

Kit QIASymphony® DSP Virus/Pathogen

Les kits QIASymphony DSP Virus/Pathogen sont prévus exclusivement pour une utilisation sur QIASymphony SP. Ils fournissent les réactifs nécessaires à une purification entièrement automatisée et simultanée d'acides nucléiques viraux provenant de sérum, de plasma ou de liquide céphalorachidien ou d'acides nucléiques viraux et d'ADN bactérien issus de divers échantillons tels que des échantillons respiratoires (écouvillonnage, aspiration, expectorations, lavage bronchoalvéolaire (LBA)), des échantillons d'urine et des échantillons urogénitaux (écouvillonnage cervical ou urétral). Les kits peuvent être utilisés pour purifier les acides nucléiques d'un très grand nombre de virus à ADN et à ARN ainsi que l'ADN de bactéries Gram négatives ou Gram positives. Cependant, la performance du kit n'est pas garantie pour chaque espèce de virus ou de bactéries et doit être validée par l'utilisateur.

Caractéristiques de performance

Plage linéaire

La plage linéaire du kit QIASymphony DSP Virus/Pathogen a été évaluée en prenant pour exemple de virus l'ARN du VIH-1. Les tests ont été effectués avec des dilutions de panels de virus quantifiés réalisées dans du plasma humain non porteur du VIH-1. Des séries de dilutions avec 7 titres de virus différents ont été testées avec jusqu'à 6 réplicats chacune. La plage linéaire de la procédure du kit QIASymphony DSP Virus/Pathogen a été déterminée pour le VIH-1 avec une analyse RT-PCR interne (figure 1). Les acides nucléiques viraux ont été purifiés à partir d'échantillons de 1000 μ l avec un volume d'élution de 60 μ l.

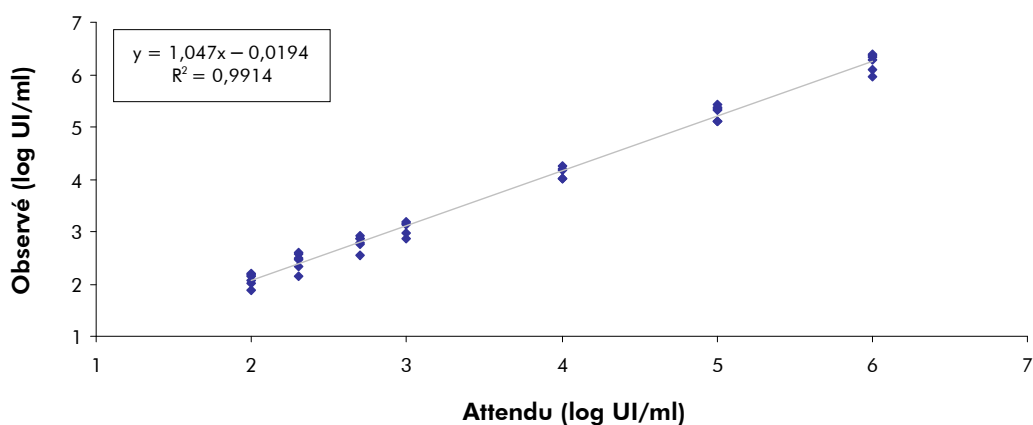


Figure 1. Plage linéaire des rendements avec le protocole du virus Cellfree 1000. La plage linéaire du protocole du virus Cellfree a été déterminée en utilisant des séries de dilutions virales et une analyse RT-PCR interne pour le virus à ARN du VIH-1.



Précision

Des écarts et des coefficients de variations (CV) standard ont été déterminés pour les séries de dilutions du VIH-1 dans la plage linéaire des analyses en aval appropriées. Pour la détermination de la précision, les mêmes analyses en aval que celles de la détermination de la plage linéaire (figure 1) ont été utilisées. Les données de précision inter-analyses sont représentées dans le tableau 1. Pour chaque membre du panel, 5 ou 6 réplicats ont été extraits sur QIASymphony SP.

Tableau 1. Précision inter-analyses du protocole du virus Cellfree 1000 en utilisant une analyse RT-PCR interne pour le virus à ARN du VIH-1.

Membre du panel	n	UI/ml	CV (%)	log UI/ml	SD (log UI/ml)
1	6	1 835 700	30,04	6,24	0,15
2	6	199 931	26,99	5,28	0,13
3	5	13 785	21,02	4,13	0,09
4	5	1363	17,49	3,13	0,09
5	6	642	24,82	2,79	0,12
6	6	294	31,12	2,44	0,16
7	6	123	23,25	2,08	0,11

Pour obtenir des informations à jour et les clauses de responsabilité spécifiques aux produits, consulter le manuel du kit ou le manuel d'utilisation QIAGEN respectifs. Les manuels des kits et manuels d'utilisation QIAGEN sont disponibles à l'adresse www.qiagen.com ou peuvent être demandés auprès des Services techniques QIAGEN ou du distributeur local.

Marques de commerce : QIAGEN®, QIASymphony® (Groupe QIAGEN).
Mai-10 © 2010 QIAGEN, tous droits réservés.

www.qiagen.com

Australia ■ 1-800-243-800

Austria ■ 0800/281010

Belgium ■ 0800-79612

Canada ■ 800-572-9613

China ■ 021-51345678

Denmark ■ 80-885945

Finland ■ 0800-914416

France ■ 01-60-920-930

Germany ■ 02103-29-12000

Hong Kong ■ 800 933 965

Ireland ■ 1800 555 049

Italy ■ 800 787980

Japan ■ 03-5547-0811

Korea (South) ■ 1544 7145

Luxembourg ■ 8002 2076

The Netherlands ■ 0800 0229592

Norway ■ 800-18859

Singapore ■ 65-67775366

Spain ■ 91-630-7050

Sweden ■ 020-790282

Switzerland ■ 055-254-22-11

UK ■ 01293-422-911

USA ■ 800-426-8157

