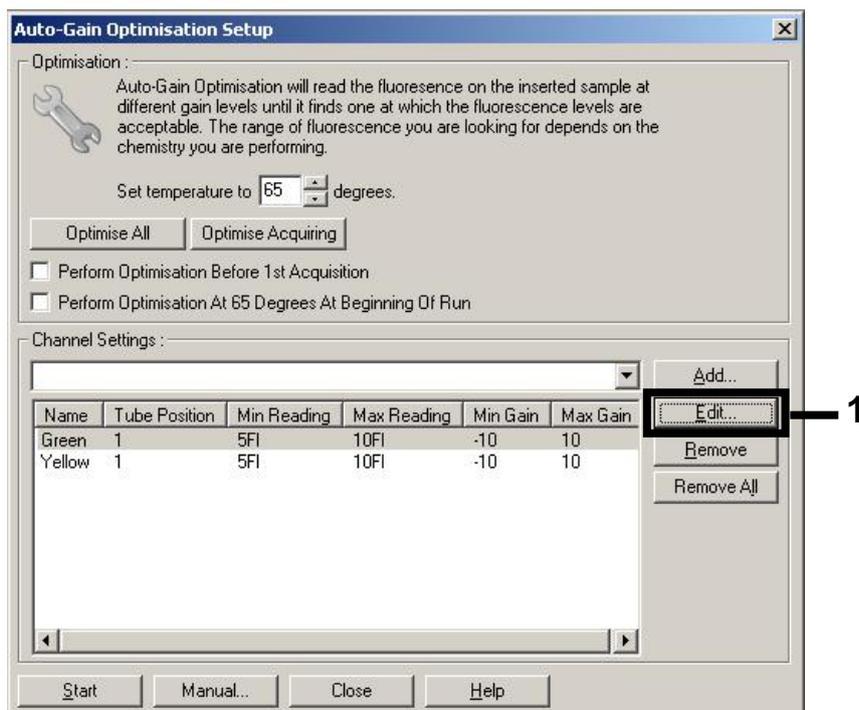
### Esecuzione analisi a dosaggio multiplo

Il range di rilevazione dei canali di fluorescenza deve essere determinato in base all'intensità della fluorescenza nelle provette per PCR. Fare clic su **Gain Optimisation** (Ottimizzazione guadagno) nella finestra di dialogo **New Run Wizard** (Procedura guidata nuovo processo) per aprire la finestra di dialogo **Auto-Gain Optimisation Setup** (Configurazione ottimizzazione guadagno automatico) (vedere il Passaggio 6 e la Figura 7 nella scheda del protocollo *Settings to run artus QS-RGQ Kits*, Impostazioni per eseguire gli artus QS-RGQ Kit).

\* Utilizzare possibilmente uno strumento Rotor-Gene Q 5plex HRM con data di produzione gennaio 2010 o successiva. La data di produzione può essere ricavata dal numero di serie sul retro dello strumento. Il numero di serie è nel formato "mmaann", dove "mm" indica il mese di produzione in cifre, "aa" indica le ultime due cifre dell'anno di produzione e "nnn" indica l'ID univoco dello strumento.

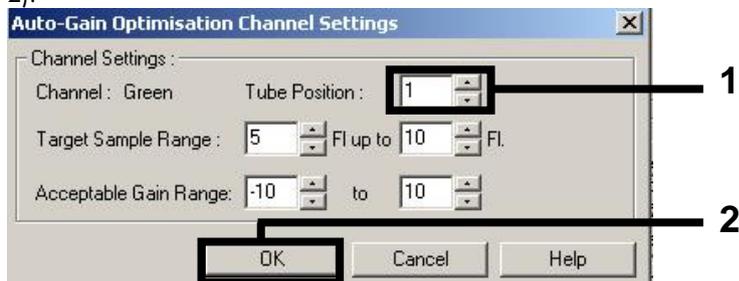
Per eseguire un test singolo, impostare la temperatura di calibrazione su **65** per farla coincidere con la temperatura di annealing del programma di amplificazione. Per l'esecuzione di un'analisi a dosaggio multiplo in cui si analizzano sia CMV sia EBV nella stessa PCR, regolare manualmente le intensità dei canali di fluorescenza.

1. Fare clic su **Edit** (Modifica) (Fig. 1) per modificare i canali di fluorescenza.



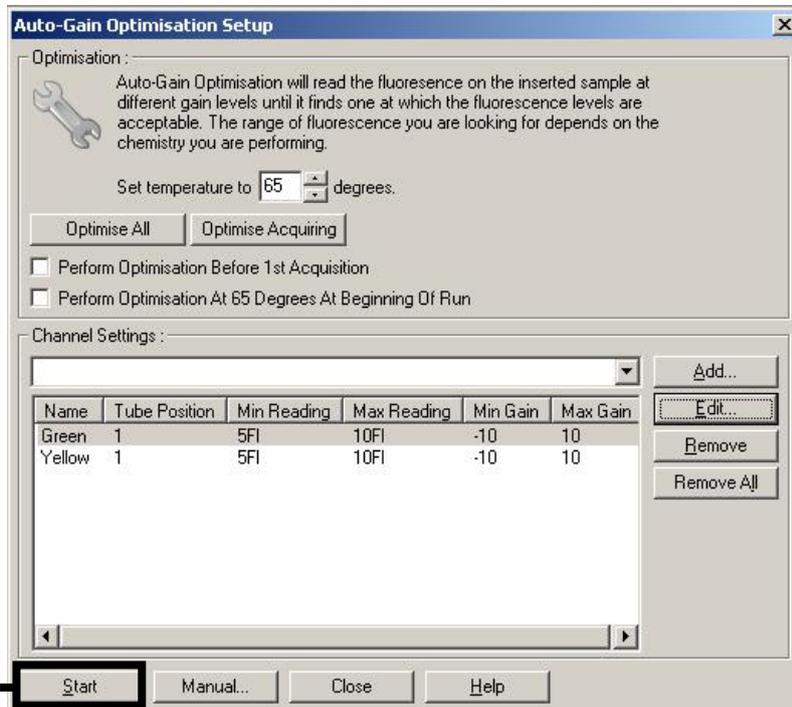
**Figura 1. Regolazione manuale dell'intensità dei canali di fluorescenza.** Regolare l'intensità per ogni canale di fluorescenza in diverse posizioni della provetta per test diversi (CMV ed EBV).

2. Impostare la posizione della provetta per una provetta per il primo test *artus* (ad es. CMV). Impostare la posizione della provetta per tutti i canali di fluorescenza e fare clic su **OK** (Fig. 2).



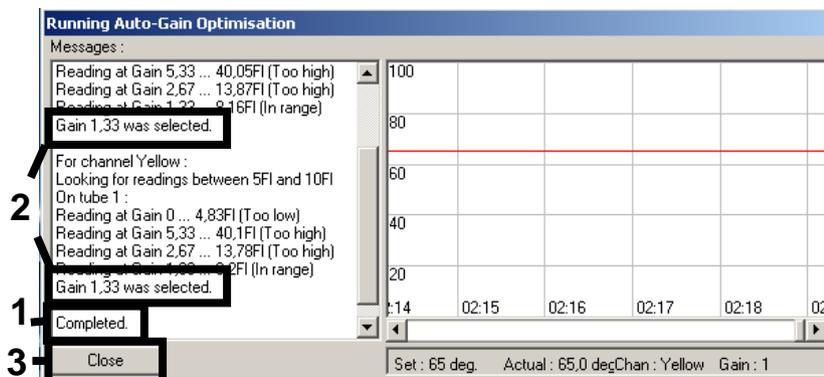
**Figura 2. Impostazione della posizione della provetta.**

- Fare clic su **Start** (Avvia) per iniziare l'ottimizzazione del guadagno per il primo test *artus* (Fig. 3).



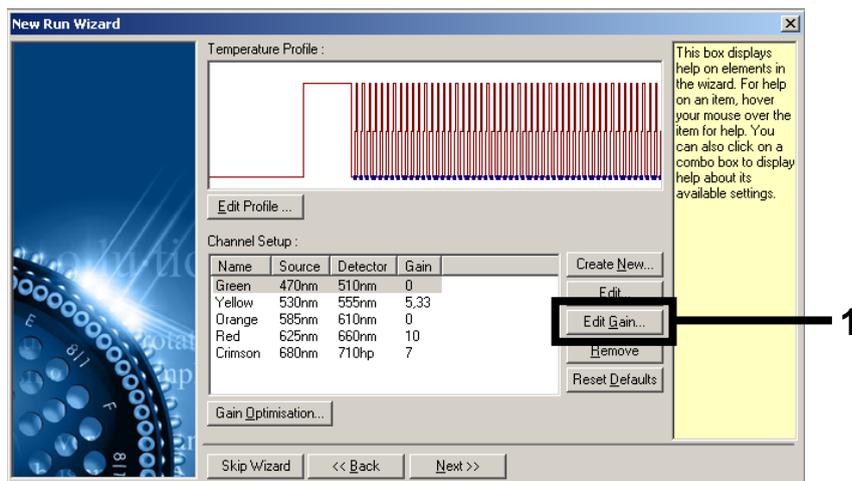
**Figura 3. Avvio dell'ottimizzazione del guadagno.**

- Si apre una nuova finestra, **Running Auto-Gain Optimisation Setup** (Configurazione ottimizzazione guadagno automatico in esecuzione). Attendere finché in questa finestra non compare la scritta **Completed** (Completato) (Fig. 4). Annotare i valori di guadagno selezionati per entrambi i canali, quindi fare clic su **Close** (Chiudi) (Fig. 4).



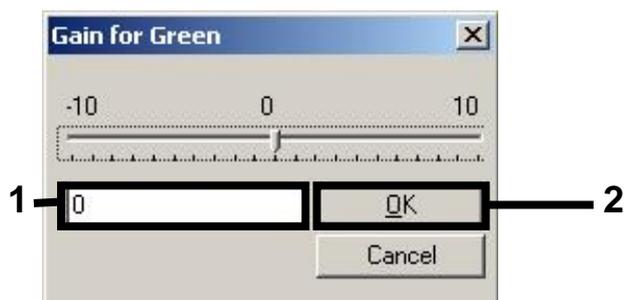
**Figura 4. Ottimizzazione del guadagno completata.** Prendere nota dei valori di guadagno (in questo caso, 1,33 per entrambi i canali di fluorescenza).

5. Ripetere i passaggi 1–4 per la posizione della provetta per il secondo test *artus* (ad es. EBV).
6. Fare clic su **Edit Gain** (Modifica guadagno) per modificare manualmente i valori di guadagno (Fig. 5).



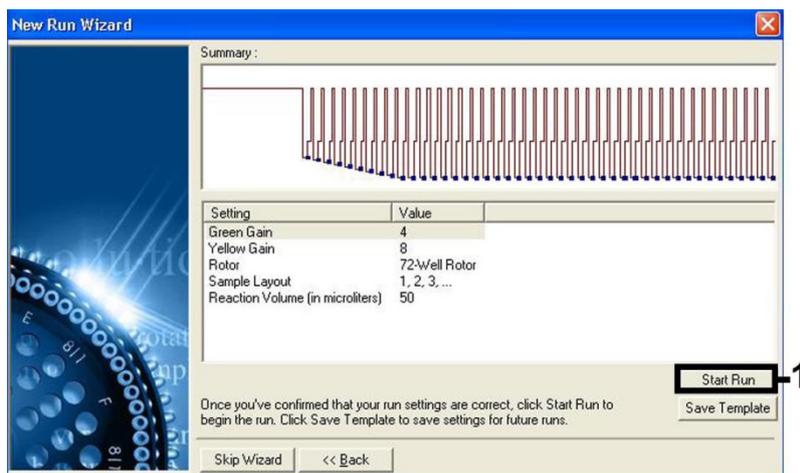
**Figura 5. Modifica manuale dei valori di guadagno.**

7. Selezionare il valore di guadagno più basso per Cycling Green (ciclo verde) annotato nel passaggio 4, quindi inserire manualmente tale valore nella finestra **Gain for Green** (Guadagno del ciclo verde) (Fig. 6). Selezionare il valore di guadagno più basso per Cycling Yellow (ciclo giallo) annotato nel passaggio 4, quindi inserire manualmente tale valore nella finestra **Gain for Yellow** (Guadagno del ciclo giallo) (Fig. 6).



**Figura 6. Inserimento manuale dei valori di guadagno più bassi.**

8. I valori di guadagno determinati con la calibrazione del canale (o attribuiti manualmente) sono salvati automaticamente e sono elencati nell'ultima finestra del menu della procedura di programmazione (Figura 7). Fare clic su **Start Run** (Avvia seduta).



**Figura 7. Avvio della seduta.**

## Interpretazione dei risultati

Questa sezione descrive l'interpretazione dei risultati sul Rotor-Gene Q. Esaminare anche le informazioni sullo stato dei campioni ricavate dai file dei risultati del QIASymphony SP/AS per l'analisi del flusso di lavoro completo dal campione al risultato. Utilizzare unicamente campioni con stato valido.

L'*artus* CMV QS-RGQ Kit può essere eseguito sul Rotor-Gene Q utilizzando l'analisi manuale con il software Rotor-Gene Q 2.1 o versione superiore. Le sezioni che seguono descrivono l'interpretazione dei risultati utilizzando il software Rotor-Gene Q 2.1 o versione superiore.

## Rilevamento dei segnali e conclusioni – sangue

Segnale nel canale Cycling Green (ciclo verde)	Segnale nel canale Cycling Yellow (ciclo giallo)	Risultato quantitativo (copie/ml)	Interpretazione
Si	Si	< 164,6	Risultato valido: DNA del CMV rilevato, <1000 copie/ml. È impossibile eseguire una quantificazione poiché il risultato quantitativo è inferiore al limite di rilevabilità. La riproducibilità del risultato positivo non è garantita.
Si	Si	≥164,6 e <1000	Risultato valido: DNA del CMV rilevato, <1000 copie/ml. È impossibile eseguire una quantificazione poiché il risultato quantitativo è inferiore al range lineare del test.
Si	Si/No*	≥1000 e ≤5 x 10 <sup>7</sup>	Risultato valido: DNA del CMV rilevato alla concentrazione calcolata. Il risultato quantitativo rientra nel range lineare del test.
Si	Si/No*	>5 x 10 <sup>7</sup>	Risultato valido: DNA del CMV rilevato, >5 x 10 <sup>7</sup> copie/ml. È impossibile eseguire una quantificazione poiché il risultato quantitativo è superiore al range lineare del test.†
No	Si	–	Risultato valido: Non è rilevabile DNA del CMV.‡
No	No	–	Risultato non valido: Non si può trarre alcun risultato.§

\* In questo caso, la rilevazione di un segnale nel canale Cycling Yellow (ciclo giallo) è trascurabile, poiché elevate concentrazioni iniziali di DNA del CMV (segnale positivo nel canale Cycling Green, ciclo verde) possono portare ad un segnale di fluorescenza ridotto o assente del controllo interno nel canale Cycling Yellow (ciclo giallo) (concorrenza).

† Se si desidera effettuare una quantificazione, diluire il campione con sangue privo di CMV e ripetere l'analisi. Moltiplicare il risultato quantitativo del campione rianalizzato per il fattore di diluizione.

‡ Se il valore C<sub>T</sub> per il controllo interno di un campione negativo è superiore di più di 3 cicli al valore C<sub>T</sub> per il controllo interno del controllo no template nel processo (C<sub>T IC Sample</sub> – C<sub>T IC NTC</sub> >3), allora il campione va considerato come non valido. Non si può trarre alcun risultato.

§ Si possono trovare informazioni sulle cause d'errore e relative soluzioni nella "Troubleshooting Guide" (Guida alla risoluzione dei problemi) del manuale dell'artus CMV QS-RGQ Kit (artus CMV QS-RGQ Kit Handbook).

## Impostazione della soglia per l'analisi della reazione a catena della polimerasi (Polymerase Chain Reaction, PCR)

Le impostazioni ottimali di soglia per una data combinazione dello strumento Rotor-Gene Q e dell'artus QS-RGQ Kit devono essere stabilite empiricamente provando ciascuna singola combinazione, dato che si tratta di un valore relativo che dipende dal flusso di lavoro diagnostico generale. Si può fissare la soglia ad un valore preliminare di 0,04 per l'analisi della prima PCR, ma questo valore deve essere affinato in un'analisi comparativa dei successivi processi del flusso di lavoro. La soglia deve essere impostata manualmente appena sopra il segnale di background dei controlli negativi e dei campioni negativi. Il valore medio di soglia calcolato da questi esperimenti funzionerà molto probabilmente per la maggioranza dei processi futuri, ma l'utilizzatore dovrà ugualmente rivedere il valore di soglia prodotto ad intervalli regolari. Il valore di soglia sarà normalmente compreso nel range 0,03–0,05 e dovrà essere arrotondato a non più di tre cifre decimali.

## Quantificazione

Gli standard di quantificazione (CMV QS 1–4) nell'artus CMV QS-RGQ Kit sono trattati come campioni precedentemente purificati e si usa lo stesso volume (20 µl). Per generare una curva standard sugli strumenti Rotor-Gene Q, tutti e 4 gli standard quantitativi devono essere utilizzati e definiti nella finestra di dialogo **Edit Samples** (Modifica campioni) dello strumento Rotor-Gene Q come standard con le concentrazioni specificate (vedere manuale utente dello strumento).

**Nota:** gli standard quantitativi sono definiti come copie/µl nell'eluito. Si deve applicare la seguente equazione per convertire i valori, determinati mediante la curva standard, in copie/ml di campione.

$$\begin{array}{l} \text{Risultato nel} \\ \text{materiale campione} \\ \text{(copie/ml)} \end{array} = \frac{\text{Risultato nell'eluito (copie/}\mu\text{l)} \times \text{volume di eluizione} \\ \text{iniziale (90 } \mu\text{l)}^*}{\text{Volume campione (ml)}}$$

\* Il calcolo è basato sui volumi di eluizione iniziali (90 µl).

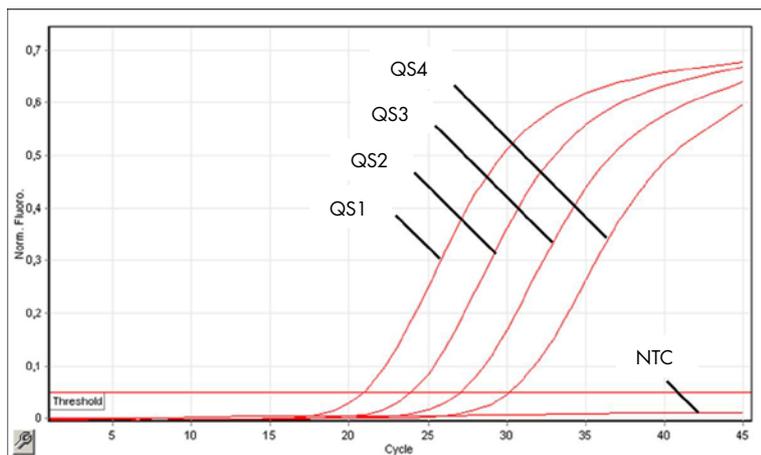
In linea di principio, si deve immettere nell'equazione di cui sopra il volume iniziale del campione. Occorre tenere conto di ciò quando il volume del campione è stato cambiato prima dell'estrazione dell'acido nucleico (per es. riducendo il volume mediante centrifugazione o aumentandolo con l'aggiunta al volume richiesto per l'isolamento).

Per l'esecuzione di un'analisi a dosaggio multiplo in cui si analizzano sia CMV che EBV nella stessa PCR, assicurarsi che i campioni siano analizzati separatamente per CMV e EBV, con gli standard di quantificazione corrispondenti.

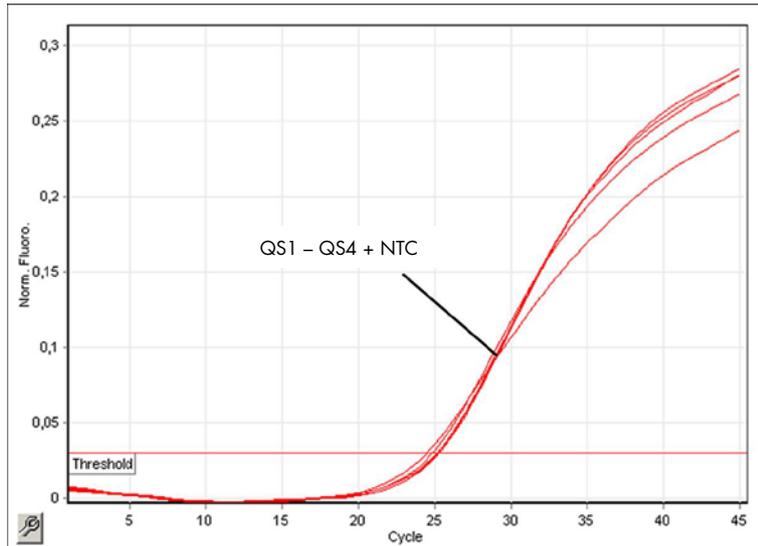
#### Fattore di conversione

1 copia/ml corrisponde a 0,745 UI/ml per il rilevamento di DNA di CMV derivato da sangue umano intero trattato con EDTA sul Rotor-Gene Q. Questo fattore di conversione è applicabile quando aderisce al flusso di lavoro approvato come previsto in questa Scheda di Applicazione. Il fattore di conversione è un'approssimazione basata su un fattore medio nel range dinamico del test.

#### Esempi di reazioni PCR positive e negative



**Rilevazione degli standard quantitativi (CMV QS 1-4) nel canale di fluorescenza Cycling Green (ciclo verde).** NTC: No Template Control (controllo no template) (controllo negativo).



**Rilevazione del controllo interno (Internal control, IC) nel canale di fluorescenza Cycling Yellow (ciclo giallo) con amplificazione contemporanea degli standard quantitativi (CMV QS 1-4). NTC: No Template Control (controllo no template) (controllo negativo).**

#### Cronologia delle revisioni del documento

R2, Febbraio 2018      Aggiornato il kit di purificazione anteriore. Cambiato con le nuove versioni dei protocolli QIASymphony. Rimossa la nota a piè di pagina relativa alla configurazione di 216 test. Aggiornati i materiali richiesti per la configurazione di 72 reazioni al massimo. Aggiunte informazioni per l'esecuzione dell'analisi a dosaggio multiplo con EBV. Aggiunte informazioni sull'utilizzo dello strumento "IC Calculator" (calcolatore controllo interno) della QIASymphony Management Console (QMC). Aggiornata la denominazione di Corning Labware (prima Becton Dickinson). Aggiunte le impostazioni specifiche per l'esecuzione di Rotor-Gene Q (uso della funzione di touchdown, acquisizioni). Aggiunte informazioni all'interpretazione dei risultati per includere il caso "patogeno positivo e controllo interno negativo". Rimosse le istruzioni relative all'uso di Rotor-Gene AssayManager®. Aggiunte le informazioni sul Fattore di conversione.

Per le informazioni aggiornate sulla licenza e sulle clausole di esclusione della responsabilità per i singoli prodotti, consultare il manuale del kit o il manuale utente QIAGEN specifico. I manuali dei kit e i manuali utente QIAGEN sono disponibili sul sito [www.qiagen.com](http://www.qiagen.com) oppure possono essere richiesti al servizio di assistenza QIAGEN o al distributore locale.

Marchi commerciali: QIAGEN®, Sample to Insight®, QIASymphony®, artus®, Rotor-Gene®, Rotor-Gene AssayManager® (Gruppo QIAGEN); Corning® (Corning Inc.); Sarstedt® (Sarstedt AG and Co.). I marchi registrati, i marchi di fabbrica ecc. utilizzati in questo documento, anche se non indicati in modo specifico come tali, non devono essere considerati come non protetti dalla legge.  
02/2018 HB-0356-S01-002  
© 2012–2018 QIAGEN, tutti i diritti riservati

