# Instrucciones de uso (manual de uso) del QIAstat-Dx® Meningitis/Encephalitis (ME) Panel



Versión 1

Para uso diagnóstico in vitro





691611



QIAGEN GmbH, QIAGEN Strasse 1, 40724 Hilden, ALEMANIA



1126985ES



# Contenido

| Uso previsto  | 4          |
|---|------------|
| Resumen y explicación   | 6          |
| Descripción del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge                             | 6          |
| Información sobre el patógeno   | 8          |
| Principio del procedimiento   | 10         |
| Descripción del proceso   | 10         |
| Recolección de muestras y carga del cartucho                              | 11         |
| Preparación de las muestras y amplificación y detección de ácidos nucleio | os 12      |
| Materiales suministrados.   | 13         |
| Contenido del kit   | 13         |
| Materiales necesarios pero no suministrados                               | 14         |
| Advertencias y precauciones   | 15         |
| Información de seguridad  | 15         |
| Precauciones de laboratorio   | 1 <i>7</i> |
| Almacenamiento y manipulación de reactivos                                | 18         |
| Manipulación, almacenamiento y preparación de muestras                    | 18         |
| Procedimiento   | 19         |
| Control interno   | 19         |
| Protocolo: muestras de líquido cefalorraquídeo                            | 19         |
| Interpretación de los resultados  | 30         |
| Visualización de los resultados   | 30         |

| Visualización de las curvas de amplificación                        | 32 |
|---|----|
| Interpretación de los resultados                                    | 43 |
| Interpretación del control interno                                  | 43 |
| Control de calidad  | 44 |
| Limitaciones  | 44 |
| Características del rendimiento                                     | 47 |
| Rendimiento clínico   | 47 |
| Rendimiento analítico   | 51 |
| Apéndice A: Instalación del archivo de definición de ensayos        | 76 |
| Apéndice B: Glosario  | 79 |
| Apéndice C: Exclusión de garantías                                  | 80 |
| Referencias   | 81 |
| Símbolos  | 82 |
| Historial de revisiones de las instrucciones de uso (manual de uso) | 84 |

# Uso previsto

El QIAstat-Dx Meningitis/Encephalitis (ME) Panel ("QIAstat-Dx ME Panel") es una prueba de diagnóstico *in vitro* basada en ácido nucleico, múltiple y cualitativa destinada a utilizarse con el QIAstat-Dx System. El QIAstat-Dx ME Panel es capaz de detectar e identificar al mismo tiempo varios ácidos nucleicos, bacterianos y víricos y ácidos ribonucleicos de muestras de líquido cefalorraquídeo (LCR) obtenidas mediante punción lumbar de personas con signos y/o síntomas de meningitis y/o encefalitis.

El QlAstat-Dx ME Panel permite identificar y diferenciar los siguientes microrganismos: Escherichia coli K1, Haemophilus influenzae, Listeria monocytogenes, Neisseria meningitidis (encapsulado), Streptococcus agalactiae, Streptococcus pneumoniae, Mycoplasma pneumoniae, Streptococcus pyogenes, virus del herpes simple tipo 1, virus del herpes simple tipo 2, virus del herpes simple tipo 6, enterovirus, parechovirus humano, virus de la varicelazóster y Cryptococcus neoformans/gattii\*.

El QIAstat-Dx ME Panel está indicado como ayuda en el diagnóstico de agentes específicos de la meningitis y/o la encefalitis y los resultados deben utilizarse junto con otros datos clínicos, epidemiológicos y de laboratorio. Los resultados del QIAstat-Dx ME Panel no están pensados para utilizarse como el único fundamento en el que sustentar el diagnóstico, el tratamiento u otras decisiones de atención médica al paciente. La obtención de unos resultados positivos no descarta la infección conjunta por otros microrganismos no incluidos en el QIAstat-Dx ME Panel. El o los microrganismos detectados pueden no ser la causa definitiva de la enfermedad. Los resultados negativos no descartan la infección del sistema nervioso central (SNC).

\* Cryptococcus neoformans y Cryptococcus gattii no se diferencian.

Esta prueba no detecta todos los agentes relacionados con una infección del SNC y la sensibilidad en algunos ámbitos clínicos puede diferir de la descrita en el prospecto del envase.

El QIAstat-Dx ME Panel no está previsto para el análisis de muestras obtenidas de productos sanitarios internos del SNC.

El QIAstat-Dx ME Panel se ha diseñado para utilizarse junto con procedimientos diagnósticos habituales (p. ej., cultivos para realizar la recuperación de microrganismos, la determinación del serotipo y la prueba de la susceptibilidad a los antibióticos).

El QIAstat-Dx ME Panel se ha diseñado exclusivamente para su uso diagnóstico *in vitro* por parte de los profesionales del laboratorio.

# Resumen y explicación

### Descripción del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge

El QIAstat-Dx ME Panel Cartridge es un dispositivo plástico desechable que permite realizar ensayos moleculares totalmente automatizados para detectar e identificar ácidos nucleicos de varios agentes, directamente de las muestras de LCR. Las principales características del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge incluyen la compatibilidad con un tipo de muestra líquida, la contención hermética de los reactivos precargados necesarios para la prueba y un verdadero funcionamiento sin necesidad de supervisión. Todos los pasos de preparación de muestras y de realización del ensayo se realizan dentro del cartucho.

Todos los reactivos necesarios para la realización completa de una ejecución de prueba están precargados y funcionan de forma autónoma dentro del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge. No es necesario que el usuario toque ni manipule ninguno de los reactivos. Durante la prueba, los reactivos se manipulan dentro del cartucho en el módulo analítico del QIAstat-Dx Analyzer 1.0 mediante un sistema de microfluidos que funciona de forma neumática y no entra en contacto directo con los actuadores del analizador. El QIAstat-Dx Analyzer 1.0 cuenta con filtros de aire tanto para la entrada como para la salida de aire, lo que proporciona una protección adicional para el entorno. Después de la prueba, el cartucho se mantiene cerrado herméticamente en todo momento, lo que aumenta en gran medida su eliminación segura.

Dentro del cartucho, se llevan a cabo automáticamente varios pasos secuenciales mediante presión neumática para transferir las muestras y los fluidos a través de la cámara de transferencia hasta los destinos previstos.

Después de introducir el QIAstat-Dx ME Panel Cartridge que contiene la muestra en el QIAstat-Dx Analyzer 1.0, los siguientes pasos del ensayo se realizan de forma automática:

- Resuspensión del control interno
- Lisis celular mediante medios mecánicos o químicos
- Purificación de ácidos nucleicos basada en membranas
- Mezcla del ácido nucleico purificado con mezcla maestra de reactivos liofilizados

- Transferencia de alícuotas definidas de eluido o mezcla maestra a diferentes cámaras de reacción
- Realización del análisis de real-time RT-PCR múltiple dentro de cada cámara de reacción.

**Nota**: El aumento en la fluorescencia, que indica la detección del analito diana, se detecta directamente dentro de cada cámara de reacción.



Figura 1. Diseño del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge y sus características.

Nota: El puerto para hisopo no se utiliza para el ensayo del QIAstat-Dx ME Panel.

### Información sobre el patógeno

La meningitis y la encefalitis son enfermedades potencialmente devastadoras y pueden estar relacionadas con tasas significativas de morbilidad y mortalidad.(1) La meningitis se define como la inflamación de las meninges, la encefalitis se define como la inflamación del parénquima cerebral y la meningoencefalitis, como la inflamación de ambas zonas. Todas estas enfermedades pueden deberse a bacterias, virus u hongos, aunque es más frecuente que la encefalitis esté relacionada con un origen vírico.(2) Las presentaciones clínicas generalmente son inespecíficas; ya que los pacientes a menudo experimentan cefalea, alteraciones del estado mental y, en el caso de la meningitis, rigidez de nuca. Cada diagnóstico es fundamental, ya que los síntomas pueden aparecer de repente e intensificarse hasta provocar daño cerebral, pérdida auditiva o del habla, ceguera, o incluso, la muerte. Dado que el tratamiento varía según la causa de la enfermedad, es necesario identificar un agente patógeno específico para ajustar el tratamiento en consecuencia.

El QlAstat-Dx ME Panel Cartridge permite detectar 15 patógenos bacterianos, víricos y fúngicos diana que causan signos y/o síntomas de meningitis y/o encefalitis. La prueba requiere un volumen de muestra pequeño y un tiempo de manipulación mínimo; los resultados estarán disponibles en menos de 80 minutos.

Los patógenos que se pueden detectar e identificar con el QIAstat-Dx ME Panel se detallan en la Tabla 1.

Tabla 1. Patógenos detectados con el QIAstat-Dx ME Panel

| Microrganismo patógeno                      | Clasificación (tipo de genoma) |
|---|--------------------------------|
| Escherichia coli K1                         | Bacteria (ADN)                 |
| Haemophilus influenzae                      | Bacteria (ADN)                 |
| Listeria monocytogenes                      | Bacteria (ADN)                 |
| Neisseria meningitidis (encapsulado)        | Bacteria (ADN)                 |
| Streptococcus agalactiae                    | Bacteria (ADN)                 |
| Streptococcus pneumoniae                    | Bacteria (ADN)                 |
| Streptococcus pyogenes                      | Bacteria (ADN)                 |
| Mycoplasma pneumoniae                       | Bacteria (ADN)                 |
| Virus del herpes simple 1                   | Virus del herpes (ADN)         |
| Virus del herpes simple 2                   | Virus del herpes (ADN)         |
| Virus del herpes humano tipo 6              | Virus del herpes (ADN)         |
| Enterovirus                                 | Picornavirus (ARN)             |
| Parechovirus humano                         | Picornavirus (ARN)             |
| Virus de la varicela-zóster                 | Virus del herpes (ADN)         |
| Cryptococcus gattii/Cryptococcus neoformans | Levadura (ADN)                 |

# Principio del procedimiento

### Descripción del proceso

Las pruebas de diagnóstico con el QIAstat-Dx ME Panel se realizan en el QIAstat-Dx Analyzer 1.0. El QIAstat-Dx Analyzer 1.0 realiza automáticamente todos los pasos de preparación y análisis de las muestras. Las muestras se recogen y se cargan de forma manual en el QIAstat-Dx ME Panel Cartridge.

Se utiliza una pipeta de transferencia para transferir la muestra al puerto principal (figura 2).

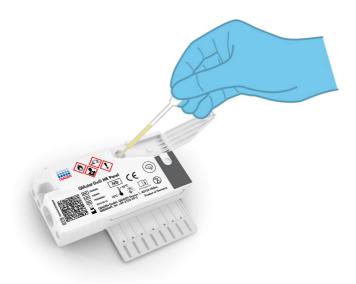


Figura 2. Dispensación de la muestra en el puerto principal.

### Recolección de muestras y carga del cartucho

Las tareas de recolección de las muestras y su posterior carga en el QIAstat-Dx ME Panel Cartridge debe realizarlas personal formado en la manipulación segura de muestras biológicas.

Los pasos que debe llevar a cabo el usuario son los siguientes:

- 1. Se recoge una muestra de líquido cefalorraquídeo (LCR).
- 2. Se escriben a mano los datos de la muestra o se adhiere una etiqueta de la muestra en la parte superior del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge.
- 3. La muestra de LCR se carga de forma manual en el QIAstat-Dx ME Panel Cartridge.

  Se transfieren 200 µl de la muestra al puerto principal del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge con una de las pipetas de transferencia incluidas. Use pipetas estériles y graduadas alternativas en caso de que se hayan usado las seis pipetas incluidas en el kit.

**Nota**: Al cargar una muestra de LCR, el usuario realiza una comprobación visual a través de la ventana de inspección de muestras (consulte la imagen siguiente) para confirmar que la muestra líquida se ha cargado (figura 3).



Figura 3. Ventana de inspección de muestras (flecha azul).

- 4. El código de barras de la muestra y el código QR del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge se escanean en el QIAstat-Dx Analyzer 1.0.
- 5. El QIAstat-Dx ME Panel Cartridge se introduce en el QIAstat-Dx Analyzer 1.0.
- 6. Se inicia la prueba en el QIAstat-Dx Analyzer 1.0.

Preparación de las muestras y amplificación y detección de ácidos nucleicos

El QlAstat-Dx Analyzer 1.0 realiza automáticamente la extracción, la amplificación y la detección de los ácidos nucleicos de la muestra.

- La muestra se homogeniza y las células se lisan en la cámara de lisis del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge, que incluye un rotor que gira a gran velocidad.
- Los ácidos nucleicos se purifican a partir de la muestra lisada uniéndose a una membrana de sílice en la cámara de purificación del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge en presencia de sales caótropas y alcohol.
- Los ácidos nucleicos purificados se eluyen desde la membrana de la cámara de purificación y se mezclan con los productos químicos liofilizados de la PCR en la cámara química en seco del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge.
- 4. La mezcla de la muestra y los reactivos de la PCR se dispensa en las cámaras de PCR del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge que contienen los cebadores y las sondas liofilizados específicos del ensayo.
- 5. El QlAstat-Dx Analyzer 1.0 genera los perfiles de temperatura óptimos para llevar a cabo una real-time RT-PCR múltiple eficaz y realiza las mediciones de fluorescencia en tiempo real para generar las curvas de amplificación.
- 6. El software del QIAstat-Dx Analyzer 1.0 interpreta los datos obtenidos y los controles del proceso y genera un informe de la prueba.

## Materiales suministrados

### Contenido del kit

| QIAstat-Dx ME Panel N.º de catálogo Número de pruebas | <b>691611</b><br>6 |
|---|--------------------|
| QIAstat-Dx ME Panel Cartridge*                        | 6                  |
| Transfer pipettes (Pipetas de transferencia)†         | 6                  |

<sup>\*</sup> Seis (6) cartuchos empaquetados por separado que contienen todos los reactivos necesarios para la preparación de muestras y la real-time RT-PCR múltiple más control interno.

<sup>&</sup>lt;sup>†</sup> Seis (6) pipetas de transferencia empaquetadas por separado para dispensar la muestra líquida en el QIAstat-Dx ME Panel Cartridge.

# Materiales necesarios pero no suministrados

El QIAstat-Dx ME Panel está diseñado para su uso con el QIAstat-Dx Analyzer 1.0. Antes de comenzar una prueba, asegúrese de contar con lo siguiente:

- QlAstat-Dx Analyzer 1.0 (al menos un módulo operativo y un módulo analítico) con la versión 1.4 o superior del software
- Manual del usuario del QlAstat-Dx Analyzer 1.0; (para uso con la versión 1.4 o superior del software)
- Software del archivo de definición de ensayos del QIAstat-Dx más reciente para el QIAstat-Dx ME Panel instalado en el módulo operativo.

# Advertencias y precauciones

Para uso diagnóstico in vitro.

El QIAstat-Dx ME Panel está diseñado para que lo utilicen profesionales de laboratorio que hayan recibido formación en el uso del QIAstat-Dx Analyzer 1.0.

### Información de seguridad

Siempre que trabaje con productos químicos, utilice una bata de laboratorio, guantes desechables y gafas de protección adecuados. Protéjase la piel, los ojos y las membranas mucosas y cámbiese los guantes con frecuencia cuando manipule muestras. Si desea obtener más información, consulte las hojas de datos sobre seguridad (Safety Data Sheets, SDS) correspondientes. Dichas fichas están disponibles en línea en formato PDF en www.qiagen.com/safety, donde podrá encontrar, ver e imprimir la ficha de datos de seguridad de cada kit de QIAGEN y de cada componente del kit.

Manipule todas las muestras, los cartuchos usados y las pipetas de transferencia como si fueran capaces de transmitir agentes infecciosos. Respete siempre las precauciones de seguridad que se describen en las directrices pertinentes, como *Protection of Laboratory Workers from Occupationally Acquired Infections, Approved Guidelines* M29 del Clinical and Laboratory Standards Institute® (CLSI) y otros documentos pertinentes.

Respete los procedimientos de seguridad de su centro para manipular muestras biológicas. Deseche las muestras, los QIAstat-Dx ME Panel Cartridges y las pipetas de transferencia de acuerdo con las normativas correspondientes.

El QIAstat-Dx ME Panel Cartridge es un dispositivo cerrado de un solo uso que contiene todos los reactivos necesarios para la preparación de las muestras y la real-time RT-PCR múltiple dentro del QIAstat-Dx Analyzer 1.0. No utilice un QIAstat-Dx ME Panel Cartridge si parece estar dañado o presenta fugas de líquido. Deseche los cartuchos usados o dañados de acuerdo con todas las normativas y leyes en materia de salud y de seguridad nacionales, estatales y locales.

Respete los procedimientos estándares de laboratorio para mantener el área de trabajo limpia y sin contaminación. Las directrices se describen en publicaciones como *Biosafety in Microbiological and Biomedical Laboratories* de los Centers for Disease Control and Prevention y los National Institutes of Health (www.cdc.gov/od/ohs/biosfty/biosfty.htm).

Las siguientes frases relativas a los riesgos y a las medidas de precaución se aplican a los componentes del QIAstat-Dx ME Panel.



Contiene: etanol, clorhidrato de guanidina, tiocianato de guanidina, isopropanol, proteinasa K y t-octilfenoxipolietoxietanol. ¡Peligro! Líquido y vapor fácilmente inflamables. Nocivo en caso de ingestión o inhalación. Puede ser nocivo en contacto con la piel. Provoca quemaduras graves en la piel y lesiones oculares. Puede provocar síntomas de alergia o asma o dificultades respiratorias en caso de inhalación. Puede provocar somnolencia y vértigo. Nocivo para los organismos acuáticos, con efectos a largo plazo. En contacto con ácidos libera gases muy tóxicos. Corrosivo para las vías respiratorias. Conservar alejado del calor, chispas, llamas abiertas y superficies calientes. No fumar. Evitar respirar el polvo/el humo/el gas/la niebla/los vapores/el gerosol. Usar **quantes** protectores/indumentaria protectora y protección para los ojos/la cara. Llevar equipo de protección respiratoria. EN CASO DE CONTACTO CON LOS OJOS: Aclarar cuidadosamente con agua durante varios minutos. Quitar las lentes de contacto, si lleva y resulta fácil. Seguir aclarando. EN CASO DE exposición manifiesta o presunta: Llame inmediatamente a un CENTRO DE TOXICOLOGÍA o a un médico. Transporte a la persona al exterior y manténgala en reposo en una posición cómoda para respirar.

### Precauciones de laboratorio

Para evitar la posible contaminación de las muestras y del área de trabajo, se deben seguir procedimientos de seguridad y limpieza del laboratorio estándar y deben tomarse las siguientes precauciones:

- Las muestras deben procesarse en una cabina de seguridad biológica o superficie limpia similar que garantice la protección del usuario. Si no se utiliza una cabina de seguridad biológica, se debe usar una caja de aire muerto (p. ej., AirClean PCR workstation), una protección contra salpicaduras (p. ej., Bel-Art Scienceware Splash Shields) o un protector facial al preparar las muestras.
- La cabina de seguridad biológica que se utilice para realizar los análisis de patógenos de LCR (p. ej., cultivo) no debe utilizarse para preparar muestras o cargar cartuchos.
- Antes de procesar las muestras, limpie a fondo el área de trabajo con un limpiador adecuado como lejía al 10 % recién preparada o un desinfectante similar. Para evitar la acumulación de residuos y el posible daño de la muestra o la interferencia de los desinfectantes, limpie las superficies desinfectadas con agua.
- Las muestras y los cartuchos se deben manipular uno a la vez.
- Use guantes limpios para retirar los materiales de las bolsas de envasado a granel y vuelva a cerrarlas cuando no las use.
- Cámbiese los guantes y limpie el área de trabajo entre una muestra y otra.
- Deseche los cartuchos usados de inmediato en un recipiente para materiales de peligro biológico adecuado una vez que haya finalizado el análisis.
- Evite la manipulación excesiva de los cartuchos tras las series analíticas.
- Evite dañar el cartucho.
- Use guantes limpios para retirar los materiales de las cajas de envasado a granel y ciérrelas cuando no las use.

# Almacenamiento y manipulación de reactivos

Guarde los QIAstat-Dx ME Panel Cartridges en un lugar de almacenamiento limpio y seco a temperatura ambiente (15-25 °C). No retire los QIAstat-Dx ME Panel Cartridges ni las pipetas de transferencia de sus envases individuales hasta que vaya a utilizarlos. En estas condiciones, los QIAstat-Dx ME Panel Cartridges se pueden guardar hasta la fecha de caducidad impresa en el envase individual. La fecha de caducidad también se indica en el código de barras del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge y el QIAstat-Dx Analyzer 1.0 la lee cuando se introduce un cartucho en el instrumento para comenzar una prueba.

# Manipulación, almacenamiento y preparación de muestras

Las muestras de LCR deben obtenerse y manipularse de acuerdo con los procedimientos recomendados.

Las condiciones de conservación recomendadas para el LCR son a temperatura ambiente (15-25 °C) durante un máximo de 12 horas.

### Procedimiento

### Control interno

El QIAstat-Dx ME Panel Cartridge incluye un control interno de proceso completo, cuyo título es *Schizosaccharomyces pombe*, una levadura (hongo) que se incluye en el cartucho en su forma seca y se rehidrata al cargar la muestra. Este material de control interno comprueba todos los pasos del proceso de análisis, incluida la homogeneización de la muestra, lisis de estructuras celulares y víricas (mediante disrupción química y mecánica), purificación de ácidos nucleicos, transcripción inversa y real-time PCR.

Una señal positiva en el control interno indica que todos los pasos del procesamiento que ha realizado el QIAstat-Dx ME Panel Cartridge se han completado correctamente.

Una señal negativa del control interno no descarta ningún resultado positivo de las dianas detectadas e identificadas, pero sí invalida todos los resultados negativos del análisis. Por lo tanto, la prueba se debe repetir si la señal del control interno es negativa.

Protocolo: muestras de líquido cefalorraquídeo

Recolección, transporte y almacenamiento de las muestras

La muestra de LCR debe obtenerse a través de una punción lumbar y no debe centrifugarse.

### Carga de una muestra en el QIAstat-Dx ME Panel Cartridge

- 1. Limpie a fondo el área de trabajo con lejía al 10 % recién preparada (o un desinfectante adecuado) y luego, enjuague con agua.
- 2. Abra el envase de un QIAstat-Dx ME Panel Cartridge tirando de las muescas para abrir situadas en los costados del embalaje (figura 4).

IMPORTANTE: Una vez abierto el envase, la muestra se debe cargar dentro del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge y cargarse en el QIAstat-Dx Analyzer 1.0 en un plazo de 120 minutos.



Figura 4. Apertura del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge.

- 3. Retire el QIAstat-Dx ME Panel Cartridge del envase y colóquelo con el código de barras de la etiqueta mirando hacia usted.
- 4. Escriba a mano los datos de la muestra, o coloque una etiqueta con los datos de la muestra, en la parte superior del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge. Asegúrese de que la etiqueta esté bien colocada y que no impida abrir la tapa (figura 5).



Figura 5. Colocación de los datos de la muestra en la parte superior del QIAstat-Dx Meningitis/Encephalitis Panel Cartridge.

5. Abra la tapa de la muestra del puerto principal en la parte frontal del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge (figura 6).

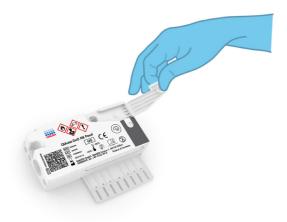


Figura 6. Apertura de la tapa de la muestra del puerto principal.

6. Abra el tubo con la muestra que se va a procesar. Utilice la pipeta de transferencia suministrada para extraer líquido hasta la segunda línea de llenado de la pipeta (es decir, 200 μl; figura 7). IMPORTANTE: No deje que entre aire en la pipeta. Si sucede, expulse con cuidado el líquido de la muestra que está en la pipeta de nuevo en el tubo de muestras y vuelva a extraer líquido.

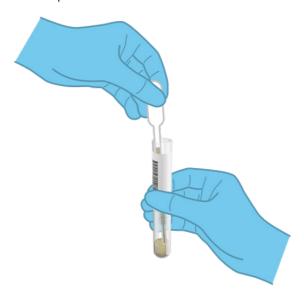


Figura 7. Extracción de la muestra a la pipeta de transferencia suministrada.

7. Transfiera con cuidado 200 µl de la muestra en el puerto principal del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge mediante la pipeta de transferencia suministrada de un solo uso (figura 8).

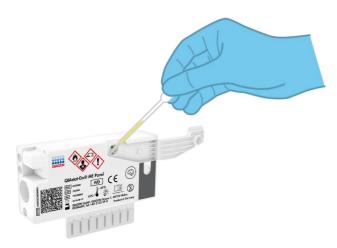


Figura 8. Transferencia de la muestra en el puerto principal del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge.

8. Cierre bien la tapa del puerto principal hasta que haga clic (figura 9).

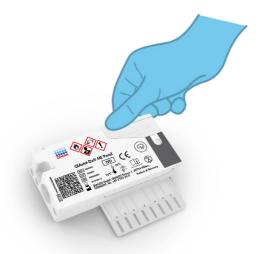


Figura 9. Cierre de la tapa del puerto principal.

9. Revise la ventana de inspección de muestras del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge para confirmar visualmente que la muestra se ha cargado (figura 10).

IMPORTANTE: Una vez colocada la muestra dentro del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge, el cartucho debe cargarse en el QIAstat-Dx Analyzer 1.0 en un plazo de 90 minutos.

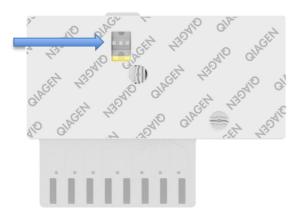


Figura 10. Ventana de inspección de muestras (flecha azul).

### Inicio del QIAstat-Dx Analyzer 1.0

 Encienda el QIAstat-Dx Analyzer 1.0 con el botón On/Off (Encendido/apagado) situado en la parte delantera del instrumento.

**Nota**: El interruptor de alimentación situado en la parte posterior del módulo analítico debe estar en la posición "I". Los indicadores de estado del QIAstat-Dx Analyzer 1.0 se iluminarán en azul.

- 2. Espere hasta que aparezca la pantalla Main (Principal) y los indicadores de estado del QIAstat-Dx Analyzer 1.0 se iluminen en verde y dejen de parpadear.
- 3. Inicie sesión en el QIAstat-Dx Analyzer 1.0 con su nombre de usuario y contraseña.

**Nota**: Si la función User Access Control (Control de acceso de usuarios) está activada, aparecerá la pantalla Login (Iniciar sesión). Si la función User Access Control (Control de acceso de usuarios) está desactivada, no será necesario introducir el nombre de usuario ni la contraseña y aparecerá la pantalla Main (Principal).

4. Si el software del archivo de definición de ensayos no se ha instalado en el QIAstat-Dx Analyzer 1.0, siga las instrucciones de instalación antes de realizar la prueba (para obtener información adicional, consulte el Apéndice A: Instalación del archivo de definición de ensayos en la página 76).

### Realización de una prueba

- Pulse el botón Run Test (Realizar prueba) situado en la esquina superior derecha de la pantalla táctil del QIAstat-Dx Analyzer 1.0.
- 2. Cuando se le indique, escanee el código de barras del identificador de muestra del tubo de LCR que contiene la muestra, o escanee el código de barras de los datos de la muestra situado en la parte superior del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge (consulte el paso 3); para ello, utilice el lector de códigos de barras delantero que está integrado en el QIAstat-Dx Analyzer 1.0 (Figura 11).

**Nota**: También puede introducir el identificador de la muestra con el teclado virtual de la pantalla táctil; para ello, debe seleccionar el campo Sample ID (Identificador de muestra).

**Nota**: En función de la configuración del sistema elegida, también puede ser necesario introducir el identificador del paciente en este punto.

**Nota**: Las instrucciones del QIAstat-Dx Analyzer 1.0 aparecen en la barra de instrucciones situada en la parte inferior de la pantalla táctil.



Figura 11. Escaneo del código de barras del identificador de la muestra.

3. Cuando se le indique, escanee el código de barras del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge que se debe utilizar (figura 12). El QIAstat-Dx Analyzer 1.0 reconoce automáticamente el ensayo que se debe realizar en función del código de barras del cartucho.

**Nota**: El QlAstat-Dx Analyzer 1.0 no aceptará QlAstat-Dx ME Panel Cartridges con una fecha de caducidad vencida, cartuchos utilizados anteriormente ni cartuchos para ensayos que no se hayan instalado en la unidad. En estos casos, aparecerá un mensaje de error y el QlAstat-Dx ME Panel Cartridge se rechazará. Para obtener información adicional sobre la instalación de ensayos, consulte el manual del usuario del QlAstat-Dx Analyzer 1.0.



Figura 12. Escaneo del código de barras del QIAstat-Dx Meningitis/Encephalitis Panel Cartridge.

- 4. Aparecerá la pantalla Confirm (Confirmar). Revise los datos introducidos y realice los cambios necesarios; para ello, seleccione los campos correspondientes en la pantalla táctil y modifique la información.
- Pulse Confirm (Confirmar) cuando todos los datos que se muestren sean correctos. Si es necesario, seleccione el campo que corresponda para modificar su contenido o pulse Cancel (Cancelar) para cancelar la prueba (figura 13).

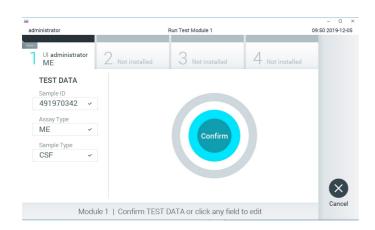


Figura 13. Confirmación de introducción de datos.

6. Asegúrese de que ambas tapas de la muestra del puerto para hisopo y el puerto principal del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge estén bien cerradas. Cuando el puerto de entrada del cartucho, ubicado en la parte superior del QIAstat-Dx Analyzer 1.0 se abra automáticamente, introduzca el QIAstat-Dx ME Panel Cartridge con el código de barras mirando hacia la izquierda y las cámaras de reacción mirando hacia abajo (figura 14).

**Nota**: No es necesario empujar el QlAstat-Dx ME Panel Cartridge en el QlAstat-Dx Analyzer 1.0. Colóquelo correctamente en el puerto de entrada del cartucho y el QlAstat-Dx Analyzer 1.0 lo desplazará automáticamente hacia el interior del módulo analítico.

Nota: El puerto para hisopo no se utiliza para el ensayo del QIAstat-Dx ME Panel.



Figura 14. Introducción del QIAstat-Dx ME Panel Cartridge en el QIAstat-Dx Analyzer 1.0.

7. Una vez que detecte el QIAstat-Dx ME Panel Cartridge, el QIAstat-Dx Analyzer 1.0 cerrará automáticamente la tapa del puerto de entrada del cartucho y comenzará la realización de la prueba. El operador no tendrá que realizar ninguna otra acción para que comience la prueba.

**Nota**: El QlAstat-Dx Analyzer 1.0 no aceptará un QlAstat-Dx ME Panel Cartridge que no sea el que se ha utilizado y escaneado durante la configuración de la prueba. Si se introduce un cartucho distinto del que se ha escaneado, se generará un error y el cartucho se expulsará automáticamente.

**Nota**: Hasta este momento, es posible cancelar la ejecución de la prueba; para ello, se debe seleccionar el botón Cancel (Cancelar) en la esquina inferior derecha de la pantalla táctil.

**Nota**: En función de la configuración del sistema, es posible que se solicite al operador que vuelva a introducir su contraseña de usuario para comenzar la realización de la prueba.

**Nota**: La tapa del puerto de entrada del cartucho se cerrará automáticamente después de 30 segundos si no se coloca un QIAstat-Dx ME Panel Cartridge en el puerto. Si esto sucede, repita el procedimiento comenzando con el paso 18.

8. Mientras se está realizando la prueba, el tiempo restante de la serie se muestra en la pantalla táctil.

- 9. Una vez finalizada la prueba, aparecerá la pantalla Eject (Expulsar) (figura 15) y la barra de Estado del módulo mostrará el resultado de la prueba como una de las siguientes opciones:
  - O **TEST COMPLETED** (Prueba finalizada): La prueba ha finalizado satisfactoriamente.
  - O **TEST FAILED** (Error en la prueba): Se ha producido un error durante la prueba.
  - TEST CANCELED (Prueba cancelada): El usuario ha cancelado la prueba.

IMPORTANTE: Si la prueba falla, póngase en contacto con el servicio técnico.

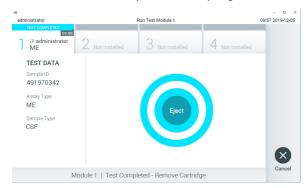


Figura 15. Visualización de la pantalla Eject (Expulsar).

- 10. Pulse Eject (Expulsar) en la pantalla táctil para retirar el QlAstat-Dx ME Panel Cartridge y desecharlo como residuo biopeligroso de acuerdo con todas las normativas y leyes en materia de salud y de seguridad nacionales, estatales y locales. El QlAstat-Dx ME Panel Cartridge se debe extraer cuando se abra el puerto de entrada del cartucho y este se expulse. Si el cartucho no se retira después de 30 segundos, se volverá a introducir automáticamente en el QlAstat-Dx Analyzer 1.0 y se cerrará la tapa del puerto de entrada del cartucho. Si esto sucede, pulse Eject (Expulsar) para volver a abrir la tapa del puerto de entrada del cartucho y, a continuación, retire el cartucho.
  - IMPORTANTE: Los QIAstat-Dx ME Panel Cartridges utilizados se deben desechar. No es posible reutilizar cartuchos para pruebas que se han iniciado, pero que posteriormente haya cancelado el operador o para pruebas en las que se ha detectado un error.
- 11. Una vez que se ha expulsado el QIAstat-Dx ME Panel Cartridge, aparecerá la pantalla de resultados Summary (Resumen). Para comenzar el proceso de realización de otra prueba, pulse Run Test (Realizar prueba).

**Nota**: Para obtener más información sobre el uso del QlAstat-Dx Analyzer 1.0, consulte el manual del usuario del QlAstat-Dx Analyzer 1.0.

# Interpretación de los resultados

**NOTA**: Las imágenes de la pantalla del QlAstat-Dx Analyzer 1.0 de esta sección se proporcionan solo a modo de ejemplo y posiblemente no representen resultados de patógenos específicos suministrados para el QlAstat-Dx ME Panel.

### Visualización de los resultados

El QIAstat-Dx Analyzer 1.0 interpreta y guarda automáticamente los resultados de la prueba. Después de expulsar el QIAstat-Dx ME Panel Cartridge, aparece de forma automática la pantalla de resultados Summary (Resumen) (figura 16).

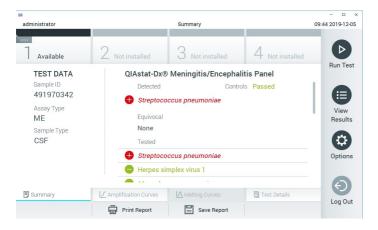


Figura 16. Ejemplo de pantalla de resultados Summary (Resumen) que muestra Test Data (Datos de la prueba) en el panel izquierdo y Summary (Resumen) de la prueba en el panel principal.

La parte principal de la pantalla muestra las listas siguientes y utiliza símbolos y códigos con colores para indicar los resultados:

- La primera lista, en el encabezado Detected (Detectados), incluye todos los microrganismos patógenos detectados e identificados en la muestra, los cuales van precedidos de un signo + y aparecen en color rojo.
- La segunda lista, en el encabezado Equivocal (Equívocos), no se utiliza. Los resultados
  Equivocal (Equívocos) no se aplican al QIAstat-Dx ME Panel; por lo tanto, la lista Equivocal
  (Equívocos) siempre estará vacía.
- La tercera lista, en el encabezado Tested (Analizados), incluye todos los microrganismos patógenos analizados en la muestra. Los microrganismos patógenos detectados e identificados en la muestra van precedidos de un signo y aparecen en color rojo. Los patógenos analizados, pero que no se han detectado, van precedidos de un signo y aparecen en color verde. Los patógenos no válidos también se muestran en esta lista.

**Nota**: Los microrganismos patógenos detectados e identificados en la muestra aparecen en ambas listas, **Detected** (Detectados) y **Tested** (Analizados).

Si no se ha podido completar la prueba satisfactoriamente, aparecerá el mensaje **Failed** (Con error), seguido del código de error específico.

Los siguientes Test Data (Datos de la prueba) aparecen en el lado izquierdo de la pantalla:

- Sample ID (ID de Muestra)
- Patient ID (Identificador de paciente) (si está disponible)
- Assay Type (Tipo de ensayo)
- Sample Type (Tipo de muestra)

En función de los derechos de acceso del operador, existen otros datos sobre el ensayo disponibles a través de las pestañas que aparecen en la parte inferior de la pantalla (p. ej., aráficos de amplificación y detalles de la prueba).

Se puede exportar un informe con los datos del ensayo a un dispositivo de almacenamiento externo USB. Introduzca el dispositivo de almacenamiento USB en uno de los puertos USB del QIAstat-Dx Analyzer 1.0 y pulse Save Report (Guardar informe) en la barra inferior de la pantalla. Este informe se puede exportar en cualquier momento posterior; para ello, deberá seleccionar la prueba de la lista View Results (Ver resultados).

También, puede imprimir el informe con tan solo pulsar Print Report (Imprimir informe) en la barra inferior de la pantalla.

### Visualización de las curvas de amplificación

Para ver las curvas de amplificación de la prueba de los patógenos detectados, pulse la pestaña 🗹 Amplification Curves (Curvas de amplificación) (figura 17).



Figura 17. Pantalla Amplification Curves (Curvas de amplificación), (pestaña PATHOGENS [Patógenos]).

Los datos sobre los patógenos analizados y los controles se muestran a la izquierda; las curvas de amplificación se muestran en el centro.

**Nota**: Si la función User Access Control (Control de acceso de usuarios) está activada en el QIAstat-Dx Analyzer 1.0, la pantalla Amplification Curves (Curvas de amplificación) solo estará disponible para los operadores que cuenten con derechos de acceso.

Pulse la pestaña PATHOGENS (Microrganismos patógenos), situada en el lado izquierdo, para mostrar los gráficos correspondientes a los microrganismos patógenos analizados. Pulse sobre el nombre del patógeno para seleccionar los patógenos que desea que se muestren en el gráfico de amplificación. Puede seleccionar un solo patógeno, varios o ninguno. A cada patógeno que figure en la lista seleccionada, se le asignará un color correspondiente a la curva de amplificación asociada con dicho patógeno. Los patógenos no seleccionados aparecerán en color gris.

Los valores correspondientes de C<sub>T</sub> y fluorescencia de punto final (Endpoint Fluorescence, EP) aparecen debajo del nombre de cada patógeno.

Pulse la pestaña CONTROLS (Controles), situada a la izquierda, para ver los controles en el gráfico de amplificación. Pulse el círculo que está junto al nombre del control para seleccionarlo o anular su selección (figura 18).



Figura 18. Pantalla Amplification Curves (Curvas de amplificación), (pestaña CONTROLS [Controles]).

El gráfico de amplificación muestra la curva de datos de los patógenos o controles seleccionados. Para alternar entre escalas logarítmicas o lineales en el eje de ordenadas, pulse el botón Lin (Lineal) o Log (Logarítmica) en la esquina inferior izquierda del gráfico.

La escala del eje de abscisas y del eje de ordenadas se puede ajustar con los selectores de color azul que hay en cada eje. Mantenga pulsado un selector azul y, a continuación, muévalo hasta la ubicación deseada en el eje. Mueva un selector azul hasta el origen del eje para regresar a los valores predeterminados.

### Visualización de los detalles de la prueba

Pulse Test Details (Detalles de la prueba) en la barra del menú de pestañas en la parte inferior de la pantalla táctil para revisar los resultados de forma más detallada. Desplácese hacia abajo para ver el informe completo.

Los siguientes Test Details (Detalles de la prueba) se muestran en la parte central de la pantalla (figura 19):

- User ID (Identificador de usuario)
- Cartridge SN (SN de cartucho [número de serie])
- Cartridge Expiration Date (Fecha de caducidad del cartucho)
- Module SN (SN de módulo [número de serie])
- Test Status (Estado de la prueba: Completed [Finalizada], Failed [Con error] o Canceled [Cancelada] por el operador)
- Error Code (Código de error) (si procede)
- Test Start Date and Time (Fecha y hora de inicio de la prueba)
- Test Execution Time (Hora de ejecución de la prueba)
- Assay Name (Nombre del ensayo)
- Test ID (Identificador de la prueba)
- Resultado de la Prueba:

- O **Positive** (Positivo) (si se ha detectado o identificado al menos un microrganismo patógeno de la meningitis/encefalitis)
- Negative (Negativo) (si no se ha detectado ningún microrganismo patógeno de la meningitis/encefalitis)
- O Failed (Con error) (se ha producido un error o el usuario ha cancelado la prueba)
- Lista de analitos probados en el ensayo, con los valores de C₁ y fluorescencia de punto final en caso de una señal positiva
- Control interno, con los valores de C<sub>T</sub> y fluorescencia de punto final

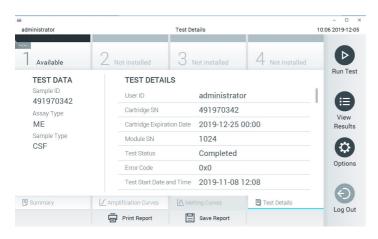


Figura 19. Pantalla de ejemplo que muestra Test Data (Datos de la prueba) en el panel izquierdo y Test Details (Detalles de la prueba) en el panel principal.

### Búsqueda de resultados de pruebas anteriores

Para ver resultados de pruebas anteriores guardados en el depósito de resultados, pulse View Results (Ver resultados) en la barra del menú principal (figura 20).

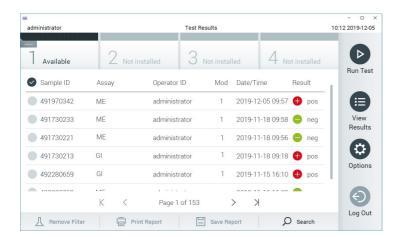


Figura 20. Ejemplo de la pantalla View Results (Ver resultados).

Se dispone de la siguiente información para cada una de las pruebas realizadas (figura 21):

- Sample ID (ID de Muestra)
- Assay (Ensayo) (nombre del ensayo de la prueba, en el que "ME" significa Meningitis/Encephalitis Panel)
- Operator ID (ID del Operador)
- Mod (Módulo) (módulo analítico en el que se ha ejecutado la prueba)
- Date/Time (Fecha/hora) (fecha y hora en las que se ha finalizado la prueba)
- Result (Resultado) (resultado de la prueba: [pos] [positivo], [neg] [negativo], [fail]
   [con error] o [suc] [correcto])

**Nota**: Si la función User Access Control (Control de acceso de usuarios) está activa en el QIAstat-Dx Analyzer 1.0, los datos para los cuales el usuario no posea derechos de acceso aparecerán ocultos con asteriscos.

Para seleccionar uno o más resultados de pruebas, pulse el círculo gris que está a la izquierda del identificador de muestra. Aparecerá una marca de verificación junto a los resultados seleccionados. Para anular la selección de los resultados de pruebas, pulse esta marca de verificación. La lista completa de resultados se puede seleccionar pulsando el círculo de la marca de verificación en la fila superior (figura 21).

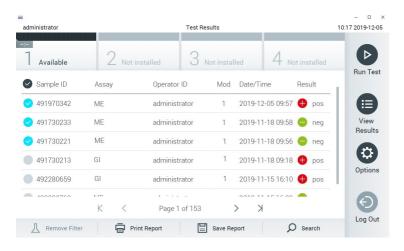


Figura 21. Ejemplo de cómo seleccionar Test Results (Resultados de pruebas) en la pantalla View Results (Ver resultados).

Pulse en cualquier lugar de la fila de la prueba para ver el resultado de una prueba en concreto.

Pulse sobre un encabezado de columna (p. ej., Sample ID [Identificador de muestra]) para clasificar la lista en orden ascendente o descendente según ese parámetro. La lista se puede clasificar según una sola columna a la vez.

La columna Result (Resultado) muestra el resultado de cada prueba (tabla 2).

Tabla 2. Descripciones de los resultados de la prueba en la pantalla View Results (Ver resultados)

| Resultado  | Resultado     | Descripción   | Acción  |
|--|---------------|---|---|
| Positive (Positivo)                                    | <b>⊕</b> pos  | Al menos un patógeno arroja un resultado positivo   | Para obtener información sobre resultados de microrganismos patógenos específicos, consulte la pantalla de resultados Summary (Resumen) o Result Printout (Impresión de resultados).                        |
| Positive with warning<br>(Positivo con<br>advertencia) | et!pos*       | Al menos un microrganismo<br>patógeno arroja un resultado<br>positivo, pero el control interno<br>resultó erróneo   | Para obtener información sobre<br>resultados de microrganismos<br>patógenos específicos, consulte la<br>pantalla de resultados Summary<br>(Resumen) o Result Printout (Impresión de<br>resultados).         |
| Negative (Negativo)                                    | neg           | No se han detectado analitos  | Para obtener información sobre<br>resultados de microrganismos<br>patógenos específicos, consulte la<br>pantalla de resultados Summary<br>(Resumen) o Result Printout (Impresión de<br>resultados).         |
| Failed (Con error)                                     | <b>⊗</b> fail | La prueba ha fallado, ya sea porque se ha producido un error, el usuario ha cancelado la prueba o no se detectaron microrganismos patógenos y se ha producido un error en el control interno. | Repita la prueba con un cartucho nuevo.<br>Acepte los resultados de la segunda<br>prueba. Si el error persiste, póngase en<br>contacto con el servicio técnico de<br>QIAGEN para recibir más instrucciones. |
| Successful (Correcto)                                  | Suc           | La prueba ha arrojado un resultado positivo o negativo, pero el usuario no posee derechos de acceso para ver los resultados de la prueba.   | Inicie sesión desde un perfil de usuario<br>que tenga derechos para ver los<br>resultados.  |

Pulse Save Report (Guardar informe) para guardar los informes de los resultados seleccionados en formato PDF en un dispositivo de almacenamiento externo USB.

Seleccione el tipo de informe: List of Tests (Lista de pruebas) o Test Reports (Informes de pruebas).

Pulse el botón Search (Buscar) si desea buscar los resultados de la prueba por Sample ID (Identificador de muestra), Assay (Ensayo) y Operator ID (Identificador del operador). Introduzca la cadena de búsqueda con el teclado virtual y pulse Enter (Intro) para iniciar la búsqueda. En los resultados de la búsqueda, solo se mostrarán los registros que contengan el texto de búsqueda.

Si se ha aplicado un filtro a la lista de resultados, la búsqueda solo se aplicará a la lista filtrada.

Mantenga pulsado un encabezado de columna para aplicar un filtro en función de dicho parámetro. En el caso de algunos parámetros, como Sample ID (Identificador de muestra), aparecerá el teclado virtual para poder introducir la cadena de búsqueda para el filtro.

En el caso de otros parámetros, como Assay (Ensayo), se abrirá un cuadro de diálogo con una lista de los ensayos almacenados en el depósito. Seleccione uno o más ensayos para filtrar únicamente las pruebas realizadas con los ensayos seleccionados.

El símbolo T a la izquierda de un encabezado de columna indica que el filtro de la columna está activo.

Para eliminar un filtro, pulse el botón Remove Filter (Eliminar filtro) en la barra del menú secundario.

Exportación de resultados a una unidad USB

Desde cualquier pestaña de la pantalla View Results (Ver resultados), seleccione Save Report (Guardar informe) para exportar y guardar una copia de los resultados de la prueba en formato PDF en una unidad USB (figura 22 a figura 24). El puerto USB se encuentra en la parte delantera del QIAstat-Dx Analyzer 1.0. La interpretación de los resultados en el archivo PDF se muestra en la tabla siguiente.

Tabla 3. Interpretación de los resultados de las pruebas que aparecen en los informes en PDF.

|                          | Resultado                         | Símbolo     | Descripción   |
|--------------------------|-----------------------------------|-------------|---|
|                          | Detected<br>(Detectado)           | 0           | Patógeno detectado  |
| Resultado de<br>patógeno | Not Detected<br>(No detectado)    | Sin símbolo | Patógeno no detectado   |
|                          | Invalid (No<br>válido)            | Sin símbolo | El control interno ha fallado, <u>no</u> hay un resultado válido<br>para esta diana y es preciso volver a analizar la muestra |
| Estado de la<br>prueba   | Completed<br>(Completado)         | <b>②</b>    | La prueba se completó y se detectaron el control interno y/o una o varias dianas.   |
|                          | Failed<br>(Con error)             | 8           | La prueba ha fallado  |
| Controles internos       | Passed<br>(Resultado<br>superado) | <b>②</b>    | La comprobación del control interno es correcta   |
|                          | Failed<br>(Con error)             | 8           | Se ha producido un error en el control interno  |

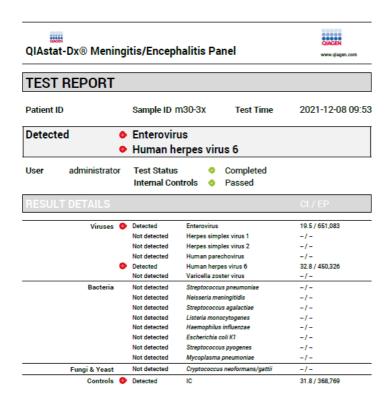


Figura 22. Informe del análisis de una muestra

| EST DETAILS |                     |         |                       |               |
|-------------|---------------------|---------|-----------------------|---------------|
| Assay ME    | Cartridge SN 512    | 900123  | SN Operational module | 20719052      |
| v1.1        | Cartridge LOT 210   | 290     | SN Analytical module  | 10221072      |
| Sample CSF  | Expiration Date 202 | 2-03-09 | SW Version            | 1.4.0 build 8 |

Figura 23. Informe de análisis de ejemplo con los detalles de la prueba

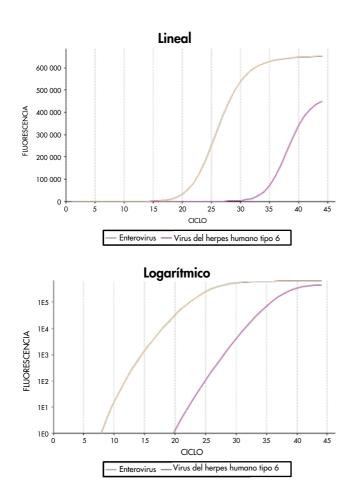


Figura 24. Informe del análisis de una muestra con los datos del ensayo.

## Impresión de los resultados

Asegúrese de que haya una impresora conectada al QIAstat-Dx Analyzer 1.0 y de que esté instalado el controlador adecuado. Seleccione Print Report (Imprimir informe) para enviar una copia de los resultados de la prueba en PDF a la impresora.

## Interpretación de los resultados

Un resultado de un microrganismo de la meningitis/encefalitis se interpreta como **Positive** (Positivo) cuando el ensayo de PCR correspondiente es positivo.

## Interpretación del control interno

Los resultados del control interno se interpretarán de conformidad con la tabla 4.

Tabla 4. Interpretación de los resultados del control interno

| Resultado de los<br>controles     | Explicación  | Acción   |
|-----------------------------------|--|--|
| Passed<br>(Resultado<br>superado) | El control interno se ha amplificado correctamente | La serie se ha completado satisfactoriamente.<br>Todos los resultados son válidos y se pueden<br>notificar. Los patógenos detectados se notifican<br>como <b>positive</b> (positivos) y los no detectados se<br>informan como <b>negative</b> (negativos). |
| Failed (Con<br>error)             | Se ha producido un error en el control<br>interno  | Se notifican los patógenos detectados<br>positivamente, pero todos los resultados negativos<br>(patógenos analizados, pero no detectados) son<br>inválidos.<br>Repita la prueba con un QIAstat-Dx<br>Meningitis/Encephalitis Panel Cartridge nuevo.        |

# Control de calidad

En cumplimiento del sistema de gestión de calidad con certificación ISO de QIAGEN, cada lote del QIAstat-Dx ME Panel se ha probado con las especificaciones predeterminadas para garantizar la uniformidad de la calidad de los productos.

# Limitaciones

- Los resultados del QIAstat-Dx ME Panel no están pensados para utilizarse como el único fundamento en el que sustentar el diagnóstico, el tratamiento u otras decisiones de atención médica al paciente.
- La obtención de unos resultados positivos no descarta la infección conjunta por otros microrganismos no incluidos en el QIAstat-Dx ME Panel. El o los microrganismos detectados pueden no ser la causa definitiva de la enfermedad. Los resultados negativos no descartan la infección del sistema nervioso central (SNC), este ensayo no detecta todos los posibles agentes etiológicos y los patógenos detectados por el QIAstat-Dx ME Panel podrían estar presentes en concentraciones inferiores a los límites de detección del sistema.
- Esta prueba no detecta todos los agentes relacionados con una infección del SNC y la sensibilidad en algunos ámbitos clínicos puede diferir de la descrita en el prospecto del envase.
- El QIAstat-Dx ME Panel no está previsto para el análisis de muestras obtenidas de productos sanitarios internos del SNC.
- La obtención de un resultado negativo con el ME Panel no excluye el carácter infeccioso del síndrome. La obtención de resultados negativos en el ensayo puede deberse a varios factores o a su combinación, como errores de manipulación de muestras, variabilidad de las secuencias del ácido nucleico a las que está dirigido el ensayo, infección por microrganismos no incluidos en el ensayo, niveles de microrganismos incluidos que están por debajo del límite de detección del ensayo y uso de ciertos medicamentos, terapias o sustancias.

- El QIAstat-Dx ME Panel no se ha diseñado para analizar muestras distintas de las descritas en estas instrucciones de uso. Las características del rendimiento de la prueba solo se han determinado con LCR.
- El QIAstat-Dx ME Panel se ha diseñado para utilizarse junto con procedimientos diagnósticos habituales (p. ej., cultivos para realizar la recuperación de microrganismos, la determinación del serotipo y la prueba de la susceptibilidad a los antibióticos). Un profesional sanitario formado debe interpretar los resultados obtenidos con el QIAstat-Dx ME Panel dentro del contexto de todos los hallazgos clínicos, de laboratorio y epidemiológicos pertinentes.
- El QlAstat-Dx ME Panel solo se puede usar con el QlAstat-Dx Analyzer 1.0.\*
- El QlAstat-Dx ME Panel es un ensayo cualitativo, por lo que no proporciona un valor cuantitativo sobre los microrganismos detectados.
- Los ácidos nucleicos bacterianos, víricos y fúngicos pueden persistir in vivo, incluso si el microrganismo no es viable o infeccioso. La detección de un marcador diana no implica que el microrganismo correspondiente sea el microbio causante de la infección ni de los síntomas clínicos
- La detección de ácidos nucleicos bacterianos, víricos y fúngicos depende de que se efectúe una obtención, una manipulación, un transporte, un almacenamiento y una carga de la muestra en el QIAstat-Dx ME Panel Cartridge correctos. Si se efectúa incorrectamente cualquiera de los procesos citados, se pueden generar resultados incorrectos, incluidos resultados positivos falsos o negativos falsos.
- La sensibilidad y especificidad del ensayo, con respecto a los microrganismos específicos y a todos los microrganismos combinados, son parámetros de rendimiento intrínsecos de un ensayo cualquiera y no difieren según la prevalencia. Por el contrario, los valores predictivos positivos y negativos de un resultado de la prueba dependen de la prevalencia de la enfermedad o el microrganismo. Cabe destacar que una mayor prevalencia favorece el valor predictivo positivo de un resultado, mientras que una prevalencia menor favorece el valor predictivo negativo de un resultado.

Los instrumentos del DiagCORE Analyzer que funcionan con la versión 1.4 o superior del software del QIAstat-Dx se pueden utilizar como alternativa al QIAstat-Dx Analyzer 1.0.

- La contaminación accidental de la muestra de LCR con Propionibacterium acnes (un microrganismo habitual de la microflora comensal de la piel) puede generar una señal inesperada (positiva baja) para la diana Mycoplasma pneumoniae en el QIAstat-Dx ME Panel. La aplicación de las medidas habituales en la manipulación de muestras de LCR deberían prevenir esta posible contaminación.
- Los resultados obtenidos durante el estudio de infecciones concomitantes en la verificación analítica muestran una posible inhibición de la detección del VHS-1 cuando S. pneumoniae está presente en la misma muestra. Dado que este efecto se observó incluso con concentraciones bajas de S.pneumoniae, los resultados negativos para VHS-1 en muestras positivas para S.pneumoniae deben interpretarse con precaución. No se observó el efecto contrario (inhibición de S.pneumoniae cuando el VSH-1 está presente en la misma muestra) en la concentración más alta analizada de VHS-1 (1,00E+05 TCID<sub>50</sub>/ml).

# Características del rendimiento

#### Rendimiento clínico

Las características del rendimiento del QIAstat-Dx Meningitis/Encephalitis (ME) Panel se evaluaron en un estudio de rendimiento clínico observacional y retrospectivo, que incluyó el análisis de 585 muestras residuales aptas de líquido cefalorraquídeo (LCR) obtenidas mediante punción lumbar de pacientes con signos y síntomas de meningitis o encefalitis con el QIAstat-Dx ME Panel en tres centros de análisis clínicos en Europa (Tabla 5).

Tabla 5. Número de participantes por centro de análisis clínicos

| Centros      | Número de muestras aptas |
|--------------|--------------------------|
| Alemania     | 200                      |
| Francia      | 194                      |
| Dinamarca    | 191                      |
| Global/Total | 585                      |

En la tabla 6 se proporciona un resumen de las muestras de información demográfica incluidas en el estudio.

Tabla 6. Resumen de los datos demográficos del estudio del rendimiento clínico

| Variable      | Subgrupo   | N   | %     |
|---------------|------------|-----|-------|
|               | <2 años    | 9   | 1,55  |
|               | 2-17 años  | 24  | 4,15  |
| Grupo de edad | 18-64 años | 319 | 55,09 |
|               | ≥65 años   | 212 | 36,61 |
|               | N.E.       | 15  | 2,60  |
|               | Femenino   | 282 | 48,70 |
| Sexo          | Masculino  | 282 | 48,70 |
|               | N.E.       | 15  | 2,60  |

El rendimiento del QIAstat-Dx ME panel se evaluó al comparar el resultado la prueba de QIAstat-Dx ME Panel y el FilmArray Meningitis/Encephalitis Panel. Cuando se detectaba una discrepancia entre métodos, la discordancia se resolvía considerando el resultado de los procedimientos diagnósticos habituales (RT-PCR o cultivo).

De las 585 muestras clínicas aptas, 579 produjeron un resultado evaluable. Se incluyeron muestras artificiales (n = 367) para evaluar el rendimiento de microrganismos patógenos con baja prevalencia (*Neisseria meningitidis*, *Streptococcus agalactiae*, enterovirus, virus del herpes simple 1 y parechovirus humano) y para *Mycoplasma pneumoniae* y *Streptococcus pyogenes*. Por cada microrganismo patógeno que se elaboró, se añadieron las cepas elegidas en una matriz clínica negativa en al menos 10 muestras o grupos de LCR negativo diferentes. Una vez preparadas, las muestras artificiales se aleatorizaron y enmascararon, tras lo cual se enviaron a los centros clínicos para su análisis con el flujo de trabajo habitual. En la tabla 7 se presentan las muestras incluidas en el cálculo de rendimiento.

Tabla 7. Distribución de las muestras clínicas y artificiales analizadas

| Variable | Subgrupo   |                          | N   | %     |
|----------|------------|--------------------------|-----|-------|
| Tipo de  | Clínico    |                          | 579 | 61,20 |
| muestra  | Artificial | Global                   | 367 | 38,80 |
|          |            | Neisseria meningitidis   | 65  | 6,87  |
|          |            | Streptococcus agalactiae | 61  | 6,45  |
|          |            | Streptococcus pyogenes   | 61  | 6,45  |
|          |            | Mycoplasma pneumoniae    | 61  | 6,45  |
|          |            | Enterovirus              | 60  | 6,34  |
|          |            | Parechovirus humano      | 59  | 6,24  |

El porcentaje de concordancia positiva (PCP) se calculó como 100 % x (VP/[VP + FN]). Verdadero positivo (VP) indica que tanto el QlAstat-Dx ME Panel como el método de referencia/comparación arrojaron un resultado positivo para el analito específico, y falso negativo (FN) indica que el resultado fue negativo con QlAstat-Dx y positivo con el método de comparación. El porcentaje de concordancia negativa (PCN) se calculó como 100 % x (VN/[VN + FP]). Verdadero negativo (VN) indica que tanto el QlAstat-Dx ME Panel

como el método de referencia/comparación arrojaron un resultado negativo, y falso positivo (FP) indica que el resultado fue positivo con el QIAstat-Dx ME Panel pero negativo con el método de comparación. Se calculó el intervalo de confianza del 95 % bilateral binomial exacto. En la tabla 8 se muestra el rendimiento global (PPA y NPA) de todos los microrganismos patógenos en el QIAstat-Dx ME Panel al añadir resultados de muestras clínicas y artificiales. En la tabla 8 se enumeran los resultados de PPA y NPA para el QIAstat-Dx ME Panel. En el caso de PPA, cada diana específica si el cálculo de rendimiento está basado en muestras clínicas, muestras artificiales o una combinación de ambas. El NPA se informa únicamente con base en las muestras clínicas.

Tabla 8. Evaluación del criterio de aceptación de rendimiento clínico en cuanto a sensibilidad y especificidad, tras la resolución de resultados discordantes con la prueba de referencia

|   |                             |                             |                  | PPA      |                      |                  | NPA         |                      |
|---|-----------------------------|-----------------------------|------------------|----------|----------------------|------------------|-------------|----------------------|
| Tipo de<br>micror-<br>ganismo<br>patógeno | Diana                       | Origen<br>de las<br>pruebas | PV/<br>(PV + NF) | %        | IC del 95 %          | NV/<br>(NV + PF) | %           | IC del 95 %          |
| Todos                                     | Global                      | Clínico                     | 140/147          | 95,24    | 90,50%-<br>97,67%    | 7381/7386        | 99,93%      | 99,84%-<br>99,97%    |
|   | Escherichia<br>coli K1      | Clínico                     | 1/1              | 100,00 % | 20,65 %-<br>100,00 % | 579/579          | 100,00<br>% | 99,34 %-<br>100,00 % |
|   | Haemophilus<br>influenzae   | Clínico                     | 4/4              | 100,00 % | 51,01 %<br>100,00 %  | 573/575          | 99,65 %     | 98,74 %-<br>99,90 %  |
|   | Listeria<br>monocytogenes   | Clínico                     | 1/1              | 100,00 % | 20,65 %<br>100,00 %  | 578/578          | 100,00 %    | 99,34 %-<br>100,00 % |
|   | Mycoplasma<br>pneumoniae    | Artificial                  | 61/61            | 100,00 % | 94,08 %-<br>100,00 % | NA               | NA          | NA                   |
| Bacterias                                 | Neisseria<br>meningitidis   | Com-<br>binado              | 66/66            | 100,00 % | 94,5 %-<br>100,00 %  | 578/578          | 100,00 %    | 99,34 %-<br>100,00 % |
|   | Streptococcus<br>agalactiae | Com-<br>binado              | 63/64            | 98,44 %  | 91,67 %<br>99,72 %   | 576/576          | 100,00 %    | 99,34 %-<br>100,00 % |
|   | Streptococcus pneumoniae    | Clínico                     | 16/16            | 100,00 % | 80,64%-<br>100,00%   | 563/563          | 100,00 %    | 99,32 %-<br>100,00 % |
|   | Streptococcus pyogenes      | Artificial                  | 61/61            | 100,00 % | 94,08 %<br>100,00 %  | NA               | NA          | NA                   |
|   | Bacterias global            | Clínico                     | 26/26            | 100,00%  | 87,13%-<br>100,00%   | 3447/3449        | 99,94%      | 99,79%-<br>99,98%    |

Tabla 8. (continúa de la página anterior)

|   |  |                          |                  | PPA      |                      |                  | NPA      |                      |
|---|--|--------------------------|------------------|----------|----------------------|------------------|----------|----------------------|
| Tipo de<br>micror-<br>ganismo<br>patógeno | Diana  | Origen de<br>las pruebas | PV/<br>(PV + NF) | %        | IC del 95 %          | NV/<br>(NV + PF) | %        | IC del<br>95 %       |
|   | Enterovirus  | Combinado                | 66/69            | 95,65 %  | 87,98 %-<br>98,51 %  | 570/570          | 100,00 % | 99,33 %-<br>100,00 % |
|   | Virus del herpes<br>simple 1 (VHS-1)                   | Clínico                  | 20/20            | 100,00 % | 83,89 %-<br>100,00 % | 561/561          | 100,00 % | 99,32 %-<br>100,00 % |
|   | Virus del herpes<br>simple 2 (VHS-2)                   | Clínico                  | 23/25            | 92,00 %  | 75,03 %-<br>97,78 %  | 555/555          | 100,00 % | 99,31 %-<br>100,00 % |
| Virus                                     | Parechovirus<br>humano (HPeV)                          | Artificial               | 59/59            | 100,00 % | 93,89 %-<br>100,00 % | 579/579          | 100,00 % | 99,34 %-<br>100,00 % |
|   | Virus del herpes<br>humano tipo 6<br>(VHH-6)           | Clínico                  | 10/11            | 90,91%   | 62,26 %-<br>98,38 %  | 568/569          | 99,82 %  | 99,01 %-<br>99,97 %  |
|   | Virus de la<br>varicela-zóster                         | Clínico                  | 52/55            | 94,55 %  | 85,15 %<br>98,13 %   | 523/525          | 99,62 %  | 98,62 %-<br>99,90 %  |
|   | Virus global   | Clínico                  | 113/120          | 94,17%   | 88,45%-<br>97,15%    | 3356/3359        | 99,91%   | 99,74%-<br>99,97%    |
| Levadura                                  | Cryptococcus<br>gattii/<br>Crypto-coccus<br>neoformans | Clínico                  | 1/1              | 100,00 % | 20,65 %-<br>100,00 % | 5578/5781        | 100,00 % | 99,34 %<br>100,00 %  |

Había once (11) cartuchos (de series de 596 cartuchos) que no produjeron un resultado válido, lo que supuso una tasa de éxito del 98,16% en la serie de cartuchos.

#### Conclusión

El QlAstat-Dx Meningitis/Encephalitis Panel mostró sólidas características del rendimiento clínico para facilitar el diagnóstico de agentes específicos de la meningitis y/o la encefalitis y los resultados deben utilizarse junto con otros datos clínicos, epidemiológicos y de laboratorio.

## Rendimiento analítico

### Sensibilidad (límite de detección)

La sensibilidad analítica o el límite de detección (Limit of Detection, LoD) se define como la concentración mínima en la que ≥95 % de las muestras analizadas generan un resultado positivo.

Se evaluó el LoD de cada microrganismo patógeno del QlAstat-Dx Meningitis/Encephalitis Panel analizando las diluciones de muestras analíticas preparadas a partir de soluciones de partida obtenidas de proveedores comerciales (ZeptoMetrix® y ATCC®).

Se determinó la concentración del LoD de un total de 40 cepas patógenas. El LoD del QIAstat-Dx Meningitis/Encephalitis Panel se determinó por analito usando cepas seleccionadas que representan cada uno de los patógenos que pueden detectarse con el QIAstat-Dx Meningitis/Encephalitis Panel. Todas las diluciones de la muestra se prepararon con LCR clínico negativo. Para confirmar la concentración del LoD establecida, la tasa de detección necesaria de todas las réplicas fue ≥95 %.

Se utilizaron como mínimo cuatro lotes de cartuchos diferentes y al menos tres QlAstat-Dx Analyzers diferentes en la determinación del LoD de cada microrganismo patógeno.

En la tabla 9 se muestran los valores de LoD de cada una de las dianas del QIAstat-Dx ME Panel.

Tabla 9. Resultados del límite de detección

| Microrganismo patógeno | Сера                           | Proveedor   | Unidades               | LoD      |
|------------------------|--------------------------------|-------------|------------------------|----------|
| VHS-1                  | HF                             | ATCC        | TCID <sub>50</sub> /ml | 2,81E+02 |
| VHS1                   | Macintyre                      | ZeptoMetrix | TCID <sub>50</sub> /ml | 3,38E+02 |
| VHS-2                  | G                              | ATCC        | TCID <sub>50</sub> /ml | 2,81E+01 |
| VHS2                   | VHS-2. (Cepa: MS)              | ZeptoMetrix | U/ml                   | 1,26E+01 |
| Escherichia coli K1    | Cepa C5 [Bort];<br>O18ac:K1:H7 | ATCC        | UFC/ml                 | 3,48E+02 |
| Escherichia coli K1    | NCTC 9001.<br>Serovar O1:K1:H7 | ATCC        | UFC/ml                 | 7,86E+02 |
| Haemophilus influenzae | tipo b<br>(encapsulado)        | ATCC        | UFC/ml                 | 3,16E+02 |
| Haemophilus influenzae | Tipo e [cepa<br>AMC 36-A-7]    | ATCC        | UFC/ml                 | 2,54E+03 |

Tabla 9 (continuación de la tabla de la página anterior)

| Microrganismo patógeno                  | Сера   | Proveedor   | Unidades               | LoD      |
|---|--|-------------|------------------------|----------|
| Listeria monocytogenes                  | Tipo 1/2b  | ZeptoMetrix | UFC/ml                 | 5,89E+02 |
| Listeria monocytogenes                  | Tipo 4b. Cepa Li 2                                 | ATCC        | UFC/ml                 | 6,64E+03 |
| Neisseria meningitidis<br>(encapsulado) | Serotipo B. M2092                                  | ATCC        | UFC/ml                 | 8,28E-02 |
| Neisseria meningitidis<br>(encapsulado) | Serotipo Y. M-112<br>[BO-6]                        | ATCC        | UFC/ml                 | 1,33E+01 |
| Streptococcus agalactiae                | Z019   | ZeptoMetrix | UFC/ml                 | 1,75E+03 |
| Streptococcus agalactiae                | G19 grupo B  | ATCC        | UFC/ml                 | 3,38E+03 |
| Streptococcus pneumoniae                | 19F  | ZeptoMetrix | UFC/ml                 | 7,14E+02 |
| Streptococcus pneumoniae                | Serotipo 1. NCTC<br>7465                           | ATCC        | UFC/ml                 | 6,22E-01 |
| Streptococcus pyogenes                  | Z472; Serotipo M1                                  | ZeptoMetrix | UFC/ml                 | 1,80E+03 |
| Streptococcus pyogenes                  | Bruno [CIP<br>104226]                              | ATCC        | UFC/ml                 | 9,10E+01 |
| Mycoplasma pneumoniae                   | PI 1428  | ATCC        | UFC/ml                 | 9,48E+01 |
| Mycoplasma pneumoniae                   | M129   | ZeptoMetrix | UFC/ml                 | 9,99E+01 |
| Citomegalovirus                         | AD-169   | ZeptoMetrix | TCID <sub>50</sub> /ml | 2,45E+00 |
| Citomegalovirus                         | Davis  | ATCC        | TCID <sub>50</sub> /ml | 1,00E+01 |
| Enterovirus A                           | Virus de Coxsackie<br>A16                          | ZeptoMetrix | TCID₅₀/ml              | 3,79E+00 |
| Enterovirus A                           | A6, especie A.<br>Cepa Gdula                       | ATCC        | TCID <sub>50</sub> /ml | 1,60E+02 |
| Enterovirus B                           | Virus de Coxsackie<br>B5                           | ZeptoMetrix | TCID <sub>50</sub> /ml | 8,91E+01 |
| Enterovirus B                           | Virus de Coxsackie<br>A9, especie B                | ZeptoMetrix | TCID <sub>50</sub> /ml | 4,36E+01 |
| Enterovirus C                           | Virus de Coxsackie<br>A17, especie C.<br>Cepa G-12 | ATCC        | TCID₅o/ml              | 1,58E+01 |
| Enterovirus C                           | Virus de Coxsackie<br>A24. Cepa DN-19              | ATCC        | TCID <sub>50</sub> /ml | 4,99E+00 |

Tabla 9 (continuación de la tabla de la página anterior)

| Microrganismo<br>patógeno  | Сера  | Proveedor   | Unidades               | LoD      |
|----------------------------|---|-------------|------------------------|----------|
| Enterovirus D              | EV 70, especie D,<br>cepa J670/71           | ATCC        | TCID₅o/ml              | 4,99E+01 |
| Enterovirus D              | Enterovirus D68.<br>Cepa US/MO/14-<br>18947 | ATCC        | TCID <sub>50</sub> /ml | 5,06E+02 |
| VHH-6                      | VHH-6A.<br>(Cepa: GS) Lisado                | ZeptoMetrix | cp/ml                  | 3,13E+04 |
| VHH6                       | VHH-6B.<br>(Cepa: Z29)                      | ZeptoMetrix | cp/ml                  | 7,29E+04 |
| HPeV                       | Serotipo 1. Cepa<br>Harris                  | ZeptoMetrix | TCID₅₀/ml              | 1,07E+03 |
| HPeV                       | Serotipo 3                                  | ZeptoMetrix | TCID <sub>50</sub> /ml | 3,38E+01 |
| VZV                        | Ellen                                       | ZeptoMetrix | cp/ml                  | 1,71E+02 |
| VZV                        | Oka   | ATCC        | TCID <sub>50</sub> /ml | 5,00E-02 |
| Cryptococcus<br>neoformans | Serotipo D,<br>cepa WM629,<br>tipo VNIV     | ATCC        | UFC/ml                 | 2,21E+03 |
| Cryptococcus<br>neoformans | C. neoformans H99                           | ATCC        | UFC/ml                 | 1,64E+02 |
| Cryptococcus gattii        | Serotipo B,<br>cepa R272,<br>tipo VGIIb     | ATCC        | UFC/ml                 | 1,32E+04 |
| Cryptococcus gattii        | A6MR38 [CBS<br>11545]                       | ATCC        | UFC/ml                 | 2,60E+03 |

## Inclusividad (reactividad analítica)

El estudio de inclusividad (reactividad analítica) amplió la lista de cepas patógenas analizadas durante el estudio de límite de detección (Limit of Detection, LoD) del QIAstat-Dx Meningitis/Encephalitis Panel para confirmar la reactividad del sistema de detección en presencia de diferentes cepas de los mismos microrganismos en una concentración cercana al respectivo límite de detección.

En el estudio se incluyeron diversas cepas clínicamente relevantes de cada microrganismo diana del QIAstat-Dx ME Panel (cepas de inclusividad) representativas de los subtipos, cepas

y serotipos de los microrganismos de diferentes contextos temporales y geográficos de cada analito. El estudio de reactividad analítica (inclusividad) se llevó a cabo en dos pasos:

- Análisis in vitro: se evaluaron muestras analíticas de cada diana incluida en el QIAstat-Dx ME Panel para determina la reactividad del ensayo. En el estudio se incluyó un conjunto de 178 muestras representativas de cepas, subtipos, serotipos y genotipos relevantes para los distintos microrganismos (p. ej., una variedad de diferentes cepas de meningitis/encefalitis aisladas de distintas partes del mundo y en diferentes años calendario).
- Análisis informático: se realizó un análisis informático para hacer predicciones sobre la reactividad del ensayo de todas las secuencias de oligonucleótidos de cebadores-sondas incluidas en el panel en comparación con las bases de datos de secuencias públicamente disponibles para detectar cualquier posible reacción cruzada o la detección inesperada de cualquier conjunto de cebadores. Además, las cepas no disponibles para análisis in vitro se incluyeron en los análisis informáticos para confirmar la inclusividad prevista de las diferentes cepa de los mismos microrganismos.

Tabla 10. Cepas/subtipos clínicamente relevantes detectados por patógeno

| Microrganismo patógeno                          | Cepas/subtipos clínicamente relevantes detectados  |
|---|--|
| Neisseria meningitidis<br>(encapsulado)         | Serotipos encapsulados (A, B, C, D, E, H, I, K, L, NG, W, W135, X, Y, Z, 29E)  |
| Cryptococcus gattii/<br>Cryptococcus neoformans | Serotipo A (C. neoformans var neoformans), serotipo D ( <i>C. neoformans</i> var grubii), serotipos B y C (C. gattii incluidos todos los tipos moleculares VGI, VGII, VGIII, VGIV)   |
| Parechovirus humano                             | Todas las cepas de parechovirus A humano con secuencia 5'-UTR disponible {1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 14, 16, 17, 18 y 19}, incluidos el virus ECHO 22 (HPeV 1) y el virus ECHO 23 (HPeV 2). Aunque había secuencias de poliproteínas para las cepas 9, 10, 11, 12, 13 y 15 de HPeV A, no había secuencias 5'-UTR disponibles.   |
| Listeria monocytogenes                          | Serotipos 1/2a,1/2b, 1/2c, 3a, 3b, 3c, 4a, 4b, 4c, 4d, 4e, 7   |
| Virus del herpes humano<br>tipo 6               | VHH6a y VHH6b  |
| Haemophilus influenzae                          | Todos los serotipos encapsulados (a, b, c, d, e, f) y las cepas no encapsuladas (no tipificables, NTHi) incluyendo var. <i>H. aegyptus</i>   |
| Enterovirus                                     | Virus de Coxsackie A (de CV-A1 a CV-A24), virus de Coxsackie B (de CV-B1 a CV-B6), virus Echo (de E-1 a E-33), Enterovirus A (EV-A71, EV-A76, de EV-A89 a EV-A92, EV-A119, EV-A120), Enterovirus B (EV-B69, de EV-B73 a EV-B75, EV-B79, de EV-B80 a EV-B88, EV-B93, EV-B99, EV-B98, EV-B100, EV-B101, EV-B106, EV-B107, EV-B111), Enterovirus C (EV-C96, EV-C99, EV-C102, EV-C104, EV-C105, EV-C109, de EV-C116 a EV-C118), Enterovirus D (EV-D68, EV-D70, EV-D94), virus de la poliomielitis (de PV-1 a PV-3) |
| Escherichia coli K1                             | Cepas K1   |
| LSCHEHCHIG COH KT                               | Cepus K1   |

En la tabla 11 se detallan las cepas sometidas a análisis de inclusividad.

Tabla 11. Cepas sometidas a análisis de inclusividad

| Microrganismo patógeno | Cepa/serotipo                           | Proveedor     |
|------------------------|---|---------------|
|                        | Cepa C5 [Bort]; O18ac:K1:H7             | ATCC          |
|                        | NCTC 9001. Serovar O1:K1:H7             | ATCC          |
|                        | Cepa Bi 7509/41; O7:K1:H-               | NCTC          |
|                        | NCDC Bi 7509-41<br>Serotipo O7:K1(L):NM | ATCC          |
| Escherichia coli K1    | NCDC F 11119-41                         | ATCC          |
|                        | O-2, U9-41*                             | BEI Resources |
|                        | O-16, F1119-41*                         | BEI Resources |
|                        | Z136 CTX-M-15                           | ZeptoMetrix   |
|                        | Sc15 02:K1:H6                           | NCTC          |
|                        | Cepa H61; O45:K1:H10                    | NCTC          |
|                        | tipo b (encapsulado)                    | ATCC          |
|                        | Tipo e [cepa AMC 36-A-7]                | ATCC          |
|                        | No tipificable [cepa Rd KW20]           | ATCC          |
|                        | No tipificable [cepa 180-a]             | ATCC          |
| Unancabiles influences | Tipo a [cepa AMC 36-A-3]                | ATCC          |
| Haemophilus influenzae | Tipo b [cepa Rab]                       | ATCC          |
|                        | Tipo c [cepa C 9007]                    | ATCC          |
|                        | Tipo d [cepa AMC 36-A-6]                | ATCC          |
|                        | Tipo f [cepa GA-1264]                   | ATCC          |
|                        | L-378                                   | ATCC          |
| Listeria monocytogenes | Tipo 1/2b                               | ZeptoMetrix   |
|                        | Tipo 4b. Cepa Li 2                      | ATCC          |
|                        | Tipo 1/2a. Cepa 2011L-2676              | ATCC          |
|                        | Tipo 1/2a. Cepa li 20                   | ATCC          |
|                        | Tipo 4b                                 | ZeptoMetrix   |

Tabla 11 (continuación de la tabla de la página anterior)

| Microrganismo patógeno   | Cepa/serotipo  | Proveedor     |
|--------------------------|--|---------------|
|                          | Serotipo 4b. Cepa 1071/53<br>[LMG 21264, NCTC 10527]                   | ATCC          |
|                          | Li 23. Serotipo 4a   | ATCC          |
| Escherichia coli K1      | FSL J2-064   | BEI Resources |
|                          | Gibson   | ATCC          |
|                          | EGDe   | ATCC          |
|                          | PI 1428  | ATCC          |
|                          | M129   | ZeptoMetrix   |
| Mycoplasma pneumoniae    | Cepa FH de agente Eaton<br>[NCTC 10119]                                | ATCC          |
|                          | UTMB-1 OP  | ATCC          |
|                          | MAC  | ATCC          |
|                          | Serotipo B. M2092 [CIP 104218, L.<br>Cunningham]                       | ATCC          |
|                          | Serotipo Y. M-112 [BO-6]   | ATCC          |
|                          | Serogrupo A, M1027 [NCTC10025]   | ATCC          |
|                          | Serogrupo C, M1628   | ATCC          |
| Neisseria meningitidis   | Serotipo D. M158 [37A]   | ATCC          |
| (encapsulado)            | secuencia con variante del gen ctrA                                    | IDT           |
|                          | W135   | ATCC          |
|                          | MC58   | ATCC          |
|                          | 79 Eur. Serogrupo B  | ATCC          |
|                          | Serotipo B. M997 [S-3250-L]  | ATCC          |
|                          | Z019   | ZeptoMetrix   |
| Streptococcus agalactiae | G19 grupo B  | ATCC          |
|                          | Serotipo III. Cepa de tipificación<br>D136C(3) [3 Cole 106, CIP 82.45] | ATCC          |
|                          | tipo III-ST283   | ATCC          |
|                          | MNZ929   | BEI Resources |

Tabla 11 (continuación de la tabla de la página anterior)

| Microrganismo patógeno   | Cepa/serotipo   | Proveedor   |  |
|--------------------------|---|-------------|--|
|                          | Cepa de tipificación H36B - tipo lb                               | ATCC        |  |
|                          | CDC SS700 [A909; 5541], tipo 1c                                   | ATCC        |  |
| Streptococcus agalactiae | 3139 [CNCTC 1/82] Serotipo IV                                     | ATCC        |  |
|                          | Z023  | ZeptoMetrix |  |
|                          | 19F   | ZeptoMetrix |  |
|                          | Serotipo 1. NCTC 7465   | ATCC        |  |
|                          | Serotipo 4. TIGR4 [JNR.7/87]                                      | ATCC        |  |
|                          | Serotipo 5. SPN1439-106 [Colombia 5-19]                           | ATCC        |  |
|                          | Serotipo 11A. Tipo 43   | ATCC        |  |
| Streptococcus pneumoniae | Serotipo 14. VH14   | ATCC        |  |
|                          | Serotipo 19A. Hungría 19A-6 [HUN663]                              | ATCC        |  |
|                          | Z319; 12F Zeptometrix   |             |  |
|                          | Diplococcus pneumoniae; tipo 3. Cepa<br>[CIP 104225]              | ATCC        |  |
|                          | DCC1476 [Suecia 15A-25]   | ATCC        |  |
|                          | Z472; Serotipo M1   | ZeptoMetrix |  |
|                          | Bruno [CIP 104226]  | ATCC        |  |
|                          | Z018; Serotipo M58  | ZeptoMetrix |  |
|                          | Serotipo M1. MGAS 5005  | ATCC        |  |
|                          | Grupo A de Lancefield/C203 S                                      | ATCC        |  |
| Streptococcus pyogenes   | NCTC 8709 (Tipo 6 con brillo)                                     | ATCC        |  |
|                          | Grupo a, tipo 12. Cepa de tipificación T12<br>[F. Griffith SF 42] | ATCC        |  |
|                          | Grupo a, tipo 14  | ATCC        |  |
|                          | Grupo a, tipo 23  | ATCC        |  |
|                          | C203 -Tipo 3  | ATCC        |  |

Tabla 11 (continuación de la tabla de la página anterior)

| Microrganismo<br>patógeno | Cepa/serotipo  | Proveedor     |
|---------------------------|--|---------------|
|                           | Virus de Coxsackie A16                                     | ZeptoMetrix   |
|                           | A6, especie A. cepa Gdula                                  | ATCC          |
|                           | A10. M.K. (Kowalik)  | ATCC          |
|                           | Enterovirus 71. Cepa H                                     | ATCC          |
| Enterovirus A             | Especie A, Serotipo EV-A71<br>(cepa aislada en 2003)       | ZeptoMetrix   |
|                           | Tainan/4643/1998   | BEI Resources |
|                           | A2 Fl [Fleetwood]  | ATCC          |
|                           | A7 - 275/58  | ATCC          |
|                           | A12 - Texas 12   | ATCC          |
|                           | EV-A71. Cepa BrCr  | ATCC          |
|                           | Virus de Coxsackie B5                                      | ZeptoMetrix   |
|                           | Virus de Coxsackie A9, especie B                           | ZeptoMetrix   |
|                           | Especie B, Serotipo CV-B1, Cepa Conn-5                     | ATCC          |
|                           | Especie B, Serotipo CV-B2. Cepa Ohio-1                     | ATCC          |
| Enterovirus B             | Virus de Coxsackie B4                                      | ZeptoMetrix   |
| LillerOvilus D            | Virus ECHO 6   | ZeptoMetrix   |
|                           | Virus ECHO 9   | ZeptoMetrix   |
|                           | Virus de Coxsackie B3                                      | ZeptoMetrix   |
|                           | Virus ECHO 18  | NCPV          |
|                           | Especie B, Serotipo E-11                                   | ATCC          |
|                           | Virus de Coxsackie A17, especie C. Cepa G-<br>12           | ATCC          |
| Enterovirus C             | Virus de Coxsackie A24. Cepa DN-19                         | ATCC          |
|                           | Virus de Coxsackie A21. Cepa Kuykendall<br>[V-024-001-012] | ATCC          |
|                           | A11 - Bélgica-1  | ATCC          |
|                           | A13 - Flores   | ATCC          |

Tabla 11 (continuación de la tabla de la página anterior)

| Microrganismo<br>patógeno | Proveedor     | Id. de catálogo   | Cepa/serotipo                                       |
|---------------------------|---------------|-------------------|---|
|                           | ATCC          | VR-182*           | A22 - Chulman                                       |
|                           | ATCC          | VR-178*           | A20 - IH grupo 35                                   |
| Enterovirus C             | ATCC          | VR-176*           | A18 - G-13  |
|                           | NCTC          | 0812075v          | CV-A21. Cepa H06452 472                             |
|                           | NCTC          | 0812074v          | CV-A21. Cepa H06418 508                             |
|                           | ATCC          | VR-836            | EV 70, especie D, cepa J670/71                      |
|                           | ATCC          | VR-1823           | Enterovirus D68. Cepa<br>US/MO/14-18947             |
|                           | ZeptoMetrix   | 0810237CF         | Enterovirus 68. Cepa aislada en 2007                |
|                           | ATCC          | VR-1824           | Enterovirus D68. Cepa US/IL/14-18952                |
| Entraria D                | ATCC          | VR-1197           | D68. Cepa F02-3607 Corn                             |
| Enterovirus D             | ZeptoMetrix   | 0810302CF*        | Tipo 68 Grupo principal (cepa 2 aislada en 09/2014) |
|                           | ATCC          | VR-1825           | Enterovirus D68. Cepa US/KY/14-18953                |
|                           | ATCC          | VR-1826           | Enterovirus D68. Cepa Fermon                        |
|                           | BEI Resources | NR-49130          | Enterovirus D68. US/MO/14-18949                     |
|                           | BEI Resources | NR-51998          | Enterovirus D68. USA/2018-23089                     |
|                           | ATCC          | VR-260            | HF  |
|                           | ZeptoMetrix   | 0810005CF         | Macintyre   |
|                           | ATCC          | VR-733            | F   |
| Virus del herpes simple 1 | ATCC          | VR-1493*          | KOS   |
|                           | ATCC          | VR-1 <i>77</i> 8* | ATCC-2011-1   |
|                           | ATCC          | VR-1789*          | ATCC-2011-9   |
|                           | NCPV          | 0104151v          | 17+   |
|                           | NCTC          | 1806145v          | P5A   |
|                           | NCTC          | 1806147v          | P6  |
|                           | ZeptoMetrix   | 0810201CF*        | Cepa aislada 20                                     |

Tabla 11 (continuación de la tabla de la página anterior)

| Microrganismo patógeno    | Cepa/serotipo                              | Proveedor   |
|---------------------------|--|-------------|
|                           | G  | ATCC        |
|                           | VHS-2. (Cepa: MS)                          | ZeptoMetrix |
|                           | ATCC-2011-2                                | ATCC        |
|                           | 131596                                     | NCPV        |
| Viene del hormos simulo 2 | HG52                                       | NCPV        |
| Virus del herpes simple 2 | Cepa aislada 1                             | ZeptoMetrix |
|                           | 132349 ACV-res                             | NCPV        |
|                           | Cepa aislada 11                            | Zeptometrix |
|                           | Cepa aislada 15                            | Zeptometrix |
|                           | Cepa aislada 20                            | Zeptometrix |
|                           | VHH-6A. (Cepa: GS)                         | ZeptoMetrix |
|                           | VHH-6B. (Cepa: Z29)                        | ZeptoMetrix |
| Virus del herpes humano   | 6B - cepa SF                               | ATCC        |
| tipo 6                    | 6B - cepa HST                              | NCPV        |
|                           | Virus linfotrópico β<br>humano, cepa GS    | ATCC        |
|                           | 6A – cepa U1102                            | NCPV        |
|                           | Serotipo 1. Cepa Harris                    | ZeptoMetrix |
|                           | Serotipo 3                                 | ZeptoMetrix |
|                           | Serotipo 2. Cepa<br>Williamson             | ZeptoMetrix |
|                           | Serotipo 4                                 | ZeptoMetrix |
| Parechovirus humano       | Serotipo 5                                 | ZeptoMetrix |
|                           | Serotipo 6                                 | ZeptoMetrix |
|                           | tipo 3. Cepa US/MO-<br>KC/2014/001         | ATCC        |
|                           | Parechovirus A3. Cepa<br>US/MO-KC/2012/006 | ATCC        |

Tabla 11 (continuación de la tabla de la página anterior)

| Mlcrorganismo patógeno       | Cepa/serotipo                      | Proveedor     |
|------------------------------|------------------------------------|---------------|
|                              | Ellen                              | ZeptoMetrix   |
|                              | Oka                                | ATCC          |
|                              | Cepa aislada A                     | ZeptoMetrix   |
|                              | Cepa aislada B                     | ZeptoMetrix   |
| Virus de la varicela-zóster  | Сера 275                           | ZeptoMetrix   |
| VII 03 de la Vallcela 203lei | Webster                            | ATCC          |
|                              | Сера 82                            | ZeptoMetrix   |
|                              | Cepa aislada D                     | ZeptoMetrix   |
|                              | Сера 9939                          | ZeptoMetrix   |
|                              | Cepa 1700                          | ZeptoMetrix   |
|                              | Serotipo D, cepa WM629, tipo VNIV  | ATCC          |
|                              | H99                                | ATCC          |
|                              | Cepa, CBS 132                      | ATCC          |
|                              | Serotipo A cepa WM148, tipo VNI    | ATCC          |
|                              | M2092                              | ATCC          |
| Cryptococcus neoformans      | Serotipo AD cepa WM628, tipo VNIII | ATCC          |
|                              | Serotipo A                         | ZeptoMetrix   |
|                              | NIH9hi90                           | BEI Resources |
|                              | NIH306                             | BEI Resources |
|                              | Var grubiiYL99α                    | BEI Resources |
|                              | Serotipo B, cepa R272, tipo VGIIb  | ATCC          |
|                              | A6MR38                             | ATCC          |
|                              | Serotipo B cepa WM179, tipo VGI    | ATCC          |
| Cryptococcus gattii          | Serotipo B cepa WM161, tipo VGIII  | ATCC          |
|                              | Serotipo C cepa WM779, tipo VGIV   | ATCC          |
|                              | A1M R265                           | ATCC          |
|                              | 110 [CBS 883]                      | ATCC          |
|                              | AIR265                             | BEI Resources |
|                              | AL 177                             | BEI Resources |
|                              | Alg166                             | DEI Resources |

Todas las cepas de inclusividad analizadas como parte del estudio fueron detectadas por el panel, excepto seis cepas. Estas cepas se detallan en la tabla 12.

Tabla 12. Cepas de inclusividad no detectadas por el QIAstat-Dx ME Panel

| Microganismo patógeno     | Cepa/serotipo   |
|---------------------------|---|
| Virus del herpes simple 1 | ATCC-2011-1   |
| Escherichia coli K1       | NCDC Bi 7509-41 Serotipo O7:K1(L):NM                                |
| Escherichia coli K1       | Z136 CTX-M-15   |
| Enterovirus C             | CV-A21. Cepa H06452 472   |
| Enterovirus C             | CV-A21. Cepa H06418 508   |
| Streptococcus agalactiae  | Serotipo III. Cepa de tipificación D136C(3) [3 Cole 106, CIP 82.45] |

#### Exclusividad

El estudio de especificidad analítica se llevó a cabo mediante pruebas *in vitro* y un análisis informático para evaluar la posible reactividad cruzada y la exclusividad del QIAstat-Dx ME Panel. Se analizaron los microrganismos en el panel para evaluar la posibilidad de reactividad cruzada intrapanel y se analizaron los microrganismos fuera del panel para evaluar la reactividad cruzada con microrganismos no cubiertos por el contenido del panel.

### Resultados del análisis informático

El resultado del análisis informático realizado para todos los diseños de cebador/sonda incluidos en el QIAstat-Dx Meningitis Encephalitis Panel apuntaban a 6 posibles reacciones cruzadas con dianas fuera del panel (enumeradas en la tabla 13)

Tabla 13. Posibles reacciones cruzadas determinadas por el análisis informático

| Microrganismo fuera del panel   | Señal en el panel             |
|---------------------------------|-------------------------------|
| Streptococcus pseudopneumoniae* | S. pneumoniae                 |
| Listeria innocua*               | L. monocytogenes              |
| Haemophilus haemolyticus        | H. influenzae                 |
| Cryptococcus amylolentus        |                               |
| Cryptococcus depauperatus*      | Cryptococcus neoformans/gatti |
| Cryptococcus wingfieldii        |                               |

<sup>\*</sup> El riesgo de reactividad cruzada del análisis informático no se confirmó mediante pruebas in vitro.

Todos los microrganismos de la tabla 13 se analizaron en el estudio de especificidad analítica in vitro.

### Resultados del análisis in vitro

A fin de demostrar el rendimiento de especificidad analítica del QIAstat-Dx Meningitis Panel para los patógenos que podrían estar presentes en la muestra clínica pero que no están cubiertos por el contenido del panel, se analizó una selección de patógenos con posible reactividad cruzada (análisis fuera del panel). Además, la especificidad y la ausencia de reactividad cruzada con los patógenos que forman parte del QIAstat-Dx Meningitis Panel se ha evaluado en títulos altos (análisis en el panel).

Las muestras se prepararon añadiendo microrganismos que posiblemente pueden causar reactividad cruzada a una matriz de LCR artificial en 10<sup>5</sup> TCID<sub>50</sub>/ml en el caso de las dianas víricas y en 10<sup>6</sup> UFC/ml en el de las dianas bacterianas y fúngicas, o la concentración más alta posible con base en la solución de partida del microrganismo.

En la tabla 14 se detallan todas las cepas sometidas a análisis de exclusividad. Para los patógenos señalados con \* se utilizó ADN sintético cuantitativo o material inactivado.

Tabla 14: microrganismos patógenos sometidos a análisis de exclusividad

| Microrganismo patógeno   | Сера  | Proveedor   | ld. de catálogo |
|--------------------------|---|-------------|-----------------|
| Escherichia coli K1      | Cepa C5 [Bort];<br>O18ac:K1:H7                  | ATCC        | 700973          |
| Haemophilus influenzae   | Tipo e [cepa AMC 36-A-7]                        | ATCC        | 8142            |
| Listeria monocytogenes   | Tipo 4b. Cepa Li 2                              | ATCC        | 19115           |
| Mycoplasma pneumoniae    | M129  | ZeptoMetrix | 801579          |
| Neisseria meningitidis   | Serotipo Y. M-112 [BO-6]                        | ATCC        | 35561           |
| Streptococcus pneumoniae | 19F   | ZeptoMetrix | 801439          |
| Streptococcus agalactiae | Z019  | Zeptometrix | 801545          |
| Streptococcus pyogenes   | Z472; Serotipo M1                               | Zeptometrix | 804351          |
| Enterovirus A            | A6, especie A. Cepa Gdula                       | ATCC        | VR-1801         |
| Enterovirus B            | Virus de Coxsackie B5                           | ZeptoMetrix | 0810019CF       |
| Enterovirus C            | Virus de Coxsackie A17,<br>especie C. Cepa G-12 | ATCC        | VR-1023         |
| Enterovirus D            | Enterovirus D68. Cepa<br>US/MO/14-18947         | ATCC        | VR-1823         |

Tabla 14 (continuación de la tabla de la página anterior)

| Microrganismo patógeno                   | Сера  | Proveedor     | Id. de catálogo    |
|--|---|---------------|--------------------|
| Virus del herpes simple 1                | Macintyre   | ZeptoMetrix   | 0810005CF          |
| Virus del herpes simple 2                | VHS-2. (Cepa: MS)   | ZeptoMetrix   | 0810006CF          |
| Virus del herpes humano<br>tipo 6        | VHH-6B. (Cepa: Z29)   | ZeptoMetrix   | 0810072CF          |
| Parechovirus humano                      | Serotipo 3  | ZeptoMetrix   | 08101 <i>47</i> CF |
| Virus de la varicela-zóster              | Ellen   | ZeptoMetrix   | 0810171CF          |
| Cryptococcus neoformans                  | WM629 [CBS 10079]   | ATCC          | MYA-4567           |
| Cryptococcus gattii                      | Serotipo B, cepa R272, tipo VGIIb   | ATCC          | MYA-4094           |
| Adenovirus A12                           | Huie  | ATCC          | VR-863             |
| Adenovirus C2                            | Adenoide 6 (NIAID 202-001-014)  | ATCC          | VR-846             |
| Adenovirus D20                           | A.A   | ATCC          | VR-1090            |
| Adenovirus E4                            | RI-67   | ATCC          | VR-1 <i>57</i> 2   |
| Adenovirus F41                           | Tak   | ZeptoMetrix   | 0810085CF          |
| Poliomavirus BK                          | N/A   | ATCC          | VR-837             |
| Coronavirus 229E                         | 229E  | ATCC          | VR-740             |
| Coronavirus NL63                         | NL63 (Ámsterdam I)  | BEI Resources | NR-470             |
| Coronavirus OC43                         | OC43  | ATCC          | VR-1558            |
| Virus del dengue (tipo 2)*               | Guinea C nueva  | ZeptoMetrix   | 0810089CFHI        |
| Virus de Epstein-Barr                    | B95-8   | ZeptoMetrix   | 0810008CF          |
| Virus de la hepatitis B (VHB)*           | N/A   | ZeptoMetrix   | 0810031C           |
| Virus de la hepatitis C (VHC)*           | N/A   | ZeptoMetrix   | 0810032C           |
| Virus del herpes humano<br>tipo 7        | SB  | ZeptoMetrix   | 0810071CF          |
| Virus del herpes humano<br>tipo 8        | N/A   | ZeptoMetrix   | 0810104CF          |
| Virus de la inmunodeficiencia<br>humana* | ARN cuantitativo sintético del virus de la inmunodeficiencia humana 1 (VIH-1) | ATCC          | VR-3245SD          |
| Rinovirus humano A1b                     | 2060  | ATCC          | VR-1559            |
| Rinovirus humano A16                     | 11757   | ATCC          | VR-283             |
| Rinovirus humano B3                      | FEB   | ATCC          | VR-483             |
| Rinovirus humano B83                     | Baylor 7 [V-190-001-021]  | ATCC          | VR-1193            |
| Poliomavirus JC                          | MAD-4   | ATCC          | VR-1583            |

Tabla 14 (continuación de la tabla de la página anterior)

| Microrganismo patógeno   | Сера   | Proveedor   | Id. de catálogo |
|--|--|-------------|-----------------|
| Virus del sarampión  | Edmonston  | ATCC        | VR-24           |
| Virus de la parotiditis  | Jones  | ATCC        | VR-1438         |
| Virus del Nilo<br>Occidental*  | 1986   | ZeptoMetrix | VR-3274SD       |
| Virus paragripal 2   | Greer  | ATCC        | VR-92           |
| Virus paragripal 4   | N/A  | ZeptoMetrix | 0810060CF       |
| Parvovirus B19   | B19  | ZeptoMetrix | 0810064C        |
| Virus respiratorio sincicial   | A2   | ATCC        | VR-1540         |
| Rotavirus  | RRV (rotavirus Rhesus)   | ZeptoMetrix | 0810530CF       |
| Virus de la rubéola  | N/A  | ZeptoMetrix | 0810048CF       |
| Virus de la encefalitis de<br>San Luis*                                      | Parton   | ZeptoMetrix | 0810080CFHI     |
| Candida glabrata   | CBS 138  | ATCC        | 2001            |
| Candida krusei   | N/A  | ATCC        | 14243           |
| Candida lusitaniae   | Z010   | ZeptoMetrix | 801603          |
| Candida metapsilosis   | MCO429   | ATCC        | 96143           |
| Candida orthopsilosis  | MCO471   | ATCC        | 96140           |
| Candida viswanathii  | PK 233 [NCYC 997, pK233]   | ATCC        | 20336           |
| Candida parapsilosis   | CBS 604  | ATCC        | 22019           |
| Candida tropicalis   | Vitek #8935  | ATCC        | 750             |
| Cryptococcus albidus   | AmMS 228   | ATCC        | 66030           |
| Cryptococcus amylolentus   | NRRY Y-7784  | ATCC        | 56469           |
| Cryptococcus laurentii   | CBS 139  | ATCC        | 18803           |
| Cryptococcus uniguttulatus   | AmMS 234   | ATCC        | 66033           |
| Cryptococcus adeliensis =<br>Cryptococcus adeliae =<br>Naganishia adeliensis | Cryptococcus adeliae   | ATCC        | 201412          |
| Cryptococcus flavescens =<br>Papiliotrema flavescens                         | Cryptococcus laurentii var. flavescens<br>(Saito) Lodder et Kreger-van Rij | ATCC        | 10668           |
| Gripe A H1N1   | A/Florida/3/2006   | ATCC        | VR-1893         |
| Gripe A H1N1-2009  | A/California/08/2009 (H1N1pdm)   | ATCC        | VR-1895         |

Tabla 14 (continuación de la tabla de la página anterior)

| Microrganismo patógeno  | Сера                              | Proveedor        | Id. de catálogo |
|---|-----------------------------------|------------------|-----------------|
| Gripe A H3N2  | A/Port Chalmers/1/73              | ATCC             | VR-810          |
| Gripe B   | B/Virginia/ATCC4/2009             | ATCC             | VR-1784         |
| Cryptococcus wingfieldii =<br>Tsuchiyaea wingfieldii                                    | OTU 26                            | Collection Belga | CBS 7118        |
| Cryptococcus depauperatus<br>= Aspergillus depauperatus =<br>Filobasidiella depauperata | K [ARSEF 2058, CBS 7842]          | ATCC             | 64866           |
| Filobasidium capsuligenum   | ML-186                            | ATCC             | 22179           |
| Naeglaria fowleri*  | ADN genómico de Naegleria fowleri | ATCC             | 301 <i>74</i> D |
| Toxoplasma gondii   | Haplogrupo 2                      | ATCC             | 50611           |
| Aspergillus fumigatus   | Z014                              | ZeptoMetrix      | 801716          |
| Candida albicans  | CBS 562                           | ATCC             | 18804           |
| Candida dubliniensis  | Z145                              | ZeptoMetrix      | 801915          |
| Bacillus cereus   | Z091                              | ZeptoMetrix      | 801823          |
| Citrobacter freundii  | [ATCC 13316, NCTC 9750]           | ATCC             | 8090            |
| Corynebacterium striatum  | CDC F6683                         | ATCC             | 43751           |
| Corynebacterium urealyticus   | 3 [cepa Garcia]                   | ATCC             | 43044           |
| Cronobacter (Enterobacter)<br>sakazakii   | CDC 4562-70                       | ATCC             | 29544           |
| Enterobacter aerogenes  | Z052                              | ZeptoMetrix      | 801518          |
| Enterobacter cloacae  | CDC 442-68                        | ATCC             | 13047           |
| Escherichia coli (diferente<br>de K1)   | 2003-3055                         | ATCC             | BAA-2212        |
| Escherichia fergusonii  | Z302                              | ZeptoMetrix      | 804113          |
| Escherichia hermannii   | CDC 980-72                        | ZeptoMetrix      | 804068          |
| Escherichia vulneris  | CDC 875-72                        | ATCC             | 33821           |
| Haemophilus ducreyi   | CF101                             | ATCC             | 33940           |
| Haemophilus haemolyticus  | NCTC 10659                        | ATCC             | 33390           |
| Haemophilus<br>parahaemolyticus   | 536 [NCTC 8479]                   | ATCC             | 10014           |

Tabla 14 (continuación de la tabla de la página anterior)

| Microrganismo patógeno            | Сера  | Proveedor   | ld. de catálogo |
|-----------------------------------|---|-------------|-----------------|
| Haemophilus parainfluenzae        | NCTC 7857                                   | ATCC        | 33392           |
| Klebsiella pneumoniae             | NCTC 9633<br>[NCDC 298-53, NCDC 410-68]     | ATCC        | 13883           |
| Listeria innocua                  | SLCC 3379                                   | ATCC        | 33090           |
| Listeria ivanovii                 | Li 1979                                     | ATCC        | 19119           |
| Morganella morganii               | AM-15                                       | ATCC        | 25830           |
| Streptococcus salivarius          | C699  | ATCC        | 13419           |
| Streptococcus sanguinis           | DSS-10                                      | ATCC        | 10556           |
| Streptococcus<br>pseudopneumoniae | CDC-SS-1757                                 | ATCC        | BAA-960         |
| Mycoplasma genitalium             | M30   | ATCC        | 49895           |
| Neisseria lactamica               | NCDC A7515                                  | ATCC        | 23970           |
| Neisseria mucosa                  | AmMS 138                                    | ATCC        | 49233           |
| Neisseria sicca                   | AMC 14-D-1                                  | ATCC        | 9913            |
| Neisseria gonorrhoeae             | Z017  | ZeptoMetrix | 801482          |
| Pantoea agglomerans               | Enterobacter agglomerans                    | ATCC        | 27155           |
| Proprionibacterium acnes          | NCTC 737                                    | ATCC        | 6919            |
| Proteus mirabilis                 | LRA 08 01 73 [API SA, DSM 6674]             | ATCC        | 7002            |
| Pseudomonas aeruginosa            | PRD-10 [CIP 103467, NCIB 10421,<br>PCI 812] | ATCC        | 15442           |
| Saccharomyces cerevisiae          | NRRL Y-567                                  | ATCC        | 9763            |
| Salmonella bongori                | CIP 82.33                                   | ATCC        | 43975           |
| Salmonella enterica               | CDC K-1891 [ATCC 25928]                     | ATCC        | 13076           |
| Serratia marcescens               | PCI 1107                                    | ATCC        | 14756           |
| Shigella boydii                   | CDC C-123                                   | ATCC        | 12033           |
| Shigella flexneri                 | Z046  | ZeptoMetrix | 801 <i>757</i>  |
| Shigella sonnei                   | AMC 43-GG9                                  | ATCC        | 9290            |
| Staphylococcus aureus             | FDA 209                                     | ATCC        | CRM-6538        |
| Staphylococcus capitis            | PRA 360 677                                 | ATCC        | 35661           |

Tabla 14 (continuación de la tabla de la página anterior)

| Microrganismo patógeno          | Сера                       | Proveedor   | Id. de catálogo |
|---------------------------------|----------------------------|-------------|-----------------|
| Staphylococcus epidermidis      | FDA cepa PCI 1200          | ATCC        | 12228           |
| Staphylococcus haemolyticus     | SM 131                     | ATCC        | 29970           |
| Staphylococcus hominis          | Z031                       | ZeptoMetrix | 801727          |
| Staphylococcus lugdunensis      | LRA 260.05.79              | ATCC        | 49576           |
| Staphylococcus saprophyticus    | NCTC 7292                  | ATCC        | 15305           |
| Streptococcus anginosus         | NCTC 10713                 | ATCC        | 33397           |
| Streptococcus bovis             | Z167                       | ZeptoMetrix | 804015          |
| Streptococcus dysgalactiae      | Cepa de agrupación C74     | ATCC        | 12388           |
| Streptococcus intermedius       | Z126                       | ZeptoMetrix | 801895          |
| Streptococcus oralis            | Z307                       | ZeptoMetrix | 804293          |
| Streptococcus mitis (tigurinus) | Cepa aislada en la clínica | ZeptoMetrix | 801695          |
| Streptococcus mutans            | LRA 28 02 81               | ATCC        | 35668           |

Todos los microrganismos/virus analizados mostraron resultados negativos en las tres réplicas analizadas (no se detectaron señales positivas inesperadas), excepto en el caso de los microrganismos patógenos que se muestran en la tabla siguiente. Los microrganismos patógenos que presentan reactividad cruzada con el panel y la concentración más baja en la que se detecta reactividad cruzada se enumeran en la tabla 15.

Tabla 15. Muestras que presentaron reactividad cruzada con el panel

| Diana de QIAstat-Dx Meningitis | Microrganismo con posible reactividad cruzada†    | Concentración de<br>reactividad cruzada<br>declarada en las<br>instrucciones de uso |
|--------------------------------|---|---|
| Mycoplasma pneumoniae          | Propionibacterium acnes*                          | ≥1,00E+04 UFC/ml  |
| Mycoplasma pneumoniae          | Mycoplasma genitalium                             | ≥1,00E+06 UFC/ml  |
| Haemophilus influenzae         | Haemophilus haemolyticus                          | ≥1,00E+03 UFC/ml  |
| Cryptococcus neoformans/gattii | Cryptococcus wingfieldii = Tsuchiyaea wingfieldii | ≥1,00E+01 UFC/ml  |
| Cryptococcus neoformans/gattii | Cryptococcus flavescens = Papiliotrema flavescens | ≥4,00E+03 UFC/ml  |
| Cryptococcus neoformans/gattii | Cryptococcus amylolentus                          | ≥1,00E+01 UFC/ml  |

<sup>\*</sup> No se predijo que Propionibacterium acnes presentara reacción cruzada con Mycoplasma pneumoniae.

<sup>&</sup>lt;sup>†</sup> La reacción cruzada predicha en el análisis informático para *Listeria innocua* con el ensayo de *Listeria monocytogenes* y para Cryptococcus depauperatus con el ensayo de *Cryptococcus neoformans/gattii* no se confirmó in vitro.

#### Infecciones concomitantes

Se analizaron muestras combinadas que contenían una mezcla de dos dianas distintas añadidas en concentraciones altas y bajas a LCR artificial. Se incluyeron dianas bacterianas, víricas y de levaduras, y los microrganismos detectados en la misma cámara de reacción se eligieron para la preparación y el análisis de las muestras. La selección y la combinaciones de las dianas se basaron en la relevancia clínica. Se analizaron tres réplicas por muestra.

En la tabla 16 se muestra un resumen de las mezclas de coinfección finales a través de las cuales el alto porcentaje de analito (High Percentage Analyte, HPA) no inhibe el bajo porcentaje de analito (Low Percentage Analyte, LPA).

Tabla 16. Mezclas de coinfección en las que la concentración del HPA no inhibe el LPA

| LPA                       |               |                        | <b>НРА*</b>                 |               |                        |
|---------------------------|---------------|------------------------|-----------------------------|---------------|------------------------|
| Mlcrorganismo<br>patógeno | Concentración | Unidades               | Microrganismo<br>patógeno   | Concentración | Unidades               |
| Escherichia coli K1       | 3,30E+02      | UFC/ml                 | Haemophilus<br>influenzae   | 1,00E+06      | UFC/ml                 |
| Haemophilus<br>influenzae | 9,48E+02      | UFC/ml                 | Escherichia coli K1         | 1,00E+06      | UFC/ml                 |
| Mycoplasma<br>pneumoniae  | 2,84E+02      | UFC/ml                 | VHS-1                       | 1,00E+05      | TCID <sub>50</sub> /ml |
| VHS-1                     | 2,67E+02      | TCID <sub>50</sub> /ml | Mycoplasma<br>pneumoniae    | 1,00E+03      | UFC/ml                 |
| Haemophilus<br>influenzae | 9,48E+02      | UFC/ml                 | VHS-2                       | 1,00E+02      | TCID <sub>50</sub> /ml |
| VHS-2                     | 3,78E+01      | TCID <sub>50</sub> /ml | Haemophilus<br>influenzae   | 1,00E+06      | UFC/ml                 |
| VHH-6                     | 9,39E+04      | UFC/ml                 | Listeria<br>monocytogenes   | 1,00E+06      | UFC/ml                 |
| Listeria<br>monocytogenes | 5,58E+03      | UFC/ml                 | VHH-6                       | 1,00E+05      | cp/ml                  |
| VHS-1†                    | 2,67E+02      | TCID <sub>50</sub> /ml | Streptococcus<br>pneumoniae | 1,00E+02      | UFC/ml                 |

Tabla 16. (continúa de la página anterior)

| LPA                         |               |                        | HPA*                      |               |                        |
|-----------------------------|---------------|------------------------|---------------------------|---------------|------------------------|
| Microrganismo<br>patógeno   | Concentración | Unidades               | Microrganismo<br>patógeno | Concentración | Unidades               |
| Streptococcus<br>pneumoniae | 6,78E+02      | UFC/ml                 | VHS-1                     | 1,00E+05      | TCID <sub>50</sub> /ml |
| Haemophilus<br>influenzae   | 9,48E+02      | UFC/ml                 | Streptococcus pneumoniae  | 1,00E+06      | UFC/ml                 |
| Streptococcus pneumoniae    | 6,78E+02      | UFC/ml                 | Haemophilus<br>influenzae | 1,00E+06      | UFC/ml                 |
| Listeria<br>monocytogenes   | 5,58E+03      | UFC/ml                 | Streptococcus pneumoniae  | 1,00E+06      | UFC/ml                 |
| Streptococcus pneumoniae    | 6,78E+02      | UFC/ml                 | Listeria<br>monocytogenes | 1,00E+06      | UFC/ml                 |
| Cryptococcus neoformans     | 6,63E+03      | UFC/ml                 | Streptococcus pneumoniae  | 1,00E+06      | UFC/ml                 |
| Streptococcus pneumoniae    | 6,78E+02      | UFC/ml                 | Cryptococcus neoformans   | 1,00E+05      | UFC/ml                 |
| Neisseria<br>meningitidis   | 3,99E+01      | UFC/ml                 | Haemophilus<br>influenzae | 1,00E+06      | UFC/ml                 |
| Haemophilus<br>influenzae   | 9,48E+02      | UFC/ml                 | Neisseria<br>meningitidis | 1,00E+06      | UFC/ml                 |
| VZV                         | 1,62E+02      | UFC/ml                 | Neisseria<br>meningitidis | 1,00E+06      | UFC/ml                 |
| Neisseria<br>meningitidis   | 3,99E+01      | UFC/ml                 | VZV                       | 1,00E+05      | UFC/ml                 |
| Enterovirus                 | 4,80E+02      | TCID <sub>50</sub> /ml | Streptococcus pyogenes    | 1,00E+06      | UFC/ml                 |
| Streptococcus pyogenes      | 1,71E+03      | UFC/ml                 | Enterovirus               | 1,00E+05      | TCID <sub>50</sub> /ml |
| Parechovirus                | 1,01E+02      | UFC/ml                 | Enterovirus               | 1,00E+05      | TCID <sub>50</sub> /ml |
| Enterovirus                 | 4,80E+02      | UFC/ml                 | Parechovirus              | 1,00E+05      | UFC/ml                 |
| VHH-6                       | 9,39E+04      | cp/ml                  | VHS-1                     | 1,00E+05      | TCID <sub>50</sub> /ml |
| VHS-1                       | 2,67E+02      | TCID <sub>50</sub> /ml | VHH-6                     | 1,00E+05      | cp/ml                  |
| Streptococcus<br>agalactiae | 5,25E+03      | UFC/ml                 | VHS-2                     | 1,00E+05      | TCID <sub>50</sub> /ml |

<sup>\*</sup> Concentración más baja que no inhibe el LPA

<sup>&</sup>lt;sup>†</sup> La concentración de HPA (*S. pneumoniae*) que no inhibe el LPA (VHS1) se identificó como 1,00E+02 UFC/ml. Sin embargo, esta concentración se encuentra por debajo del LoD determinado en el ensayo para *S. pneumoniae* (7,14E+02 UFC/ml) y se observó una caída del HPA. (Nota: se demostró una detección comparable al analizar *S. pneumoniae* a 6,78E+02 UFC/ml y el VHS-1 se analizó a 1,00E+05 TCID<sub>50</sub>/ml. Por tanto, parece que unas concentraciones elevadas de VHS-1 no interfieren con la detección de *S. pneumoniae*, pero *S. pneumoniae* sí interfiere con la detección del VHS-1).

#### Sustancias interferentes

Se evaluó el efecto de las posibles sustancias interferentes en la detectabilidad de los microrganismos del QIAstat-Dx ME Panel. Las sustancias analizadas en el estudio (31) incluían tanto sustancias endógenas como exógenas que suelen encontrarse o introducirse en las muestras de LCR durante la recogida de la muestra.

Se analizaron todos los microrganismos diana del QIAstat-Dx ME Panel en 3 x LoD en una matriz de LCR artificial y el análisis se realizó por triplicado. Las posibles sustancias interferentes se añadieron a las muestras en un nivel que se estimó superior a la concentración de la sustancia que probablemente se encontraría en una muestra de LCR.

Tabla 17. Resumen de sustancias interferentes analizadas

| Nombre  | Concentración analizada | Interferencia |
|---|-------------------------|---------------|
| Sustancias endógenas                          |                         |               |
| Sangre humana                                 | 10 % (v/v)              | No            |
| ADNg  | 20 μg/ml                | Sí            |
| ADNg  | 2 μg/ml                 | No            |
| D(+)glucosa                                   | 10 mg/ml                | No            |
| L-lactato (Na)                                | 2,2 mg/ml               | No            |
| Inmunoglobulina G (humana)                    | 20 mg/ml                | No            |
| Albúmina (humana)                             | 30 mg/ml                | No            |
| Células mononucleares de sangre<br>periférica | 10 000 células/µl       | No            |
| Sustancias exógenas                           |                         |               |
| Clorhexidina                                  | 0,4 % (p/v)             | No            |
| Etanol  | 7 % (v/v)               | No            |
| Lejía   | 1 % (v/v)               | Sí            |
| Lejía   | 0,1 % (v/v)             | Sí            |
| Lejía   | 0,01 % (v/v)            | No            |
| Aciclovir                                     | 69 µg/ml                | No            |
| Anfotericina B                                | 5,1 µg/ml               | No            |

Tabla 17 (continuación de la tabla de la página anterior)

| Nombre                             | Concentración analizada      | Interferente |  |
|------------------------------------|------------------------------|--------------|--|
| Ampicilina                         | 210 μg/ml                    | No           |  |
| Ceftriaxona (LCRa)                 | 840 μg/ml                    | No           |  |
| Ceftriaxona (PBS)                  | 840 μg/ml                    | No           |  |
| Cefotaxima                         | 645 µg/ml                    | No           |  |
| Ganciclovir                        | 25 μg/ml                     | No           |  |
| Gentamicina                        | 30 μg/ml                     | No           |  |
| Meropenem                          | 339 µg/ml                    | No           |  |
| Vancomicina                        | 180 µg/ml                    | No           |  |
| Voriconazol                        | 11 µg/ml                     | No           |  |
| Oseltamivir                        | 0,399 µg/ml                  | No           |  |
| Microrganismos no diana            |                              |              |  |
| Virus de Epstein-Barr              | 1E+05 cp/ml                  | No           |  |
| Gripe A H1N1-2009                  | 1E+05 CEID 50/ml             | No           |  |
| Cutibacterium acnes                | 1E+06 UFC/ml                 | No           |  |
| Staphylococcus epidermidis         | 1E+06 UFC/ml                 | No           |  |
| Escherichia coli (diferente de K1) | 1E+06 UFC/ml                 | No           |  |
| Staphylococcus aureus              | 1E+06 UFC/ml                 | No           |  |
| Virus del sarampión                | 1E+05 TCID <sub>50</sub> /ml | No           |  |

**Nota**: También se analizó la posible interferencia de todos los disolventes o tampones utilizados en la preparación de sustancias interferentes, y no se detectó ninguna.

Todas las posibles sustancias interferentes endógenas y exógenas se han evaluado y se ha confirmado que no interfieren con ninguno de los ensayos diana del panel a las concentraciones posiblemente presentes en las muestras clínicas. Esto se cumple excepto para la lejía y el ADNg, para los que se observaron interferencias y, por tanto, se ha determinado la concentración más baja de las sustancias que causa interferencias.

#### Contaminación por arrastre

Se efectuó un estudio de contaminación por arrastre para evaluar la posible aparición de contaminación cruzada entre series consecutivas al usar el QlAstat-Dx Meningitis Encephalitis Panel en el QlAstat-Dx Analyzer 1.0. Se analizaron muestras patógenas de LCR, alternando muestras positivas altas (10<sup>5</sup>-10<sup>6</sup> microrganismo/ml) y muestras negativas, en dos instrumentos QlAstat-Dx Analyzer 1.0. No se observó arrastre entre las muestras en el QlAstat-Dx Meningitis/Encephalitis panel, lo que mostró que el diseño del sistema y las prácticas recomendadas de manipulación y análisis de las muestras son eficaces a la hora de evitar resultados inesperados a causa de arrastre o contaminación cruzada entre las muestras.

#### Repetibilidad y reproducibilidad

Para evaluar la reproducibilidad se siguió un esquema multicéntrico consistente en el análisis de muestras negativas y positivas en dos centros de estudio diferentes con distintas variables del flujo de trabajo, como los centros, los días, los instrumentos, los operadores y los lotes de cartucho, que podrían repercutir en la precisión del sistema. Las muestras negativas consistieron en LCR artificial. Las muestras positivas combinadas consistieron en LCR artificial enriquecido con un panel representativo de patógenos que cubría todos los tipos detectados por el QIAstat-Dx ME Panel (es decir, virus ADN, virus ARN, bacterias grampositivas, bacterias gramnegativas y levaduras) en el límite de detección (1 x LoD) y en una concentración de 3 x LoD. Por cada centro, se realizaron análisis en 5 días no consecutivos por mezcla con 9 réplicas por día por mezcla (lo que significa un total de 45 réplicas por diana, concentración y centro), un mínimo de 9 QIAstat-Dx Analyzers diferentes por centro y como mínimo 3 operadores en cada día de análisis.

El análisis de la reproducibilidad estaba diseñado para evaluar las variables críticas que podrían repercutir en el rendimiento del QIAstat-Dx ME Panel en el contexto de su uso rutinario y previsto.

En el estudio de repetibilidad se analizó el mismo panel de muestras de acuerdo con un esquema en un solo centro. El análisis de la repetibilidad estaba diseñado para evaluar la precisión de un QIAstat-Dx ME Panel Cartridge en condiciones similares (intralaboratorio). El estudio de repetibilidad se evaluó con las mismas muestras que se utilizaron para las pruebas de reproducibilidad en el centro 1.

Tabla 18. Proporción de resultados de repetibilidad correctos

| Variable(s) de agrupamiento    |          | Prop  | orción   | Límite de confianza del 95 %<br>bilateral |          |
|--------------------------------|----------|-------|----------|---|----------|
| Cryptococcus                   | 1 × LoD  | 60/60 | 100,00 % | 94,04 %                                   | 100,00 % |
| neoformans/ gattii             | 3 × LoD  | 61/61 | 100,00 % | 94,13 %                                   | 100,00 % |
| Enterovirus                    | 1 × LoD  | 60/60 | 100,00 % | 94,04 %                                   | 100,00 % |
|                                | 3 × LoD  | 61/61 | 100,00 % | 94,13 %                                   | 100,00 % |
| Listeria<br>monocytogenes      | 1 × LoD  | 60/60 | 100,00 % | 94,04 %                                   | 100,00 % |
|                                | 3 × LoD  | 61/61 | 100,00 % | 94,13 %                                   | 100,00 % |
| Mycoplasma<br>pneumoniae       | 1 × LoD  | 60/60 | 100,00 % | 94,04 %                                   | 100,00 % |
|                                | 3 × LoD  | 61/61 | 100,00 % | 94,13 %                                   | 100,00 % |
| Negativo                       | Negativo | 60/60 | 100,00 % | 94,04 %                                   | 100,00 % |
| Streptococcus<br>agalactiae    | 1 × LoD  | 60/60 | 100,00 % | 94,04 %                                   | 100,00 % |
|                                | 3 × LoD  | 61/61 | 100,00 % | 94,13 %                                   | 100,00 % |
| Virus de la<br>varicela-zóster | 1 × LoD  | 51/60 | 85,00 %  | 73,43 %                                   | 92,90 %  |
|                                | 3 × LoD  | 60/61 | 98,36 %  | 91,20 %                                   | 99.96 %  |

Tabla 19. Proporción de resultados de reproducibilidad correctos

| Variable(s) de agrupamiento        |               | Proporción |          | Límite de confianza del 95 %<br>bilateral |          |          |
|------------------------------------|---------------|------------|----------|---|----------|----------|
| Diana                              | Concentración | Centro     | Fracción | Porcentaje                                | Inferior | Superior |
| Cryptococcus<br>neoformans/ gattii |               | 1          | 45/45    | 100,00 %                                  | 92,13 %  | 100,00 % |
|                                    | 1 × LoD       | 2          | 45/45    | 100,00 %                                  | 92,13 %  | 100,00 % |
|                                    |               | Todos      | 90/90    | 100,00 %                                  | 95,98 %  | 100,00 % |
|                                    |               | 1          | 45/45    | 100,00 %                                  | 92,13 %  | 100,00 % |
|                                    | 3 × LoD       | 2          | 45/45    | 100,00 %                                  | 92,13 %  | 100,00 % |
|                                    |               | Todos      | 90/90    | 100,00 %                                  | 95,98 %  | 100,00 % |
| Enterovirus                        |               | 1          | 45/45    | 100,00 %                                  | 92,13 %  | 100,00 % |
|                                    | 1 × LoD       | 2          | 45/45    | 100,00 %                                  | 92,13 %  | 100,00 % |
|                                    |               | Todos      | 90/90    | 100,00 %                                  | 95,98 %  | 100,00 % |
|                                    |               | 1          | 45/45    | 100,00 %                                  | 92,13 %  | 100,00 % |
|                                    | 3 × LoD       | 2          | 45/45    | 100,00 %                                  | 92,13 %  | 100,00 % |
|                                    |               | Todos      | 90/90    | 100,00 %                                  | 95,98 %  | 100,00 % |

Continúa en la página siguiente

Tabla 19 (continuación de la tabla de la página anterior)

| Variable(s) de agrupamiento |               | Proporción |          |            | Límite de confianza del 95 %<br>bilateral |          |
|-----------------------------|---------------|------------|----------|------------|---|----------|
| Diana                       | Concentración | Centro     | Fracción | Porcentaje | Inferior                                  | Superior |
|                             | 1 × LoD       | 1          | 45/45    | 100,00 %   | 92,13 %                                   | 100,00 % |
|                             |               | 2          | 44/45    | 97,78 %    | 88,23 %                                   | 99,94 %  |
| listoria                    |               | Todos      | 89/90    | 98,89 %    | 93,96 %                                   | 99,97 %  |
| Listeria<br>monocytogenes   |               | 1          | 45/45    | 100,00 %   | 92,13 %                                   | 100,00 % |
|                             | 3 × LoD       | 2          | 45/45    | 100,00 %   | 92,13 %                                   | 100,00 % |
|                             |               | Todos      | 90/90    | 100,00 %   | 95,98 %                                   | 100,00 % |
|                             |               | 1          | 45/45    | 100,00 %   | 92,13 %                                   | 100,00 % |
|                             | 1 × LoD       | 2          | 45/45    | 100,00 %   | 92,13 %                                   | 100,00 % |
|                             |               | Todos      | 90/90    | 100,00 %   | 95,98 %                                   | 100,00 % |
| Mycoplasma<br>pneumoniae    |               | 1          | 45/45    | 100,00 %   | 92,13 %                                   | 100,00 % |
| pneomoniae                  | 3 × LoD       | 2          | 45/45    | 100,00 %   | 92,13 %                                   | 100,00 % |
|                             |               | Todos      | 90/90    | 100,00 %   | 95,98 %                                   | 100,00 % |
| Negativo                    | Negativo      | 1          | 44/44    | 100,00 %   | 91,96 %                                   | 100,00 % |
|                             |               | 2          | 45/45    | 100,00 %   | 92,13 %                                   | 100,00 % |
|                             |               | Todos      | 89/89    | 100,00 %   | 95,94 %                                   | 100,00 % |
| Streptococcus<br>agalactiae |               | 1          | 45/45    | 100,00 %   | 92,13 %                                   | 100,00 % |
|                             | 1 × LoD       | 2          | 45/45    | 100,00 %   | 92,13 %                                   | 100,00 % |
|                             |               | Todos      | 90/90    | 100,00 %   | 95,98 %                                   | 100,00 % |
|                             |               | 1          | 45/45    | 100,00 %   | 92,13 %                                   | 100,00 % |
|                             | 3 × LoD       | 2          | 45/45    | 100,00 %   | 92,13 %                                   | 100,00 % |
|                             |               | Todos      | 90/90    | 100,00 %   | 95,98 %                                   | 100,00 % |
| Virus de la varicela-zóster | 1 × LoD       | 1          | 39/45    | 86,67 %    | 73,21 %                                   | 94,95 %  |
|                             |               | 2          | 38/45    | 84,44 %    | 70,54 %                                   | 93,51 %  |
|                             |               | Todos      | 77/90    | 85,56 %    | 76,57 %                                   | 92,08 %  |
|                             | 3 × LoD       | 1          | 44/45    | 97,78 %    | 88,23 %                                   | 99,94 %  |
|                             |               | 2          | 45/45    | 100,00 %   | 92,13 %                                   | 100,00 % |
|                             |               | Todos      | 89/90    | 98,89 %    | 93,96 %                                   | 99,97 %  |

En conclusión, se cumplen los requisitos de reproducibilidad y repetibilidad de las pruebas realizadas con el QlAstat-Dx Meningitis Panel.

# Apéndice A: Instalación del archivo de definición de ensayos

El archivo de definición de ensayos del QIAstat-Dx ME Panel debe instalarse en el QIAstat-Dx Analyzer 1.0 antes de realizar el análisis con los QIAstat-Dx ME Panel Cartridges.

**Nota**: Siempre que aparezca una nueva versión del ensayo del QIAstat-Dx ME Panel, debe instalarse el nuevo archivo de definición de ensayos del QIAstat-Dx ME Panel antes de realizar el análisis.

**Nota**: Los archivos de definición de ensayos están disponibles en www.qiagen.com. El archivo definición de ensayos (tipo de archivo .asy) se debe guardar en una unidad USB antes de instalarlo en el QIAstat-Dx Analyzer 1.0. La unidad USB debe formatearse con un sistema de archivos FAT32.

Para importar ensayos al QIAstat-Dx Analyzer 1.0, siga estos pasos:

- 1. Introduzca el dispositivo de almacenamiento USB que contiene el archivo de definición de ensayos en uno de los puertos USB del QIAstat-Dx Analyzer 1.0.
- Pulse el botón Options (Opciones) y, a continuación, el botón Assay Management (Administración de ensayos). Aparecerá la pantalla Assay Management (Administración de ensayos) en la zona de contenido de la pantalla (figura 25).

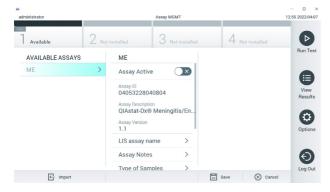


Figura 25. Pantalla Assay Management (Administración de ensayos).

- 3. Pulse el icono Import (Importar) en la parte inferior izquierda de la pantalla.
- 4. Seleccione el archivo correspondiente al ensayo que desea importar desde la unidad USB.
- 5. Aparecerá un cuadro de diálogo para confirmar la carga del archivo.
- Si se instaló una versión anterior del QIAstat-Dx ME Panel, aparecerá un cuadro de diálogo para sustituir la versión actual por la nueva. Pulse Yes (Sí) para confirmar la acción.
- 7. El ensayo quedará activo al pulsar el botón Assay Active (Ensayo activo) (figura 26).

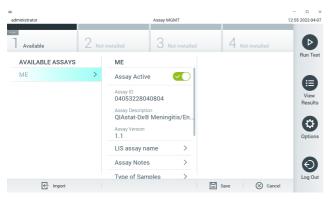


Figura 26. Activación del ensayo.

8. Asigne el ensayo activo al usuario pulsando el botón Options (Opciones) y, a continuación, el botón User Management (Administración de usuarios). Seleccione el usuario que debe tener permiso para realizar el ensayo. A continuación, seleccione Assign Assays (Asignar ensayos) en **User Options** (Opciones del usuario). Active el ensayo y pulse el botón Save (Guardar) (figura 27).

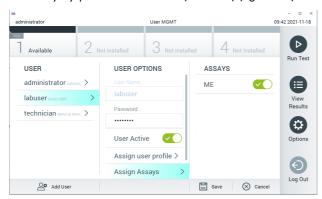


Figura 27. Asignación del ensayo activo.

#### Apéndice B: Glosario

Curva de amplificación: representación gráfica de los datos de amplificación de la real-time RT-PCR múltiple.

Módulo analítico (Analytical Module, AM): módulo de hardware principal del QIAstat-Dx Analyzer 1.0 que se encarga de efectuar análisis en los QIAstat-Dx Meningitis/Encephalitis Panel Cartridges. Está controlado por el módulo operativo. Pueden conectarse varios módulos analíticos a un solo módulo operativo.

QlAstat-Dx Analyzer 1.0: el QlAstat-Dx Analyzer 1.0 está compuesto por un módulo operativo y un módulo analítico. El módulo operativo incluye elementos que proporcionan conectividad al módulo analítico y permite al usuario interactuar con el QlAstat-Dx Analyzer 1.0. El módulo analítico contiene el hardware y el software para las pruebas y el análisis de las muestras.

QIAstat-Dx ME Panel Cartridge: dispositivo de plástico desechable independiente con todos los reactivos precargados necesarios para realizar ensayos moleculares completos totalmente automatizados para detectar microrganismos patógenos de la meningitis/encefalitis.

IFU: instrucciones de uso

Puerto principal: en el QIAstat-Dx ME Panel Cartridge, entrada para muestras líquidas en medio de transporte.

Ácidos nucleicos: biopolímeros o pequeñas biomoléculas compuestas por nucleótidos, que son monómeros formados por tres componentes: un monosacárido de cinco carbonos, un grupo fosfato y una base nitrogenada.

Módulo operativo (Operational Module, OM): hardware del QlAstat-Dx Analyzer 1.0 específico que proporciona al usuario una interfaz para uno, dos, tres o cuatro módulos analíticos (Analytical Module, AM).

PCR: reacción en cadena de la polimerasa.

RT: transcripción inversa.

Usuario: persona que utiliza el QIAstat-Dx Analyzer 1.0/QIAstat-Dx ME Panel Cartridge del modo previsto.

## Apéndice C: Exclusión de garantías

SALVO LO DISPUESTO EN LOS TÉRMINOS Y CONDICIONES DE VENTA DE QIAGEN PARA EL QIAstat-Dx ME Panel Cartridge, QIAGEN NO ASUME NINGUNA RESPONSABILIDAD Y RECHAZA CUALQUIER GARANTÍA EXPLÍCITA O IMPLÍCITA CON RESPECTO AL USO DEL QIAstat-Dx ME Panel Cartridge, INCLUIDAS LAS RESPONSABILIDADES O GARANTÍAS RELACIONADAS CON LA COMERCIABILIDAD, LA IDONEIDAD PARA UN FIN DETERMINADO O LA VULNERACIÓN DE CUALQUIER PATENTE, DERECHO DE AUTOR O CUALQUIER DERECHO DE PROPIEDAD INTELECTUAL EN CUALQUIER PARTE DEL MUNDO.

#### Referencias

- 1. Meningitis and Encephalitis Fact Sheet. https://www.ninds.nih.gov/disorders/patient-caregiver-education/fact-sheets/meningitis-and-encephalitis-fact-sheet
- 2. Meningitis. https://www.cdc.gov/meningitis/index.html

### Símbolos

En la tabla siguiente, se describen los símbolos que pueden aparecer en el etiquetado o en este documento.

| <b>∑</b> / <n></n> | Contiene suficientes reactivos para <n> reacciones</n>                  |
|--------------------|---|
| Σ                  | Fecha de caducidad  |
| IVD                | Producto sanitario para diagnóstico in vitro                            |
| C€                 | Marcado CE de Conformidad Europea                                       |
| REF                | Número de catálogo  |
| LOT                | Número de lote  |
| MAT                | Número de material (es decir, etiquetado de los componentes)            |
| Rn                 | "R" significa revisión del manual de uso y "n" es el número de revisión |
| *                  | Limitación de temperatura   |
| ***                | Fabricante  |
|                    | Consultar las instrucciones de uso                                      |
| $\triangle$        | Precaución  |
| SN                 | Número de serie   |

| 2            | No reutilizar   |
|--------------|---|
| 类            | Mantener alejado de la luz solar                                |
| 8            | No utilizar si el envase está dañado                            |
| GTIN         | Número mundial de artículo comercial                            |
| <b>&amp;</b> | Inflamable, riesgo de incendio                                  |
|              | Corrosivo, riesgo de quemadura química                          |
| <b>&amp;</b> | Riesgo para la salud, riesgo de sensibilización, carcinogénesis |
| <u></u>      | Riesgo de daño  |

## Historial de revisiones de las instrucciones de uso (manual de uso)

| Fecha                       | Cambios  |
|-----------------------------|--|
| Revisión 1<br>Enero 2022    | Versión inicial.   |
| Revisión 2<br>Abril de 2022 | Actualización de las imágenes para reflejar la versión<br>1.1 del software ADF<br>Actualización de la sección Rendimiento clínico. |

#### Acuerdo de licencia limitada para el QIAstat-Dx ME Panel

La utilización de este producto implica por parte de cualquier comprador o usuario del producto la aceptación de los siguientes términos:

- El producto debe utilizarse exclusivamente de acuerdo con los protocolos proporcionados con el producto y este manual de uso, así como con los componentes contenidos en el kit. QIAGEN no ofrece licencia alguna bajo ninguna de sus propiedades intelectuales para utilizar o incorporar los componentes suministrados en este kit con componentes no incluidos en el mismo, excepto según se describe en los protocolos proporcionados con el producto, este manual de uso y otros protocolos disponibles en www.qiagen.com. Algunos de estos protocolos adicionales han sido proporcionados por usuarios de QIAGEN para usuarios de QIAGEN. QIAGEN no ha probado ni optimizado estos protocolos en profundidad. Por ello, QIAGEN no los garantiza ni asegura que no infrinjan los derechos
- Aparte de las licencias expresamente especificadas, QIAGEN no garantiza que este kit y/o su uso no infrinjan los derechos de terceros.
- Este kit y sus componentes tienen licencia para un solo uso y no se pueden reutilizar, reacondicionar ni revender.
- QIAGEN renuncia específicamente a toda responsabilidad respecto a cualquier otra licencia, explícita o implícita, distinta de las licencias expresamente especificadas.
- El comprador y el usuario del kit aceptan no llevar a cabo ni permitir que otros lleven a cabo medidas que puedan conducir a acciones prohibidas en las especificaciones anteriores o que puedan facilitarlas. QIAGEN se reserva el derecho de emprender acciones legales ante cualquier tribunal para el cumplimiento de las prohibiciones especificadas en este Acuerdo de licencia limitada y recuperará todos los gastos derivados de la investigación y de los gastos judiciales, incluidas las costas procesales, en cualquier acción emprendida para hacer cumplir este Acuerdo de licencia limitada o cualquier otro derecho de propiedad intelectual en relación con este kit y/o con sus componentes.

Para obtener los términos de licencia actualizados, visite www.aigaen.com.

Marcas comerciales: QIAGEN®, Sample to Insight®, QIAstat-Dx®, DiagCORE® (QIAGEN Group); AirClean (AirClean Systems, Inc.); Bel-Art Scienceware® (Bel-Art Products); Clinical and Laboratory Standards Institute® (Clinical Laboratory and Standards Institute, Inc.). No debe considerarse que los nombres registrados, marcas comerciales, etc., que se utilizan en este documento no están protegidos por la ley, aunque no se indique específicamente.

HB-3002-003 R2 04/2022 © 2022 QIAGEN. Todos los derechos reservados.

