

Août 2015

Manuel d'utilisation du logiciel du système *digene*[®] HC2[®]

Destiné à une utilisation avec le logiciel du système
digene HC2 version 3.4
inclus dans la suite 4.4 du système *digene* HC2



IVD



QIAGEN
19300 Germantown Road
Germantown, MD 20874
ÉTATS-UNIS



QIAGEN GmbH
QIAGEN Strasse 1
40724 Hilden
ALLEMAGNE

9024225FR Rév. 01

Marques déposées : QIAGEN®, Sample to Insight®, *digene*®, HC2®, Hybrid Capture®, Rapid Capture® (QIAGEN Group) ; Clinical and Laboratory Standards Institute® (Clinical and Laboratory Standards Institute, Inc.) ; Excel®, Internet Explorer®, Microsoft®, Windows® (Microsoft Corporation) ; McAfee® (Intel Corporation) ; Unicode® (Unicode, Inc.).

Les captures d'écran des produits Microsoft sont réimprimées avec la permission de Microsoft Corporation.

Les noms déposés, les marques déposées, etc., cités dans le présent document, même s'ils ne sont pas spécifiquement signalés comme tels, ne doivent pas être considérés comme non protégés par la loi.

© 2014-2015 QIAGEN, tous droits réservés.

Table des matières

1	Introduction.....	12
1.1	À propos de ce manuel.....	12
1.1.1	Références aux protocoles de dosage personnalisés.....	12
1.2	Informations générales.....	12
1.2.1	Assistance technique.....	12
1.2.2	Gestion des versions.....	13
1.2.3	Déclaration de principe.....	13
1.2.4	Accord de licence du logiciel.....	13
1.2.5	Accord de licence.....	13
1.2.6	Restrictions.....	13
1.2.7	Résiliation et cession.....	14
1.2.8	Communication de l'accord de licence.....	14
1.2.9	Utilisation non autorisée et conformité.....	14
1.2.10	Garantie et clauses spéciales.....	14
1.2.11	Responsabilité limitée.....	14
1.3	Utilisation prévue.....	15
1.3.1	Exigences pour les utilisateurs.....	15
1.4	Logiciel d'exploitation.....	15
2	Informations de sécurité.....	20
2.1	Utilisation appropriée.....	20
2.2	Sécurité électrique.....	21
3	Description fonctionnelle.....	22
3.1	Logiciel du système <i>digene</i> HC2.....	22
4	Procédures de déballage.....	23
4.1	Matériels fournis.....	23
4.2	Déballage du matériel du système <i>digene</i> HC2.....	23
5	Installation.....	24
5.1	Branchement des composants matériels du système <i>digene</i> HC2.....	24
5.2	Installation du logiciel du système <i>digene</i> HC2.....	24

5.3	Installation des protocoles de dosage du système <i>digene</i> HC2.....	25
5.4	Configuration du système d'exploitation Windows.....	26
5.4.1	Basculement de l'affichage du panneau de configuration vers l'affichage classique	26
5.4.2	Spécification du format du papier de l'imprimante.....	27
5.4.3	Configuration de la résolution d'écran du moniteur	28
5.4.4	Configuration de la numérotation des pages.....	29
5.4.5	Configuration des options régionales.....	30
5.4.6	Configuration de comptes utilisateur dans le système d'exploitation Windows	33
5.5	Désinstallation de la suite logicielle du système <i>digene</i> HC2	34
5.6	Scanners antivirus.....	35
6	Fonctions logicielles.....	36
6.1	Utilisation de l'onglet Plates	37
6.1.1	Utilisation de la fenêtre Create/Edit Layout (Créer/Modifier l'agencement). 41 Reportez-vous à « Modification d'un seul échantillon dans la boîte de dialogue New/Edit Specimens », page 153, pour plus d'instructions.....	46
6.1.2	Utilisation de la boîte de dialogue Header Information (Informations d'en-tête)	49
6.1.3	Utilisation de la boîte de dialogue New/Edit Specimens	51
6.1.4	Utilisation des boîtes de dialogue Edit Specimen et Edit Multiple Specimens (Modifier plusieurs échantillons).....	57
6.2	Utilisation de l'onglet Measure (Mesure).....	60
6.3	Utilisation de l'onglet Assay Protocols	63
6.3.1	Utilisation de la boîte de dialogue Edit IVD Assay Protocol (Modifier un protocole de dosage IVD).....	67
6.3.2	Utilisation de la boîte de dialogue View IVD Assay Protocol	67
6.3.3	Utilisation de la boîte de dialogue Quality Control List	77
6.3.4	Utilisation de la fenêtre Specimen List	80
6.4	Utilisation de l'onglet Patients	85
6.5	Utilisation de l'onglet Trends (Tendances)	87
6.6	Utilisation de l'onglet Users (Utilisateurs)	90

6.7	Utilisation de l'onglet Utilities/Settings (Utilitaires/Paramètres)	92
6.7.1	Utilisation de la fenêtre Audit Log	99
6.8	Utilisation de l'onglet Luminometer Settings	102
6.8.1	Utilisation de l'onglet Luminometer Settings avec un DML 3000.....	103
6.8.2	Utilisation de la boîte de dialogue Luminometer Controls avec un DML 3000	105
6.8.3	Utilisation de l'onglet Luminometer Settings avec un DML 2000.....	107
6.8.4	Utilisation de la boîte de dialogue Luminometer Controls avec un DML 2000	111
6.9	Utilisation de la fenêtre QIAGEN Report Viewer	114
7	Fonctionnement général	116
7.1	Démarrage du système <i>digene</i> HC2.....	116
7.2	Arrêt du système <i>digene</i> HC2.....	117
7.3	Gestion des utilisateurs	118
7.3.1	Créer un utilisateur	119
7.3.2	Modification d'un utilisateur.....	120
7.4	Définition des paramètres de sécurité	122
7.4.1	Réglage du compteur d'inactivité	122
7.4.2	Définition de l'expiration du mot de passe.....	122
7.4.3	Paramétrage du nombre de tentatives de connexion autorisées	123
7.4.4	Paramétrage de la profondeur d'historique du mot de passe	123
7.5	Configuration du logiciel du système <i>digene</i> HC2	123
7.5.1	Détermination du niveau d'accès requis pour valider les résultats.....	124
7.5.2	Modification de l'invite pendant la mesure des plaques.....	124
7.5.3	Modification des informations du laboratoire.....	125
7.5.4	Gestion des paramètres d'archivage.....	125
7.5.5	Configuration du répertoire du lecteur de code-barres RCS.....	126
7.6	Gestion des paramètres d'exportation des données	128
7.6.1	Configuration de l'exportation des données sur la base des normes du CLSI	128
7.6.2	Configuration de l'exportation des données sur la base des normes HL7..	129

7.6.3	Configuration de la communication bidirectionnelle	129
7.6.4	Définition de l'exportation éventuelle des résultats préliminaires	131
7.6.5	Définition de l'exportation automatique éventuelle des résultats validés	131
7.6.6	Définition de l'exportation éventuelle des résultats de l'étalon et du contrôle de qualité pour les dosages ayant échoué	131
7.7	Utilisation d'un lecteur de code-barres portable	131
7.8	Gestion de l'instrument DML	132
7.8.1	Ajout d'un instrument DML	132
7.8.2	Modification des paramètres d'un instrument DML	134
7.8.3	Réalisation d'un test mécanique.....	134
7.8.4	Qu'est-ce qu'un relevé de référence du bruit de fond (100).....	135
7.8.5	Effectuer un relevé de référence du bruit de fond (100)	136
7.8.6	Définition de la fréquence des relevés de référence du bruit de fond (100)	136
7.8.7	Qu'est-ce qu'un relevé du bruit de fond de la plaque (10)	137
7.8.8	Commande manuelle de l'instrument DML	137
7.8.9	Suppression d'un instrument DML.....	138
7.9	Qu'est-ce qu'un protocole de dosage.....	138
7.9.1	Visualisation des informations des protocoles de dosage.....	139
7.9.2	Impression et enregistrement des informations sur les protocoles de dosage	139
7.10	Modification des protocoles de dosage.....	140
7.11	Suppression d'un protocole de dosage.....	140
7.12	Restauration des protocoles de dosage du système <i>digene</i> HC2	141
7.13	Qu'est-ce qu'un échantillon.....	141
7.13.1	Qu'est-ce qu'un type d'échantillon.....	142
7.13.2	Modification du type d'échantillon par défaut d'un protocole de dosage...	143
7.13.3	Qu'est-ce qu'un état d'échantillon	144
7.13.4	Qu'est-ce qu'un algorithme de retest	144
7.13.5	Retest d'un échantillon sur la base de répliqués	145
7.14	Création d'échantillons.....	146

7.14.1	Création d'un échantillon à partir d'une commande de test émanant du LIS	146
7.14.2	Création d'un échantillon individuel.....	147
7.14.3	Création d'une série d'échantillons.....	148
7.14.4	Création d'échantillons depuis un fichier texte.....	149
7.14.5	Copie d'échantillons non liés dans un protocole de dosage.....	150
7.14.6	Copie d'échantillons d'un protocole de dosage à un autre.....	151
7.15	Visualisation des informations relatives à l'échantillon.....	151
7.16	Modification des informations relatives à l'échantillon.....	152
7.16.1	Modification d'un seul échantillon dans la boîte de dialogue Edit Specimen	152
7.16.2	Modification de plusieurs échantillons dans la boîte de dialogue Edit Multiple Specimens	153
7.16.3	Modification d'un ou de plusieurs échantillons dans la boîte de dialogue Edit Unbound Specimen	154
7.16.4	Modification d'un seul échantillon dans la boîte de dialogue New/Edit Specimens	154
7.16.5	Modification de plusieurs échantillons dans la boîte de dialogue New/Edit Specimens	156
7.17	Impression ou enregistrement de la liste des échantillons.....	157
7.17.1	Impression de la liste des échantillons non attribués.....	158
7.18	Exportation des échantillons non attribués.....	159
7.19	Suppression d'échantillons.....	159
7.19.1	Suppression d'un échantillon non lié.....	160
7.19.2	Suppression d'un échantillon dans la fenêtre Specimen List	160
7.19.3	Suppression d'un échantillon dans la fenêtre Create/Edit Layout	161
7.20	Gestion des patients.....	161
7.20.1	Création d'un patient à partir d'une commande de test émanant du LIS...	161
7.20.2	Création d'un patient.....	162
7.20.3	Visualisation des informations relatives au patient.....	162
7.20.4	Modification des informations relatives au patient.....	163
7.20.5	Création d'un commentaire sur le patient.....	163

7.20.6	Modification d'un commentaire sur le patient	163
7.20.7	Suppression d'un commentaire sur le patient.....	164
7.20.8	Suppression d'un ID de patient	164
7.21	Gestion des lots de kits	164
7.21.1	Création du lot d'un kit	165
7.21.2	Modification des paramètres du lot du kit.....	165
7.21.3	Suppression du lot d'un kit	166
7.21.4	Impression ou enregistrement des informations sur les lots de kits	166
7.22	Gestion des contrôles de qualité	166
7.22.1	Création d'un contrôle de qualité facultatif.....	167
7.22.2	Modification d'un contrôle de qualité obligatoire	168
7.22.3	Modification d'un contrôle de qualité facultatif	168
7.22.4	Suppression d'un contrôle de qualité facultatif.....	169
7.22.5	Impression ou enregistrement de la liste des contrôles de qualité.....	170
7.23	Qu'est-ce qu'une plaque	170
7.24	Création d'une plaque d'hybridation à partir d'un instrument de pré-analyse	172
7.24.1	Qu'est-ce qu'un contrôle de qualité sur une plaque créée à partir d'un instrument de pré-analyse	174
7.24.2	Qu'est-ce qu'un échantillon équivoque ou non valide.....	174
7.25	Modification d'une plaque d'hybridation créée à partir d'un instrument de pré-analyse.....	175
7.25.1	Modification des contrôles de qualité sur une plaque créée à partir d'un instrument de pré-analyse	175
7.25.2	Modification des échantillons sur une plaque créée à partir d'un instrument de pré-analyse.....	175
7.26	Création manuelle d'une plaque d'hybridation	176
7.26.1	Création d'un ID de plaque d'hybridation	176
7.26.2	Ajout d'un protocole de dosage à une plaque	177
7.26.3	Ajout d'un contrôle de qualité à une plaque	178
7.26.4	Ajout d'un échantillon à une plaque.....	179
7.27	Modification de la plaque.....	181

7.27.1	Déplacement d'un protocole de dosage sur la grille d'agencement des plaques	181
7.27.2	Déplacement d'un échantillon ou d'un contrôle de qualité sur la grille d'agencement des plaques	182
7.28	Association d'une plaque de capture à une plaque d'hybridation	182
7.28.1	Association automatique d'une plaque de capture	183
7.28.2	Association manuelle d'un ID de plaque de capture.....	184
7.29	Impression d'une plaque	184
7.30	Suppression d'une plaque	184
7.31	Mesure d'une plaque	185
7.31.1	Annulation de la mesure de la plaque.....	187
7.32	Mesure d'une plaque sous forme de données brutes.....	189
7.33	Génération de rapports de test	190
7.33.1	Qu'est-ce qu'un rapport sur les données brutes de la plaque	191
7.33.2	Qu'est-ce qu'un rapport sur les plaques.....	193
7.33.3	Qu'est-ce qu'un rapport sur les colonnes	196
7.33.4	Qu'est-ce qu'un rapport sur les dosages	200
7.34	Génération de rapports sur les échantillons	205
7.34.1	Qu'est-ce qu'un rapport sur les échantillons individuels	206
7.34.2	Qu'est-ce qu'un rapport sur l'historique de l'échantillon	208
7.35	Qu'est-ce qu'un résultat de test.....	210
7.35.1	Visualisation des résultats de validation du dosage	211
7.35.2	Qu'est-ce qu'un résultat fractionné	211
7.35.3	Suppression de l'état d'un échantillon	212
7.35.4	Nouvelle mesure d'une plaque	213
7.35.5	Nouvelle mesure d'un échantillon	213
7.36	Validation des résultats.....	215
7.37	Génération de rapports sur les tendances.....	216
7.37.1	Qu'est-ce qu'un rapport sur les tendances du patient	218
7.37.2	Qu'est-ce qu'un rapport sur l'établissement des tendances des contrôles de qualité.....	220

7.37.3	Qu'est-ce qu'un rapport sur l'établissement des tendances des étalons par lot du kit	222
7.37.4	Qu'est-ce qu'un rapport sur l'établissement des tendances des étalons par utilisateur.....	224
7.37.5	Qu'est-ce qu'un rapport sur les tendances de l'échantillon.....	226
7.37.6	Qu'est-ce qu'un rapport sur les tendances de la valeur de référence du bruit de fond (100)	227
7.37.7	Qu'est-ce qu'un rapport sur les tendances du bruit de fond de la plaque (10)	229
7.38	Sauvegarde des données.....	231
7.39	Exportation de données	232
7.40	Création d'une archive	233
7.40.1	Visualisation d'une archive	234
7.40.2	Récupération d'une archive	235
7.40.3	Transfert d'une archive vers un périphérique de stockage USB	236
7.41	Visualisation du journal d'audit.....	237
8	Maintenance	238
9	Résolution des principaux problèmes rencontrés.....	239
9.1	Problèmes et messages d'erreur relatifs aux performances de l'instrument DML	239
9.1.1	Messages d'erreur d'initialisation ou de communication entre l'ordinateur du système HC2 et l'instrument DML.....	239
9.1.2	Message indiquant que la porte est ouverte.....	240
9.1.3	Cliquetis dans l'instrument DML.....	240
9.1.4	Relevés en RLU très élevés sur la plaque.....	241
9.1.5	Message indiquant que l'iris ne s'est pas ouvert.....	241
9.1.6	Résultats irréguliers pour les puits vides et les échantillons de faible intensité.....	242
9.2	Erreurs lors de l'association des ID de plaque de capture à l'aide du lecteur de code-barres RCS	242
9.2.1	Aucun code-barres n'est lu	243
9.2.2	Échec de la lecture initiale de la plaque d'hybridation.....	243
9.2.3	Échec de la lecture initiale de la plaque de capture.....	244

9.2.4	Échec de la lecture finale de la plaque de capture	244
9.2.5	Non-correspondance entre la lecture finale et la lecture initiale de la plaque de capture	245
9.3	Erreurs lors de l'exportation des données.....	245
9.3.1	Erreur lors de la transmission vers le LIS.....	245
9.3.2	La plaque conserve l'état d'exportation « transmitting ».....	246
9.4	Erreurs de bruit de fond de la plaque	246
9.5	Échec de la création d'une plaque d'hybridation à partir d'un instrument de pré-analyse	247
10	Glossaire	248
Annexe A	— Données techniques.....	253
Annexe B	— Abréviations.....	255
Index	256

1 Introduction

Merci d'avoir choisi le logiciel du système *digene* Hybrid Capture® 2 (HC2). Nous sommes persuadés qu'il fera partie intégrante de votre laboratoire.

Avant d'utiliser le logiciel du système *digene* HC2, il est impératif de lire attentivement ce manuel d'utilisation et de porter une attention particulière aux informations de sécurité. Pour garantir un fonctionnement sûr, il est impératif de suivre les instructions et les informations de sécurité fournies dans le manuel d'utilisation.

1.1 À propos de ce manuel

Ce manuel d'utilisation fournit des instructions sur l'utilisation du logiciel du système *digene* HC2 en vue de la mesure et de l'analyse d'échantillons sur un luminomètre pour microplaques (instrument DML) *digene*. Le présent manuel d'utilisation doit être consulté avec les autres manuels d'utilisation fournis avec la suite du système *digene* HC2.

1.1.1 Références aux protocoles de dosage personnalisés

Les protocoles de dosage personnalisés ne doivent pas être utilisés pour le diagnostic in vitro avec le logiciel du système *digene* HC2.

1.2 Informations générales

1.2.1 Assistance technique

Chez QIAGEN, nous sommes fiers de la qualité et de la disponibilité de notre assistance technique. Pour toute question ou si vous avez la moindre difficulté, n'hésitez pas à nous contacter.

Les clients QIAGEN sont une précieuse source d'informations sur nos produits. Nous vous encourageons à prendre contact avec nous si vous avez des questions ou des commentaires à faire sur nos produits.

Pour toute assistance technique ou pour plus d'informations, contactez les services techniques de QIAGEN ou un de ses distributeurs locaux (cf. verso).

1.2.2 Gestion des versions

Ce document est le manuel d'utilisation du logiciel du système *digene* HC2, 9024425, Rév. 01. Ce manuel d'utilisation concerne le logiciel du système *digene* HC2 version 3.4 inclus dans la suite 4.4 du système *digene* HC2.

1.2.3 Déclaration de principe

La politique de QIAGEN consiste à améliorer ses produits à mesure que de nouvelles techniques et de nouveaux éléments sont disponibles. QIAGEN se réserve le droit de modifier des spécifications à tout moment. Dans le but de produire une documentation utile et appropriée, les commentaires concernant cette publication sont les bienvenus. Veuillez prendre contact avec les services techniques de QIAGEN.

1.2.4 Accord de licence du logiciel

L'accord de licence du logiciel s'applique uniquement au logiciel acheté avec le système *digene* HC2. Il expose les conditions générales de la licence et de la garantie limitée du logiciel du système *digene* HC2 et du logiciel Microsoft® Windows® qui sont fournis dans le cadre du système *digene* HC2.

1.2.5 Accord de licence

Le client ne reçoit pas de droits quant au logiciel du système *digene* HC2. Il bénéficie d'une licence non exclusive d'utilisation du logiciel du système *digene* HC2 sous réserve des restrictions et termes présentés dans l'accord. Le logiciel du système *digene* HC2 est installé sur l'ordinateur du système HC2 lors de la livraison au client.

1.2.6 Restrictions

Une copie installée du logiciel du système *digene* HC2 ne peut pas être utilisée sur plusieurs ordinateurs via un service de fichiers, une mise en réseau ou des logiciels de communication. Le logiciel du système *digene* HC2 ne peut être ni loué, ni prêté, ni donné à bail. Le logiciel du système *digene* HC2 ou la documentation qui l'accompagne ne peut pas être copié, sauf si le présent accord de licence l'autorise expressément. Les avis de propriété, les étiquettes ou les marques figurant sur le logiciel du système *digene* HC2 ou dans la documentation qui l'accompagne ne doivent être ni retirés ni modifiés. Le logiciel du système *digene* HC2 ou la documentation qui l'accompagne ne doit pas être modifié, traduit, rétroconçu, désassemblé ou décompilé.

1.2.7 Résiliation et cession

Le non-respect des conditions générales du présent accord entraîne la résiliation automatique de cette licence. Lorsque la présente licence est résiliée, quelle qu'en soit la raison, le client est tenu de détruire toutes les copies du logiciel du système *digene* HC2 et de la documentation l'accompagnant. Le client ne peut pas céder le logiciel du système *digene* HC2 sans un accord écrit préalable.

1.2.8 Communication de l'accord de licence

Le client consent à communiquer les termes et les restrictions contenus dans le présent accord de licence à toutes les personnes qu'il emploie, dirige ou contrôle.

1.2.9 Utilisation non autorisée et conformité

Le client s'efforcera, dans la mesure du raisonnable, de s'assurer que les employés, agents, cessionnaires ou autres personnes se trouvant sous sa direction et sous son contrôle respectent les conditions générales du présent accord de licence.

1.2.10 Garantie et clauses spéciales

QIAGEN garantit que le logiciel du système *digene* HC2 fonctionne conformément aux matériaux écrits joints pendant une période de 90 jours à compter de la date de réception. Toutes les garanties implicites s'appliquant au logiciel du système *digene* HC2 sont limitées à 90 jours. Certains pays, états ou juridictions n'autorisent pas les limitations de durée d'une garantie implicite.

1.2.11 Responsabilité limitée

Les programmes logiciels de Microsoft sont fournis « en l'état » à l'utilisateur final, sans garantie d'aucune sorte, explicite ou implicite, y compris, sans toutefois s'y limiter, les garanties de qualité marchande et d'adéquation à un usage particulier. Le risque lié à la qualité et aux performances du logiciel de Microsoft repose entièrement sur le bénéficiaire.

Les garanties susmentionnées sont exclusives et sont fournies et acceptées en remplacement de l'ensemble des autres garanties, expresses ou implicites, y compris, sans toutefois s'y limiter, les garanties implicites de qualité marchande et d'adéquation à un usage particulier. Aucune partie ne sera responsable envers l'autre pour tout dommage accessoire, indirect, spécial ou consécutif.

1.3 Utilisation prévue

Le logiciel du système *digene* HC2 calcule et interprète les résultats du dosage générés par l'instrument DML selon les paramètres de validation du dosage.

1.3.1 Exigences pour les utilisateurs

Le logiciel du système *digene* HC2 est destiné à une utilisation professionnelle par du personnel de laboratoire qualifié formé aux procédures et protocoles de test.

Le tableau ci-dessous présente le niveau de compétence et de formation nécessaire au transport, à l'installation, à l'utilisation, à la maintenance et à l'entretien de l'instrument.

Type de tâche	Personnel	Formation et expérience
Transport	Transporteur approuvé	Convenablement formé et expérimenté et agréé par QIAGEN
Installation	Techniciens de laboratoire ou équivalents	Convenablement formés et expérimentés, habitués à l'utilisation des ordinateurs et à l'automatisation en général
Utilisation de routine	Techniciens de laboratoire ou équivalents	Convenablement formés et expérimentés, habitués à l'utilisation des ordinateurs et à l'automatisation en général
Maintenance	Techniciens de laboratoire ou équivalents	Convenablement formés et expérimentés, habitués à l'utilisation des ordinateurs et à l'automatisation en général
Service	Employés ou équipe de service après-vente QIAGEN formés par QIAGEN	Formés, certifiés et autorisés par QIAGEN

1.4 Logiciel d'exploitation

Les instructions données dans le présent manuel d'utilisation concernent l'affichage classique du système d'exploitation Windows plutôt que l'affichage des catégories. Pour configurer l'ordinateur du système HC2 en affichage classique, reportez-vous à « Basculement de l'affichage du panneau de configuration vers l'affichage classique », page 26.

Pour lancer les fonctions de l'instrument, par exemple activer ou arrêter des fonctions automatisées et récupérer des données stockées, les utilisateurs doivent savoir se servir d'un ordinateur. Le logiciel du système *digene* HC2 est protégé par un mot de passe pour empêcher toute modification.

Les termes suivants sont utilisés pour nommer les fonctionnalités du logiciel.

Terme	Description
Case	Un élément d'une boîte de dialogue qui peut être coché ou décoché.
Bouton	Un élément d'une boîte de dialogue ou d'une barre d'outils sur lequel l'utilisateur clique pour exécuter une action.
Boîte de dialogue	Une boîte qui apparaît temporairement et affiche des informations ou nécessite une saisie de la part de l'utilisateur.
Champ de dialogue	Un élément d'une boîte de dialogue, où l'utilisateur peut saisir ou sélectionner quelque chose. Remarque : Certains champs sont désactivés ou affichent simplement des informations numériques ou textuelles.
Liste déroulante	Une liste d'éléments qui apparaît lorsque l'utilisateur clique sur un menu ou sur la flèche descendante affichés dans certains champs de dialogue.
Illustration	Une image qui s'affiche dans le logiciel pour représenter l'instrument ou une fonctionnalité de l'instrument.
Icône	Une petite illustration située sur le bureau ou dans le gestionnaire de fichiers et qui représente un fichier, une application ou un dossier.
Menu	Un élément de la barre de menus, sur lequel l'utilisateur clique pour afficher une liste déroulante. Un menu est également une liste d'éléments qui apparaît lorsque l'utilisateur clique avec le bouton droit de la souris.
Volet	Une zone clairement marquée dans une fenêtre ou une boîte de dialogue, contenant un groupe d'informations particulier.
Paramètre	Un réglage spécifié par l'utilisateur. Pour spécifier un paramètre, l'utilisateur coche/décoche des cases et saisit/sélectionne des informations dans les champs de dialogue.
Bouton radio	Un cercle dans une boîte de dialogue qui peut être sélectionné ou désélectionné.
Flèches de défilement	Flèches montante et descendante qui permettent à l'utilisateur d'afficher un contenu supplémentaire ou de sélectionner une valeur.
Barre d'état	La zone située au bas de la fenêtre qui affiche des messages concernant l'état du logiciel.
Sous-volet	La subdivision d'un volet.

Terme	Description
Onglet	Un élément dans une fenêtre qui ressemble à l'onglet d'un dossier et contient un sous-ensemble particulier d'informations.

Terme	Description
Barre des tâches	La longue barre horizontale située au bas de l'écran. Elle comporte trois parties principales : le bouton Start (Démarrer), qui ouvre le menu Start , la partie centrale, qui affiche les programmes et les fichiers ouverts, et la zone de notification, qui inclut une horloge et des icônes indiquant l'état de certains programmes et paramètres de l'ordinateur.
Fenêtre	L'interface utilisateur principale du logiciel.
Assistant	Une séquence de fenêtres ou de boîtes de dialogue qui guide l'utilisateur au cours d'une procédure.

Les termes suivants sont utilisés pour décrire le fonctionnement du logiciel.

Terme	Description
Cocher	Déplacer le pointeur sur une case, puis cliquer sur le bouton gauche de la souris pour afficher une coche.
Cliquer	Déplacer le pointeur sur un bouton ou un onglet, puis cliquer sur le bouton gauche de la souris.
Cliquer et déposer	Déplacer le pointeur sur un élément, maintenir enfoncé le bouton gauche de la souris, déplacer le pointeur et l'élément vers un nouvel emplacement, puis relâcher le bouton de la souris.
Désélectionner	Déplacer le pointeur sur un bouton radio, puis cliquer sur le bouton gauche de la souris pour désélectionner le bouton radio.
Double-cliquer	Déplacer le pointeur sur un élément, puis faire deux clics rapprochés sur le bouton gauche de la souris.
Mettre en surbrillance	Déplacer le pointeur sur un élément, puis cliquer sur le bouton gauche de la souris pour mettre l'élément en surbrillance. Remarque : Pour mettre plusieurs éléments en surbrillance dans le logiciel, maintenir enfoncée la touche Ctrl ou Maj du clavier et sélectionner les éléments souhaités.
Clic droit	Déplacer le pointeur sur un élément, puis cliquer sur le bouton droit de la souris.

Terme	Description
Sélectionner	Déplacer le pointeur sur un élément d'une liste déroulante ou sur un bouton radio, puis cliquer sur le bouton gauche de la souris pour faire une sélection.
Décocher	Déplacer le pointeur sur une case, puis cliquer sur le bouton gauche de la souris pour supprimer la coche.

2 Informations de sécurité

Le présent manuel d'utilisation contient des avertissements et des mises en garde dont les utilisateurs doivent tenir compte afin de garantir le fonctionnement sans risques du logiciel et de conserver l'instrument en bon état.

Les types d'informations de sécurité suivants sont indiqués dans ce manuel d'utilisation.

AVERTISSEMENT Le terme AVERTISSEMENT signale des situations risquant d'entraîner des **accidents corporels** dont vous, ou d'autres, pourriez être victimes.



Les détails concernant ces circonstances sont fournis pour éviter que d'autres personnes ou vous subissiez un accident corporel.

ATTENTION Le terme ATTENTION signale des situations risquant d'entraîner des **détériorations de l'instrument** ou de tout autre matériel.



Les détails concernant ces circonstances sont fournis pour éviter des détériorations de l'instrument ou de tout autre matériel.

Avant d'utiliser le logiciel, il est essentiel de lire attentivement ce manuel d'utilisation et de prêter une attention particulière à tous les conseils qu'il contient quant aux éventuels dangers liés à l'utilisation du logiciel.

Les instructions données dans ce manuel ont pour but de venir compléter les exigences de sécurité habituelles en vigueur dans le pays de l'utilisateur et non de s'y substituer.

2.1 Utilisation appropriée

Ne mettez jamais l'instrument DML hors tension lorsque le système *digene* HC2 est en cours d'utilisation ; vous risqueriez de perdre des données.

Ne mettez pas hors tension l'ordinateur du système HC2 alors qu'un voyant du lecteur de disque est allumé, car cela risque d'endommager le lecteur ou de corrompre les données qu'il contient.

Procédez toujours à un archivage en utilisant le programme et la version appropriés du logiciel du système *digene* HC2 avant d'installer, de réinstaller ou de mettre à niveau le logiciel du système *digene* HC2 ou les protocoles de dosage du système *digene* HC2.

AVERTISSEMENT**Résultats de test incorrects**

T



Ne réalisez pas d'archivage pendant un cycle sur le Rapid Capture System (RCS). Cela pourrait ralentir le RCS et avoir un impact sur le déroulement des étapes du test.

ATTENTION**Perte de données**

Procédez toujours à un archivage avant d'installer, de restaurer ou de mettre à niveau le logiciel du système *digene* HC2 ou les protocoles de dosage du système *digene* HC2.

Dans le cas contraire, des données pourraient être irrémédiablement perdues.

N'essayez pas d'accéder aux fichiers de données du logiciel du système *digene* HC2. La manipulation de ces fichiers par l'utilisateur peut entraîner une perte de données.

Les données générées par le système *digene* HC2 ne sont pas cryptées pendant leur exportation vers un système d'information de laboratoire (LIS) ou vers un fichier.

2.2 Sécurité électrique

Les composants matériels du système *digene* HC2 sont munis de cordons d'alimentation en courant alternatif (CA) qui, lorsqu'ils sont raccordés à la prise d'alimentation CA adéquate, mettent les instruments à la terre. N'utilisez pas les composants du système *digene* HC2 à partir d'une prise d'alimentation CA dépourvue d'une connexion à la terre.

Pour plus d'informations sur la sécurité, consultez le manuel d'utilisation concerné.

3 Description fonctionnelle

Les composants matériels et logiciels suivants sont requis pour générer des résultats de test au moyen de la suite logicielle du système *digene* HC2 :

- Instrument DML
- Ordinateur du système HC2 et ses périphériques (moniteur, clavier, souris et imprimante)
- Logiciel du système *digene* HC2
- Protocoles de dosage du système *digene* HC2
- Logiciel de la plaque LumiCheck

Les composants logiciels de la suite du système *digene* HC2 sont fournis sur deux CD, qui contiennent les éléments suivants :

- Le logiciel du système *digene* HC2 contenant le logiciel du système *digene* HC2 et le logiciel de la plaque LumiCheck
- Les protocoles de dosage du système *digene* HC2

Ces composants ont été testés et leur bon fonctionnement conjoint a été vérifié. Seule cette configuration système peut être utilisée, l'utilisation de toute autre configuration annulant la garantie du système et risquant d'invalider les résultats rapportés par le système.

3.1 Logiciel du système *digene* HC2

Le logiciel du système *digene* HC2 fonctionne avec le système d'exploitation Windows 7. Le logiciel du système *digene* HC2 permet de réduire la quantité de données et fonctionne en association avec l'instrument DML.

Le logiciel du système *digene* HC2 a été testé dans l'environnement des applications logicielles fournies. L'installation de programmes supplémentaires ou la connexion de l'ordinateur du système HC2 à l'internet peut perturber le fonctionnement du logiciel du système *digene* HC2 et le rendre inutilisable. En conséquence, l'installation de programmes autres que ceux fournis par QIAGEN sur l'ordinateur du système HC2 peut générer des conflits rendant le logiciel du système *digene* HC2 inexploitable. L'installation de logiciels supplémentaires ou la connexion de l'ordinateur du système HC2 à l'internet annule toutes les garanties.

4 Procédures de déballage

4.1 Matériels fournis

Le système *digene* HC2 est expédié dans des cartons séparés. Il comporte les composants matériels suivants :

- Ordinateur du système HC2 et cordon d'alimentation
- Clavier, souris et convertisseur clé USB-port série
- Moniteur, cordon d'alimentation et câble
- Imprimante et cordon d'alimentation
- Câble d'imprimante
- Instrument DML, cordon d'alimentation, adaptateur secteur et câbles série

4.2 Déballage du matériel du système *digene* HC2

1. Ouvrez les cartons contenant les composants du système *digene* HC2.

Pour obtenir des instructions sur le déballage des instruments, reportez-vous au manuel d'utilisation concerné.

2. Sortez le contenu des cartons.

Mettez de côté les matériaux d'emballage et les cartons d'expédition.

3. Examinez l'emballage de chaque composant pour vous assurer que le cordon d'alimentation, les adaptateurs d'alimentation et tous les autres matériels associés ont bien été sortis.
4. Inspectez l'ensemble du matériel pour vérifier qu'il n'est pas endommagé.

Si des dommages sont apparents, contactez immédiatement les services techniques de QIAGEN.

5 Installation

Cette section explique comment installer les composants matériels et logiciels du système *digene* HC2.

L'ordinateur du système HC2 doit être dédié à l'exécution des composants validés par QIAGEN uniquement. N'ajoutez aucune application et aucun composant logiciels.

Pour connaître les caractéristiques techniques et la configuration requise du système *digene* HC2, y compris celle du système d'exploitation, reportez-vous à l'« Annexe A — Données techniques », page 253.

5.1 Branchement des composants matériels du système *digene* HC2

Important : Ne branchez pas les cordons d'alimentation sur une source d'alimentation avant d'y être invité.

1. Connectez l'ordinateur du système HC2, le moniteur, le clavier, la souris et l'imprimante en suivant les instructions d'installation du fabricant de l'ordinateur du système HC2.
2. Installez et branchez l'instrument DML conformément aux instructions fournies dans le manuel d'utilisation de l'instrument DML.
3. Branchez les cordons d'alimentation des composants matériels sur les prises électriques adaptées, puis mettez sous tension les composants matériels du système *digene* HC2.

5.2 Installation du logiciel du système *digene* HC2

L'ordinateur du système HC2 doit être livré avec le logiciel du système *digene* HC2 préinstallé. Toutefois, si, pour une raison ou une autre, vous devez installer le logiciel du système *digene* HC2, appliquez les instructions fournies ici.

L'installation du logiciel du système *digene* HC2 est réalisée par un assistant, qui est lancé lorsque le CD contenant le logiciel est inséré dans le lecteur de CD-ROM de l'ordinateur du système HC2.

Configuration requise pour l'installation du logiciel du système *digene* HC2 :

- Au moins 1,5 gigaoctet (Go) d'espace libre sur le disque dur.

- L'utilisateur qui installe le logiciel du système *digene* HC2 doit posséder des droits d'administrateur dans le système d'exploitation Windows.

L'assistant installe automatiquement le logiciel du système *digene* HC2 dans le répertoire de travail sous C:\Program Files\QIAGEN et C:\Users\Public\QIAGEN.

Remarque : Si vous devez transférer des données de versions précédentes du logiciel vers cette version, contactez les services techniques de QIAGEN.

1. Insérez le CD contenant le logiciel du système *digene* HC2 dans le lecteur de CD-ROM de l'ordinateur du système HC2.

Un assistant s'ouvre.

Remarque : Si l'assistant n'est pas lancé automatiquement, naviguez vers le lecteur de CD-ROM et double-cliquez sur le fichier exécutable **HC2AppSetup.exe**.

2. Suivez les invites de l'assistant pour installer le logiciel du système *digene* HC2 et le logiciel de la plaque LumiCheck.

Le logiciel du système *digene* HC2 et le logiciel de la plaque LumiCheck sont installés lorsque l'assistant est terminé. Les raccourcis du logiciel du système *digene* HC2 et du logiciel de la plaque LumiCheck sont affichés sur le bureau. Vous pouvez accéder au logiciel en utilisant le menu **Start** de Windows.

5.3 Installation des protocoles de dosage du système *digene* HC2.

À la livraison, les protocoles de dosage du système *digene* HC2 ne sont pas installés sur l'ordinateur du système HC2. Le logiciel du système *digene* HC2 doit être installé avant les protocoles de dosage du système *digene* HC2. Un assistant installe automatiquement les protocoles de dosage du système *digene* HC2 dans le répertoire de travail, sous C:\Users\Public\QIAGEN\HC2 System Software\Protocol Library.

1. Insérez le CD contenant les protocoles de dosage du système *digene* HC2 dans le lecteur de CD-ROM de l'ordinateur du système HC2.

Un assistant s'ouvre.

Remarque : Si l'assistant n'est pas lancé automatiquement, naviguez vers le lecteur de CD-ROM et double-cliquez sur le fichier exécutable **HC2ProtocolSetup.exe**.

2. Suivez les invites de l'assistant pour installer les protocoles de dosage du système *digene* HC2.

Les protocoles de dosage du système *digene* HC2 sont installés lorsque l'assistant est terminé.

5.4 Configuration du système d'exploitation Windows

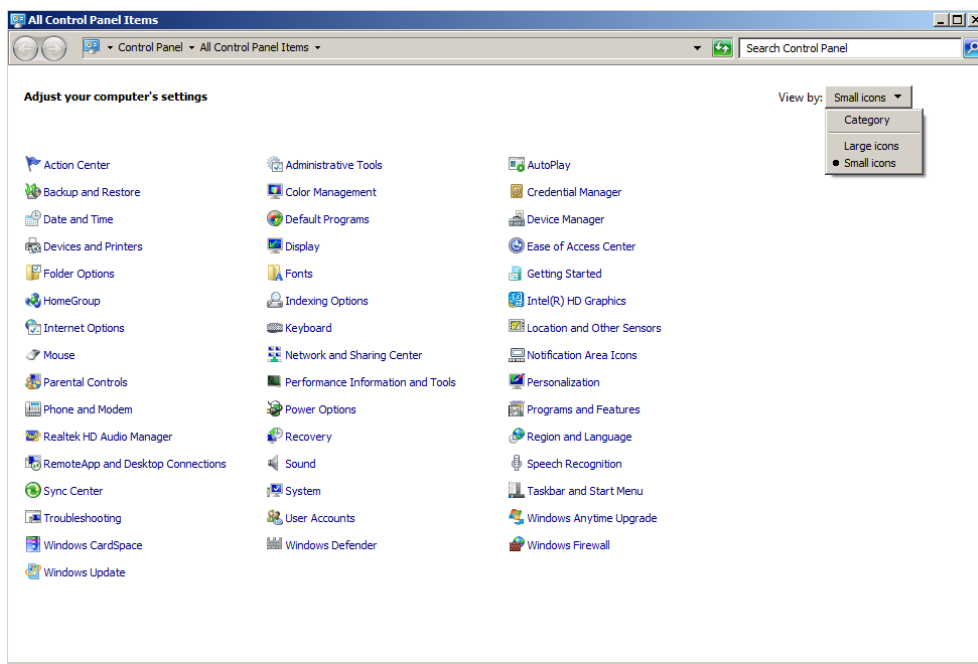
Le système d'exploitation Windows doit être configuré avant l'utilisation du logiciel du système *digene* HC2. À la livraison, le système d'exploitation Windows doit déjà être configuré sur l'ordinateur du système HC2, à l'exception du format d'impression et de l'horloge système. Réglez l'heure système de votre région avant d'utiliser le logiciel. Ne modifiez pas l'heure système une fois que le logiciel a été mis en service.

Cette section est incluse au cas où un paramètre devrait être modifié.

5.4.1 Basculement de l'affichage du panneau de configuration vers l'affichage classique

Effectuez cette procédure si la fenêtre **Control Panel** (Panneau de configuration) du système d'exploitation Windows utilise l'affichage des catégories plutôt que l'affichage classique.

1. Dans la barre des tâches de Windows, cliquez sur le bouton **Start** et sélectionnez **Control Panel** dans le menu.



2. Sélectionnez **Small icons** (Petites icônes) dans la liste déroulante **View by** (Afficher par).
3. Sélectionnez **Personalization** (Personnalisation).
4. Parcourez la liste des thèmes (**Themes**) et sélectionnez **Windows Classic** (Windows Classique).

5.4.2 Spécification du format du papier de l'imprimante

1. Dans la barre des tâches de Windows, cliquez sur le bouton **Start** et sélectionnez **Devices and Printers** (Périphériques et imprimantes).

La boîte de dialogue **Devices and Printers** s'ouvre.

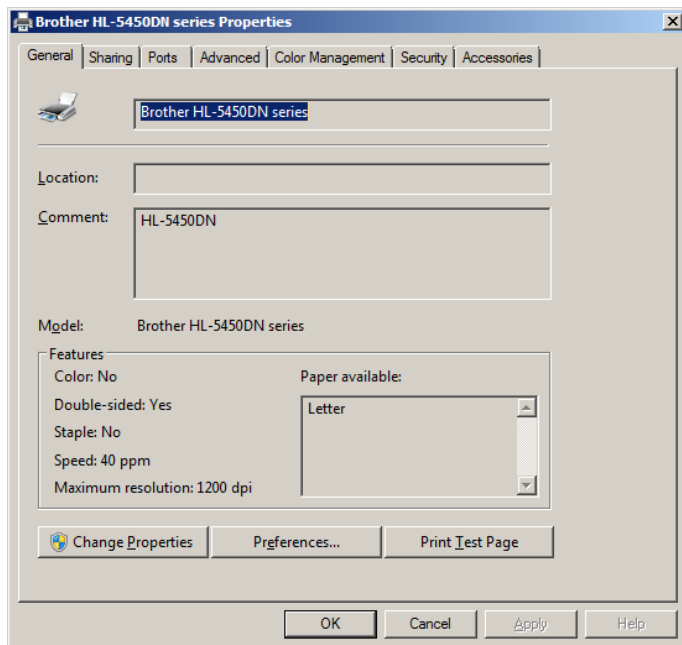
2. Cliquez avec le bouton droit de la souris sur l'imprimante fournie avec le système *digene* HC2.

Un menu s'affiche.

3. Sélectionnez **Properties** (Propriétés) dans le menu.

La boîte de dialogue **Properties** (Propriétés de :) imprimante s'ouvre sur l'onglet **General** (Général).

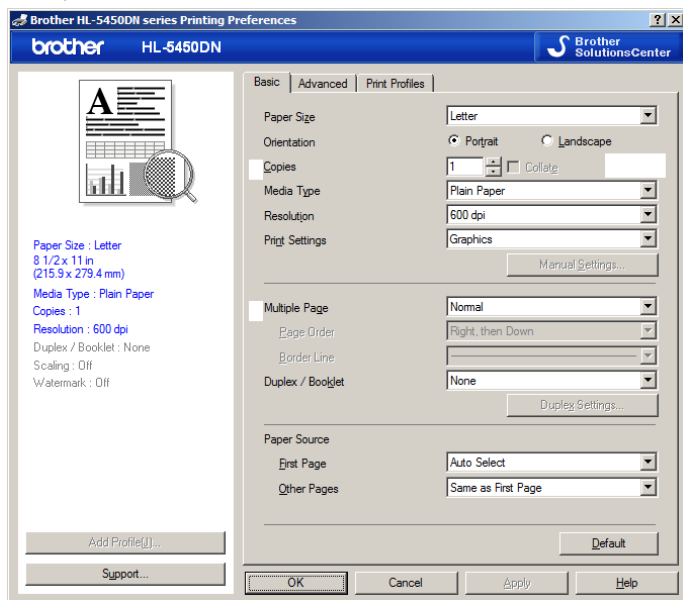
Exemple :



4. Cliquez sur le bouton **Preferences...** (Préférences).

La boîte de dialogue **Printing Preferences** (Options d'impression) s'ouvre.

Exemple :



5. Dans la liste déroulante **Paper Size** (Format du papier), sélectionnez le format approprié.
6. Cliquez sur le bouton **OK** pour fermer la boîte de dialogue **Printing Preferences**.
7. Cliquez sur le bouton **OK** pour fermer la boîte de dialogue **Properties**.
8. Vérifiez que l'imprimante du système *digene* HC2 est définie comme l'imprimante par défaut.

Remarque : Une coche s'affiche à côté de l'imprimante par défaut.

Pour définir l'imprimante par défaut, cliquez avec le bouton droit de la souris sur l'imprimante souhaitée et sélectionnez **Set as default printer** (Définir comme imprimante par défaut) dans le menu qui s'affiche.

9. Fermez la boîte de dialogue **Devices and Printers**.

5.4.3 Configuration de la résolution d'écran du moniteur

Suivez cette procédure pour chaque compte utilisateur Windows concerné.

1. Dans la barre des tâches de Windows, cliquez sur le bouton **Start** et sélectionnez **Control Panel** dans le menu.
2. Dans la fenêtre **Control Panel**, double-cliquez sur l'icône **Display** (Affichage).
3. Dans la fenêtre **Display**, sélectionnez **Adjust resolution** (Ajuster la résolution).

La fenêtre **Screen Resolution** (Résolution d'écran) s'ouvre.

Exemple :



4. Dans la liste déroulante **Resolution:** (Résolution), déplacez le curseur jusqu'à 1024 x 768 (minimum).
5. Cliquez sur le bouton **Apply** (Appliquer), puis cliquez sur **OK**.

5.4.4 Configuration de la numérotation des pages

1. Dans la barre des tâches de Windows, cliquez sur le bouton **Start**, sélectionnez **All Programs** (Tous les programmes), puis sélectionnez **Internet Explorer** dans le menu.

Le navigateur Internet Explorer® s'ouvre.

Remarque : Si **New Connection Wizard** (Assistant Nouvelle Connexion) s'affiche, cliquez sur le bouton **Cancel** (Annuler) pour le fermer, puis sélectionnez à nouveau **Internet Explorer** dans le menu **Start** pour ouvrir le navigateur.

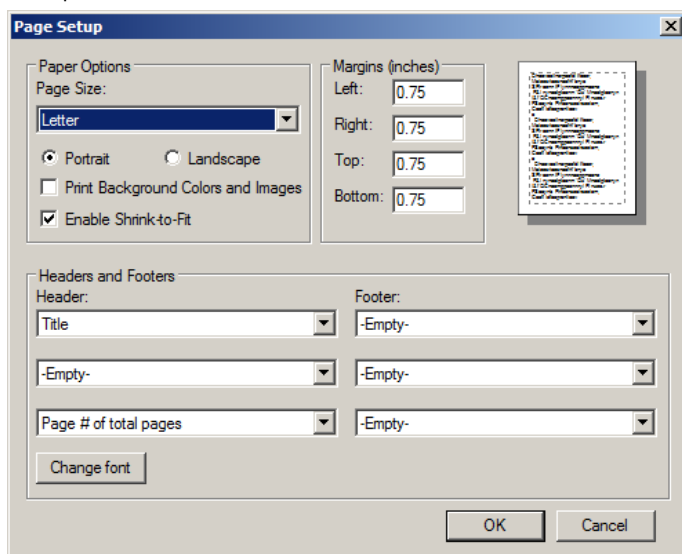
2. Cliquez sur le menu **Print** (Imprimer) et sélectionnez **Page setup** (Mise en page).

La boîte de dialogue **Page Setup** s'ouvre.

3. Dans le volet **Headers and Footers** (En-têtes et pieds de page), sélectionnez **Title** (Titre) dans la première liste déroulante de la section **Header** (En-tête). Sélectionnez **Empty** (Vides) dans la deuxième liste déroulante de la section **Header**. Sélectionnez **Page # of total pages** (N° de page sur le nombre total de pages) dans la troisième liste déroulante de la section **Header**.

4. Dans le volet **Headers and Footers**, sélectionnez **Empty** pour les champs de la section **Footer** (Pied de page).

Exemple :



5. Cliquez sur **OK**.
6. Fermez le navigateur Internet Explorer.

5.4.5 Configuration des options régionales

Le logiciel du système *digene* HC2 a été validé avec le paramètre de langue **English** (Anglais).

Important : Ne modifiez pas les paramètres régionaux du logiciel du système *digene* HC2. Le paramètre **English (United States)** (Anglais [États-Unis]) doit être conservé.

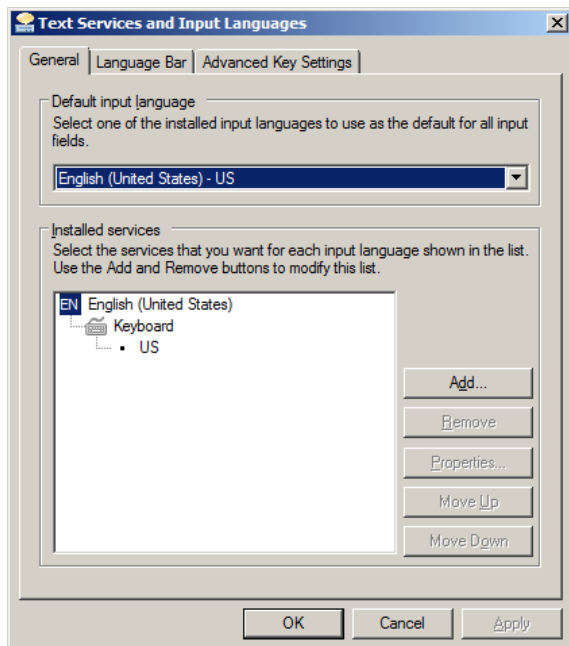
Remarque : Si vous utilisez un clavier anglais (Royaume-Uni), vous pouvez remplacer la langue par défaut du clavier par **English (United Kingdom)** (Anglais [Royaume-Uni]). Pour modifier la langue de saisie par défaut du clavier, procédez comme suit :

1. Cliquez sur **Start**.
2. Dans le menu **Start**, sélectionnez **Control Panel**.
La fenêtre **Control Panel** s'ouvre.
3. Dans la fenêtre **Control Panel**, sélectionnez **Region and Language** (Région et langue).

4. Dans la boîte de dialogue **Region and Language**, sélectionnez l'onglet **Keyboards and Languages** (Claviers et langues) et cliquez sur le bouton **Change Keyboards...** (Modifier les claviers).

La boîte de dialogue **Text Services and Input Languages** (Services de texte et de langues) s'ouvre.

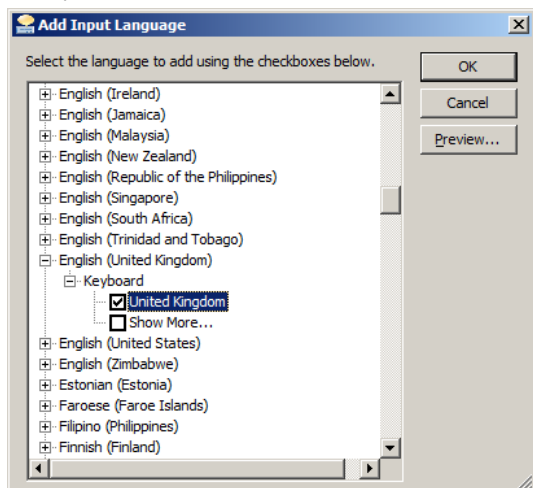
Exemple :



5. Dans la boîte de dialogue **Text Services and Input Languages**, cliquez sur le bouton **Add...** (Ajouter).

La boîte de dialogue **Add Input Language** (Ajouter une langue d'entrée) s'ouvre.

Exemple :



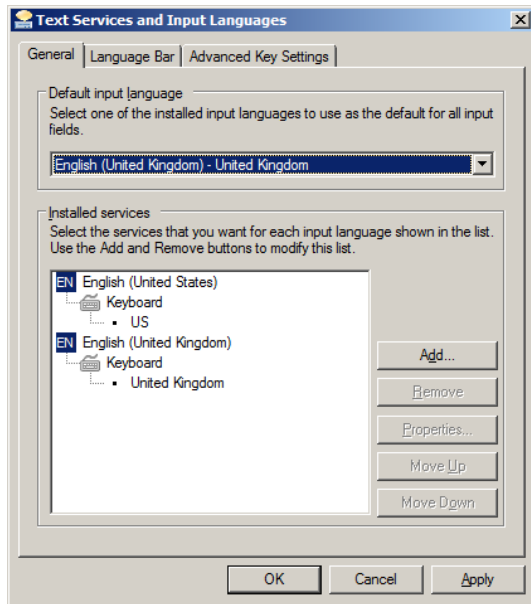
6. Dans la boîte de dialogue **Add Input Language**, cliquez sur le symbole + en regard de **English (United Kingdom)**. Cochez la case en regard de **United Kingdom** (Royaume-Uni).

7. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Add Input Language** se ferme.

8. Dans la boîte de dialogue **Text Services and Input Languages**, cliquez sur l'onglet **General** et sélectionnez **English (United Kingdom)** dans le volet **Default input language** (Langue d'entrée par défaut).

Exemple :



9. Cliquez sur le bouton **Apply** et cliquez sur **OK** pour fermer la boîte de dialogue **Text Services and Input Languages**.
10. Cliquez sur **OK** pour fermer la boîte de dialogue **Region and Language**. Fermez la fenêtre **Control Panel**.

5.4.6 Configuration de comptes utilisateur dans le système d'exploitation Windows

Dans le système d'exploitation Windows, un utilisateur doit se connecter avec un ID utilisateur et un mot de passe. L'ID utilisateur indique certains droits dans le système d'exploitation.

L'ordinateur du système HC2 est configuré avec deux comptes administrateur et un compte utilisateur standard. Utilisez les informations d'identification suivantes pour le système d'exploitation Windows, en respectant la casse.

Compte administrateur :

- ID utilisateur : Administrator
- Mot de passe : digene

Vous serez invité à modifier le mot de passe lorsque vous vous connecterez pour la première fois avec le compte administrateur.

Compte utilisateur standard :

- ID utilisateur : Welcome
- Mot de passe : welcome

Le second compte administrateur est réservé au personnel du service après-vente de QIAGEN.

5.5 Désinstallation de la suite logicielle du système *digene* HC2

Un assistant permet de désinstaller la suite logicielle du système *digene* HC2. Il désinstalle le logiciel du système *digene* HC2, le logiciel de la plaque LumiCheck et les protocoles de dosage *digene* HC2. L'assistant de désinstallation est installé avec le logiciel du système *digene* HC2.

Les données générées pendant l'utilisation de la suite logicielle du système *digene* HC2 ne sont ni retirées ni supprimées. Si vous désinstallez et réinstallez le logiciel du système *digene* HC2, toutes les données précédentes, y compris les données archivées sur le disque dur, restent consultables.

Pour désinstaller la suite logicielle du système *digene* HC2, cliquez sur le bouton **Start** dans la barre des tâches de Windows, sélectionnez **Programs** (Tous les programmes) dans le menu, sélectionnez **HC2 System Software** (Logiciel du système HC2) et cliquez sur **Uninstall HC2 Suite 4.4** (Désinstaller la suite 4.4 HC2). Suivez les invites pour désinstaller le logiciel.

5.6 Scanners antivirus

Nous sommes conscients de la menace que constituent les virus pour tout ordinateur échangeant des données avec d'autres ordinateurs. Le système *digene* HC2 doit être installé dans des environnements où une stratégie a été mise en œuvre pour réduire cette menace et où le système *digene* HC2 n'est pas exposé à l'internet. Les stratégies locales imposent généralement l'utilisation d'un antivirus particulier. Le logiciel du système *digene* HC2 a été testé sur un ordinateur utilisant Endpoint Protection Essential for SMB de McAfee® et sur un ordinateur utilisant Windows Defender. En raison de la multitude d'antivirus disponibles, QIAGEN n'est pas en mesure de prévoir l'impact potentiel de l'activation d'un tel outil sur le système. Le choix d'un outil de détection des virus approprié incombe à l'utilisateur. QIAGEN n'a validé l'utilisation d'aucun logiciel antivirus particulier avec le logiciel du système *digene* HC2.

Le pare-feu de l'ordinateur du système HC2 est configuré pour bloquer toutes les connexions entrantes. Le personnel du service informatique doit configurer les paramètres du pare-feu de manière à pouvoir utiliser une solution antivirus.

L'administrateur système doit s'assurer des points suivants :

- Les répertoires QIAGEN ne sont pas pris en compte par la recherche de virus. Pour le logiciel du système *digene* HC2, ces répertoires sont les suivants :
 - C:\Users\Public\QIAGEN
 - C:\Program Files\QIAGEN
- L'accès aux fichiers n'est pas bloqué par un scanner antivirus lorsque le logiciel du système *digene* HC2 est utilisé.
- Les mises à jour de la base de données virale ne sont pas effectuées lorsque le logiciel du système *digene* HC2 est utilisé.
- L'analyse des fichiers n'est pas effectuée lorsque le logiciel du système *digene* HC2 est utilisé.

Nous recommandons fortement de désactiver le scanner antivirus pendant les heures d'ouverture du laboratoire afin d'éviter que la recherche de virus perturbe le fonctionnement du logiciel du système *digene* HC2. Les tâches du scanner antivirus décrites ci-dessus ne peuvent être réalisées sans danger que lorsque le logiciel du système *digene* HC2 n'est pas en cours d'exécution. Dans le cas contraire, il existe un risque d'impact négatif sur les performances du système.

6 Fonctions logicielles

Le logiciel du système *digene* HC2 contient une série d'onglets qui s'affichent en haut de la fenêtre du logiciel. L'onglet **Plates** (Plaques) est affiché au premier plan lorsque le logiciel du système *digene* HC2 démarre et après qu'un utilisateur s'est connecté. Le pied de page de la fenêtre reste inchangé.

L'en-tête de la fenêtre inclut les fonctions suivantes :

Composant	Fonction
Boîte de dialogue Current luminometer: (Luminomètre actuel)	Affiche le numéro de série de l'instrument DML sélectionné pour effectuer les mesures.
Boîte de dialogue Current user: (Utilisateur actuel)	Affiche l'ID de l'utilisateur connecté au logiciel du système <i>digene</i> HC2.
Bouton Help (Aide)	Ouvre la boîte de dialogue QIAGEN HC2 System Software Help (Aide du logiciel du système QIAGEN HC2). Les coordonnées des services techniques de QIAGEN sont affichées.
Bouton Change User... (Changer d'utilisateur)	Ouvre la boîte de dialogue User Login (Connexion de l'utilisateur). Un nouvel utilisateur doit se connecter.
Bouton About... (À propos de)	Ouvre la boîte de dialogue About QIAGEN HC2 System Software (À propos du logiciel du système QIAGEN HC2). Les informations sur la version et les droits d'auteur de la suite du système <i>digene</i> HC2 et du logiciel associé sont affichées.
Bouton Exit (Quitter)	Ouvre la boîte de dialogue Exit. Cliquez sur Yes (Oui) pour quitter le logiciel du système <i>digene</i> HC2 ou sur No (Non) pour garder le logiciel du système <i>digene</i> HC2 ouvert.

6.1 Utilisation de l'onglet **Plates**

L'onglet **Plates** permet :

- de créer, modifier et gérer des plaques d'hybridation,
- d'associer des plaques de capture à des plaques d'hybridation,
- de générer des rapports pour les résultats de test,
- de valider des résultats de test,
- d'exporter des données vers un LIS ou vers un fichier.

Exemple illustrant l'onglet **Plates** :

The screenshot displays the 'Plates' tab in the QIAGEN software. At the top, there is a header bar with the QIAGEN logo, 'Current luminometer: 888888', 'Current user: TFinland', and buttons for 'Help', 'About...', 'Change User...', and 'Exit'. Below the header is a navigation menu with 'Plates' selected. The main area is divided into three panels:

- Unmeasured Hybridization Plates:** Contains a table with columns 'Type', 'Plate ID', and 'Creation Date'. It lists four IVD entries. To the right are buttons for 'New IVD...', 'New Custom...', 'Edit...', 'Delete', 'Plate Import...', and 'Associate'. Below the table is a small 'Item Status' table.
- Measured Capture Plates:** Contains a table with columns 'Type', 'Capture ID', and 'Measured Date'. It has buttons for 'Re-measure' and 'Accept Results'. To the right are radio buttons for 'Full Report', 'Raw data', 'Plate', 'Column', and 'Assay', along with a 'Show' button. Below the table is a small 'Item Status' table.
- Accepted Capture Plates:** Contains a table with columns 'Type', 'Capture ID', and 'LIS T'. It lists one entry: 'IVD CID ASC-US plate 1 Not T'. It has an 'Export' button. To the right are filter options for 'Not Transmitted' and 'All', and report options for 'Full Report', 'Raw data', 'Plate', 'Column', and 'Assay', along with a 'Show' button. Below the table is a small 'Item Status' table.

Le volet **Unmeasured Hybridization Plates** (Plaques d'hybridation non mesurées) répertorie le type de protocole de dosage, l'ID de plaque d'hybridation et la date de création des plaques d'hybridation non encore mesurées. Lorsqu'une plaque d'hybridation est en surbrillance dans le volet **Unmeasured Hybridization Plates**, la plaque de capture et les protocoles de dosage associés ainsi que les puits occupés sur la plaque sont affichés dans le sous-volet inférieur.

Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans le volet **Unmeasured Hybridization Plates**.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
créer une plaque d'hybridation à tester au moyen d'un protocole de dosage IVD	le bouton New IVD... (Nouvel IVD). Reportez-vous à « Création manuelle d'une plaque d'hybridation », page 176, pour plus d'instructions.
modifier l'agencement des plaques	la plaque d'hybridation concernée et cliquez sur le bouton Edit... (Modifier). Reportez-vous à « Modification de la plaque », page 181, pour plus d'instructions.
supprimer la plaque d'hybridation	la plaque d'hybridation concernée et cliquez sur le bouton Delete (Supprimer). Reportez-vous à « Suppression d'une plaque », page 184, pour plus d'instructions.
créer une plaque d'hybridation sur la base du fichier de sortie au format XML (Extensible Markup Language) d'un instrument de pré-analyse	le bouton Plate Import... (Importer une plaque). Reportez-vous à « Création d'une plaque d'hybridation à partir d'un instrument de pré-analyse », page 172, pour plus d'instructions.
associer une plaque de capture à une plaque d'hybridation	la plaque d'hybridation concernée et cliquez sur le bouton Associate (Associer). Reportez-vous à « Association manuelle d'un ID de plaque de capture », page 184, pour plus d'instructions.

Le volet **Measured Capture Plates** (Plaques de capture mesurées) répertorie le type de protocole de dosage, l'ID de plaque de capture et la date de mesure des plaques de capture mesurées. Lorsqu'une plaque de capture est en surbrillance dans le volet **Measured Capture Plates**, la

plaque d'hybridation associée, les protocoles de dosage et l'état de la plaque sont affichés dans le sous-volet inférieur.

Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans le volet **Measured Capture Plates**.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
mesurer à nouveau la plaque de capture	la plaque de capture concernée et cliquez sur le bouton Re-measure (Remesurer). Reportez-vous à « Nouvelle mesure d'une plaque », page 213, pour obtenir des instructions supplémentaires.
valider les résultats de la plaque de capture mesurée	la plaque de capture concernée et cliquez sur le bouton Accept Results (Valider les résultats). Reportez-vous à « Validation des résultats », page 215, pour plus d'instructions.
générer un rapport complet	la plaque de capture concernée, sélectionnez le bouton radio Full Report (Rapport complet) et cliquez sur le bouton Show (Afficher). Reportez-vous à « Génération de rapports de test », page 190, pour plus d'instructions.
générer un rapport de données brutes	la plaque de capture concernée, sélectionnez le bouton radio Raw data (Données brutes) et cliquez sur le bouton Show . Reportez-vous à « Génération de rapports de test », page 190, pour plus d'instructions.
générer un rapport sur les plaques	la plaque de capture concernée, sélectionnez le bouton radio Plate (Plaque) et cliquez sur le bouton Show . Reportez-vous à « Génération de rapports de test », page 190, pour plus d'instructions.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
générer un rapport sur les colonnes	la plaque de capture concernée, sélectionnez le bouton radio Column (Colonne) et cliquez sur le bouton Show . Reportez-vous à « Génération de rapports de test », page 190, pour plus d'instructions.
générer un rapport sur les dosages	la plaque de capture concernée, sélectionnez le bouton radio Assay (Dosage) et cliquez sur le bouton Show . Reportez-vous à « Génération de rapports de test », page 190, pour plus d'instructions.

Le volet **Accepted Capture Plates** (Plaques de capture validées) répertorie le type de protocole de dosage, l'ID de plaque de capture et l'état de la transmission au LIS des plaques de capture validées. Lorsqu'une plaque de capture est en surbrillance dans le volet **Accepted Capture Plates**, la plaque d'hybridation et les protocoles de dosage associés ainsi que les puits occupés sur la plaque sont affichés dans le sous-volet inférieur.

Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans le volet **Accepted Capture Plates**.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
exporter les données des plaques	la plaque de capture concernée et cliquez sur le bouton Export (Exporter). Reportez-vous à « Exportation de données », page 232, pour plus d'instructions.
filtrer la liste affichée dans le volet Accepted Capture Plates afin d'afficher uniquement les plaques pour lesquelles l'état de transmission au LIS est « not transmitted » (non transmis)	le bouton radio Not Transmitted dans le sous-volet Filter (Filtre).
filtrer la liste affichée dans le volet Accepted Capture Plates pour afficher toutes les plaques de capture validées	le bouton radio All (Toutes) dans le sous-volet Filter .

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
générer un rapport complet	la plaque de capture concernée, sélectionnez le bouton radio Full Report et cliquez sur le bouton Show . Reportez-vous à « Génération de rapports de test », page 190, pour plus d'instructions.
générer un rapport de données brutes	la plaque de capture concernée, sélectionnez le bouton radio Raw data et cliquez sur le bouton Show . Reportez-vous à « Génération de rapports de test », page 190, pour plus d'instructions.
générer un rapport sur les plaques	la plaque de capture concernée, sélectionnez le bouton radio Plate et cliquez sur le bouton Show . Reportez-vous à « Génération de rapports de test », page 190, pour plus d'instructions.
générer un rapport sur les colonnes	la plaque de capture concernée, sélectionnez le bouton radio Column et cliquez sur le bouton Show . Reportez-vous à « Génération de rapports de test », page 190, pour plus d'instructions.
générer un rapport sur les dosages	la plaque de capture concernée, sélectionnez le bouton radio Assay et cliquez sur le bouton Show . Reportez-vous à « Génération de rapports de test », page 190, pour plus d'instructions.

6.1.1 Utilisation de la fenêtre **Create/Edit Layout** (Créer/Modifier l'agencement)

La fenêtre **Create/Edit Layout** permet de créer et de modifier des plaques. Cette fenêtre est accessible depuis l'onglet **Plates** en cliquant sur **New IVD...** pour créer une plaque d'hybridation ou en cliquant sur **Edit...** pour modifier une plaque d'hybridation existante. Reportez-vous à « Création manuelle d'une plaque d'hybridation », page 176, pour plus d'instructions sur la création d'une plaque d'hybridation.

Exemple illustrant la fenêtre **Create/Edit Layout** :

La fenêtre **Create/Edit Layout** affiche une représentation graphique d'une microplaque à 96 puits, désignée sous le nom de grille d'agencement des plaques. Chaque puits de la microplaque est représenté sous la forme d'une cellule dans la grille d'agencement des plaques. Au fur et à mesure que des protocoles de dosage et des échantillons sont ajoutés, les informations correspondantes apparaissent dans les cellules de la grille d'agencement des plaques.

Le tableau suivant décrit les champs situés au-dessus de la grille d'agencement des plaques.

Champ	Description
Champ de dialogue Hybridization Plate ID (ID de plaque d'hybridation)	Affiche l'ID de plaque d'hybridation associé à la plaque.
Champ de dialogue Capture Plate ID: (ID de plaque de capture)	Affiche l'ID de plaque de capture associé à la plaque.

Champ	Description
Champ de dialogue Creation Date: (Date de création)	Affiche la date de création de la plaque.
Champ de dialogue Modified Date: (Date de modification)	Affiche la date de la modification la plus récente de la plaque.

Chaque cellule de la grille d'agencement des plaques est soit vide, soit contient un étalon, un contrôle de qualité ou un échantillon. La cellule affiche des informations en fonction du type de contenu. Le tableau suivant décrit les couleurs de police utilisées dans la grille d'agencement des plaques.

Couleur	Type de contenu dans la grille d'agencement des plaques
Bleu	Étalon
Vert	Contrôle de qualité
Marron	Échantillon

Les informations affichées dans la cellule dépendent du type de contenu. Le tableau suivant décrit les informations affichées dans les cellules de la grille d'agencement des plaques.

Position dans la cellule	Description
En haut à gauche	ID d'étalon, de contrôle de qualité ou d'échantillon
En haut à droite	Nombre de répliqués ; s'il y a un seul répliquat, cet emplacement est vide.
En bas à gauche, pour un contrôle de qualité	Affiche V lorsque le contrôle de qualité est utilisé dans une validation de dosage ; si l'emplacement est vide, le contrôle de qualité n'est pas requis pour la validation.
En bas à gauche, pour un échantillon	Type d'échantillon
En bas à droite, pour un	Type de seuil ; emplacement vide pour un seuil primaire ; un

Position dans la cellule	Description
échantillon	seuil secondaire est désigné par 2° ; un seuil tertiaire, par 3°

Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans le volet **Assays on layout** (Dosages sur l'agencement).

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
ajouter un protocole de dosage à la plaque	le bouton Add New Assay... (Ajouter un nouveau dosage). Reportez-vous à « Ajout d'un protocole de dosage à une plaque », page 177, pour plus d'instructions.
mettre en surbrillance les étalons, les contrôles de qualité et les échantillons dans la grille d'agencement des plaques associée à un protocole de dosage	l'ID de protocole de dosage dans la liste. Les éléments associés sont entourés en rouge.
retirer un protocole de dosage de la plaque	l'ID de protocole de dosage concerné dans la liste et cliquez sur le bouton Remove Assay (Retirer le dosage). Remarque : L'état de tous les échantillons associés devient « unassigned » (non attribué).
modifier les informations d'en-tête d'un protocole de dosage sur la grille d'agencement des plaques	l'ID de protocole de dosage concerné dans la liste et cliquez sur le bouton Edit Header... (Modifier l'en-tête). Reportez-vous à « Utilisation de la boîte de dialogue Header Information (Informations d'en-tête) », page 49, pour plus d'instructions.
afficher les paramètres d'un protocole de dosage sur la grille d'agencement des plaques	l'ID de protocole de dosage concerné dans la liste et cliquez sur le bouton View Assay Protocol... (Visualiser le protocole de dosage). Reportez-vous à « Utilisation de la boîte de dialogue View IVD Assay Protocol », page 67, pour plus d'instructions.

Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans le volet **Unassigned specimens** (Échantillons non attribués).

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
trier les échantillons dans la liste	soit Alphanumeric (Alphanumérique) soit Entry order (Ordre de saisie) dans la liste déroulante Sort By: (Trier par).
indiquer le nombre de répliquats à ajouter lorsqu'un échantillon est ajouté à la grille d'agencement des plaques	soit le bouton radio 1 soit le bouton radio 2 dans le sous-volet Replicates (Répliquats).
ajouter un échantillon après la dernière cellule occupée sur la grille d'agencement des plaques	<p>l'ID d'échantillon pertinent et cliquez sur le bouton Add.</p> <p>Vous pouvez également réaliser cette action en double-cliquant sur l'ID d'échantillon concerné dans la liste.</p> <p>Pour ajouter plusieurs ID d'échantillon, mettez-les en surbrillance dans la liste et cliquez sur le bouton Add.</p> <p>Reportez-vous à « Ajout d'un échantillon à une plaque », page 179, pour plus d'instructions.</p>
ajouter un échantillon dans une cellule particulière sur la grille d'agencement des plaques	<p>l'ID d'échantillon concerné, sélectionnez l'emplacement de la cellule sur la grille d'agencement des plaques et cliquez sur le bouton Add At (Ajouter à).</p> <p>Pour ajouter plusieurs ID d'échantillon, mettez-les en surbrillance dans la liste et cliquez sur le bouton Add At.</p> <p>Reportez-vous à « Ajout d'un échantillon à une plaque », page 179, pour plus d'instructions.</p>
créer un échantillon	<p>le bouton New Specimens... (Nouveaux échantillons).</p> <p>La boîte de dialogue New/Edit Specimens (Créer/modifier des échantillons) s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Création d'échantillons », page 146, pour plus d'instructions.</p>

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
modifier un échantillon	<p>le bouton New Specimens...</p> <p>La boîte de dialogue New/Edit Specimens s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Modification d'un seul échantillon dans la boîte de dialogue New/Edit Specimens», page 154, pour plus d'instructions.</p>
supprimer un échantillon	<p>l'ID d'échantillon pertinent et cliquez sur le bouton Delete.</p> <p>Pour supprimer plusieurs ID d'échantillon, mettez-les en surbrillance dans la liste et cliquez sur le bouton Delete.</p> <p>Reportez-vous à « Suppression d'un échantillon dans la fenêtre Create/Edit Layout », page 161, pour plus d'instructions.</p>
imprimer ou enregistrer dans la liste la liste des échantillons	<p>le bouton Print... La fenêtre QIAGEN Report Viewer (Visualiseur de rapports QIAGEN) s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre QIAGEN Report Viewer », page 114, pour plus d'instructions.</p>

Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans le volet **Quality controls** (Contrôles de qualité).

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
indiquer le nombre de répliqués à ajouter lorsqu'un contrôle de qualité est ajouté à la grille d'agencement des plaques	<p>soit le bouton radio 1 soit le bouton radio 2 dans le sous-volet Replicates.</p> <p>Reportez-vous à « Ajout d'un contrôle de qualité à une plaque », page 178, pour plus d'instructions.</p>
ajouter un contrôle de qualité après la dernière cellule occupée sur la grille d'agencement des plaques	<p>l'ID de contrôle de qualité pertinent et cliquez sur le bouton Add.</p> <p>Vous pouvez également réaliser cette action en double-cliquant sur l'ID de contrôle de qualité concerné dans la liste.</p> <p>Pour ajouter plusieurs ID de contrôle de qualité, mettez-les en surbrillance dans la liste et cliquez sur le bouton Add.</p> <p>Reportez-vous à « Ajout d'un contrôle de qualité à une plaque », page 178, pour plus d'instructions.</p>

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
ajouter un contrôle de qualité dans une cellule particulière sur la grille d'agencement des plaques	<p>l'ID de contrôle de qualité concerné, sélectionnez l'emplacement de la cellule sur la grille d'agencement des plaques et cliquez sur le bouton Add At.</p> <p>Pour ajouter plusieurs ID de contrôle de qualité, mettez-les en surbrillance dans la liste et cliquez sur le bouton Add At.</p> <p>Reportez-vous à « Ajout d'un contrôle de qualité à une plaque », page 178, pour plus d'instructions.</p>
gérer les contrôles de qualité associés à un protocole de dosage	<p>le bouton Manage QCs... (Gérer les CQ). La boîte de dialogue Quality Control List (Liste des contrôles de qualité) s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Gestion des contrôles de qualité », page 166, pour plus d'instructions.</p>
appliquer les informations mises à jour aux contrôles de qualité sur la grille d'agencement des plaques	<p>le bouton Update QCs... (Mettre les CQ à jour).</p> <p>Reportez-vous à « Modification d'un contrôle de qualité obligatoire », page 168, ou à « Modification d'un contrôle de qualité facultatif », page 168, pour plus d'instructions.</p>
imprimer ou enregistrer la liste des contrôles de qualité	<p>le bouton Print... La fenêtre QIAGEN Report Viewer s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre QIAGEN Report Viewer », page 114, pour plus d'instructions.</p>

Remarque : Le champ de dialogue **No. of required QCs** (Nbre de CQ obligatoires) affiche le nombre de contrôles de qualité obligatoires définis par les paramètres du protocole de dosage. La case **Automatically set for use in validation when added to a plate layout** (Définir automatiquement pour l'utiliser lors de la validation lorsqu'il est ajouté à un agencement des plaques) doit être cochée en regard d'un nombre de contrôles de qualité équivalent au nombre de contrôles de qualité obligatoires sur la plaque pour qu'une mesure de la plaque soit réalisée.

Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans le volet **Actions on plate** (Actions sur la plaque).

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
retirer un échantillon ou un contrôle de qualité facultatif de la grille d'agencement des plaques	<p>l'ID d'échantillon ou de contrôle de qualité concerné sur la grille d'agencement des plaques et cliquez sur le bouton Remove (Retirer).</p> <p>Remarque : Lorsque vous retirez un échantillon, son état devient « unassigned » et il est à nouveau placé dans la liste affichée dans le volet Unassigned specimens.</p>
modifier ou afficher les informations associées à un échantillon	<p>l'ID d'échantillon concerné sur la grille d'agencement des plaques et cliquez sur le bouton Edit Specimen... (Modifier un échantillon).</p> <p>Reportez-vous à « Modification d'un seul échantillon dans la boîte de dialogue Edit Specimen », page 152, pour plus d'instructions.</p>
restaurer un échantillon ou un contrôle de qualité facultatif retiré sur la grille d'agencement des plaques	<p>l'ID d'échantillon ou de contrôle de qualité retiré concerné sur la grille d'agencement des plaques et cliquez sur le bouton Restore (Restaurer).</p> <p>Remarque : Cette fonction ne s'applique qu'aux ID d'échantillon ou aux ID de contrôle de qualité facultatif créés à partir d'un fichier de sortie d'un instrument de pré-analyse.</p> <p>Reportez-vous à « Modification d'une plaque d'hybridation créée à partir d'un instrument de pré-analyse », page 175, pour plus d'instructions.</p>
retirer toutes les cellules vides entre la première et la dernière cellules occupées sur la grille d'agencement des plaques	<p>le bouton Reallocate (Réaffecter).</p> <p>Reportez-vous à « Modification de la plaque », page 181, pour plus d'instructions.</p>
indiquer qu'un protocole de dosage ajouté à la grille d'agencement des plaques doit être ajouté au début de la colonne suivante	<p>la case Add/Reallocate assay on new column (Ajouter/Réaffecter le dosage dans la nouvelle colonne).</p> <p>Décochez cette case pour que les protocoles de dosage ajoutés à la grille d'agencement des plaques soient ajoutés après la dernière cellule occupée sur la grille.</p> <p>Reportez-vous à « Modification de la plaque », page 181, pour plus d'instructions.</p>

Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans la fenêtre **Create/Edit Layout**.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
imprimer ou enregistrer l'agencement des plaques	le bouton Print.... La fenêtre QIAGEN Report Viewer s'ouvre. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre QIAGEN Report Viewer », page 114, pour plus d'instructions.
enregistrer la plaque et fermer la fenêtre Create/Edit Layout	le bouton Save (Enregistrer).

6.1.2 Utilisation de la boîte de dialogue **Header Information** (Informations d'en-tête)

Chaque plaque comporte un en-tête qui contient des informations pertinentes et est affiché dans les rapports. La boîte de dialogue **Header Information** permet de modifier les informations de l'en-tête.

La boîte de dialogue **Header Information** s'ouvre automatiquement lorsqu'un protocole de dosage est ajouté à une plaque. Reportez-vous à « Ajout d'un protocole de dosage à une plaque », page 177, pour plus d'instructions.

Exemple illustrant la boîte de dialogue **Header Information** :

The screenshot shows a dialog box titled "Header Information". It contains the following fields and controls:

- Assay Protocol ID: High Risk HPV
- User ID: T_Finland
- Room Temperature: 25, with radio buttons for °C (selected) and °F.
- Kit Lot Number: 1234567890 (dropdown menu)
- Expiration Date: 6/29/2013 (dropdown menu)
- Kit Lots... button
- Comment: (text area)
- OK and Cancel buttons

Le tableau suivant décrit les fonctions disponibles dans la boîte de dialogue **Header Information**.

Composant	Fonction
Champ de dialogue Assay Protocol ID: (ID de protocole de dosage)	Affiche l'ID de protocole de dosage ajouté à la plaque.
Champ de dialogue User ID: (ID utilisateur)	Affiche l'ID de l'utilisateur qui a ajouté le protocole de dosage à la plaque.
Champ de dialogue Room Temperature: (Température ambiante)	Paramètre indiquant la température ambiante du laboratoire au moment de la mesure de la plaque.
Boutons radio °C et °F	Paramètre indiquant soit °C pour degrés Celsius, soit °F pour degrés Fahrenheit, en tant qu'unité de mesure de la température ambiante du laboratoire au moment de la mesure de la plaque.
Liste déroulante Kit Lot Number: (Numéro de lot du kit)	Paramètre précisant le lot du kit utilisé pour effectuer le test selon le protocole de dosage pertinent.
Champ de dialogue Expiration Date: (Date d'expiration)	Affiche la date d'expiration du lot du kit affiché dans le champ de dialogue Kit Lot Number .
Bouton Kit Lots... (Lots des kits)	Ouvre la boîte de dialogue Kit Lot Number Entry (Saisie du numéro de lot du kit). Reportez-vous à « Gestion des lots de kits », page 164, pour plus d'instructions.
Champ de dialogue Comment: (Commentaires)	Paramètre précisant les informations pertinentes pour le protocole de dosage présent sur la plaque. Remarque : La longueur maximale est de 100 caractères.

Composant	Fonction
Bouton OK	<p>Valide les informations affichées et ferme la boîte de dialogue Header Information.</p> <p>Remarque : Si vous cliquez sur le bouton OK pendant l'ajout d'un protocole de dosage à une grille d'agencement des plaques, la boîte de dialogue Header Information se ferme et le protocole de dosage est ajouté à la grille.</p>
Bouton Cancel	<p>Ferme la boîte de dialogue Header Information sans apporter aucune modification.</p> <p>Remarque : Si vous cliquez sur le bouton Cancel pendant l'ajout d'un protocole de dosage à une grille d'agencement des plaques, la boîte de dialogue Header Information se ferme et le protocole de dosage n'est pas ajouté à la grille.</p>

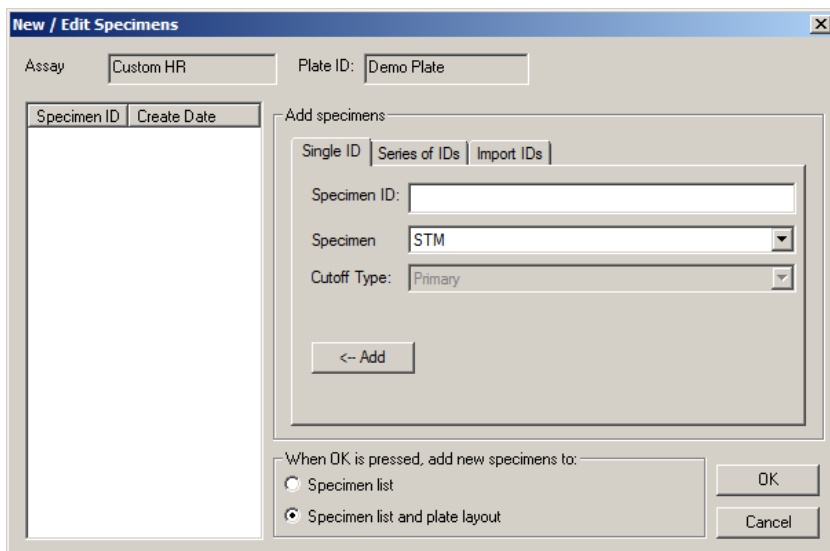
6.1.3 Utilisation de la boîte de dialogue **New/Edit Specimens**

La boîte de dialogue **New/Edit Specimens** permet de créer ou de modifier des échantillons. La boîte de dialogue **New/Edit Specimens** est accessible à partir de la fenêtre **Create/Edit Layout** ou de la fenêtre **Specimen List** (Liste des échantillons). Accédez à la fenêtre **Create/Edit Layout** depuis l'onglet **Plates** en cliquant sur **New IVD** pour créer une plaque d'hybridation ou en cliquant sur **Edit...** pour modifier une plaque d'hybridation existante. Pour accéder à la fenêtre **Specimen List** à partir de l'onglet **Assay Protocols** (Protocoles de dosage), mettez en surbrillance l'ID de protocole de dosage souhaité et cliquez sur le bouton **Specimens** (Échantillons).

Pour créer un échantillon, reportez-vous à « Création d'un échantillon individuel », page 147. Pour modifier un ou plusieurs échantillons, reportez-vous à « Modification d'un seul échantillon dans la boîte de dialogue **New/Edit Specimens** », page 154, ou à « Modification de plusieurs échantillons dans la boîte de dialogue **New/Edit Specimens** », page 156, afin d'obtenir des instructions supplémentaires.

Les onglets **Single ID** (Un seul ID), **Series of IDs** (Série d'ID) et **Import IDs** (Importer les ID) permettent de créer ou de modifier des échantillons. Cliquez sur l'onglet pertinent pour réaliser l'action souhaitée.

Exemple illustrant la boîte de dialogue **New/Edit Specimens** :

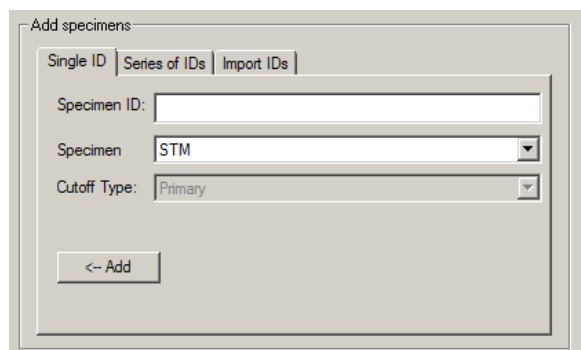


Le tableau suivant décrit les fonctions disponibles dans la boîte de dialogue **New/Edit Specimens**.

Composant	Fonction
Champ de dialogue Assay	Affiche l'ID de protocole de dosage.
Champ de dialogue Plate ID : (ID de plaque)	Affiche l'ID de plaque.
Liste Specimen ID (ID d'échantillon)	Affiche les ID d'échantillon créés ou modifiés alors que la boîte de dialogue New/Edit Specimens est ouverte.

L'onglet **Single ID** permet de créer ou de modifier un seul échantillon à la fois. Vous pouvez créer ou modifier plusieurs échantillons en reprenant les procédures de création ou de modification. Les échantillons créés ou modifiés pendant la procédure sont affichés dans la liste. Reportez-vous à « Création d'un échantillon individuel », page 147, et à « Modification d'un seul échantillon dans la boîte de dialogue **New/Edit Specimens** » page 154, pour plus d'instructions.

Exemple illustrant l'onglet **Single ID** :



The screenshot shows a dialog box titled "Add specimens" with three tabs: "Single ID", "Series of IDs", and "Import IDs". The "Single ID" tab is active. It contains three input fields: "Specimen ID:" (a text box), "Specimen" (a dropdown menu with "STM" selected), and "Cutoff Type:" (a dropdown menu with "Primary" selected). At the bottom left, there is a button labeled "<-- Add".

Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans l'onglet **Single ID**.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
créer un échantillon ou désigner un échantillon à modifier	le champ de dialogue Specimen ID et saisissez l'ID d'échantillon. Remarques : <ul style="list-style-type: none">● La longueur maximum pour un ID d'échantillon est de 30 caractères.● Vous pouvez utiliser un lecteur de code-barres portable pour saisir l'ID d'échantillon. Le lecteur de code-barres doit être programmé pour inclure un retour en vue d'une saisie continue.
indiquer le type de l'échantillon	un type d'échantillon dans la liste déroulante Specimen (Échantillon).
indiquer un type de seuil pour l'échantillon	un type de seuil dans la liste déroulante Cutoff Type: (Type de seuil). Remarque : La liste déroulante Cutoff Type: est grisée si vous créez un échantillon pour un protocole de dosage consensuel.
ajouter l'échantillon créé ou modifié à la liste des échantillons créés ou modifiés	le bouton <-- Add (<-- Ajouter). L'échantillon apparaît dans la liste.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
ajouter les échantillons créés ou modifiés à la liste des échantillons lorsque vous cliquez sur OK	sélectionnez le bouton radio Specimen list dans le volet When OK is pressed, add new specimens to: (Lorsque OK est enfoncé, ajoutez de nouveaux échantillons à). Remarque : Cette option n'est disponible que si la boîte de dialogue New/Edit Specimens a été ouverte depuis la fenêtre Create/Edit Layout .
ajouter les échantillons créés ou modifiés à la liste des échantillons et à la grille d'agencement des plaques lorsque vous cliquez sur OK	sélectionnez le bouton radio Specimen list and plate layout (Liste des échantillons et agencement des plaques) dans le volet When OK is pressed, add new specimens to: . Remarque : Cette option n'est disponible que si la boîte de dialogue New/Edit Specimens a été ouverte depuis la fenêtre Create/Edit Layout .
créer ou modifier les échantillons affichés dans la liste	le bouton OK . La boîte de dialogue New/Edit Specimens se ferme et les échantillons sont créés ou modifiés.
annuler la création ou la modification des échantillons dans la liste	le bouton Cancel . La boîte de dialogue New/Edit Specimens se ferme.

L'onglet **Series of IDs** permet de créer ou de modifier plusieurs échantillons ayant le même identifiant de départ que l'ID d'échantillon. Les échantillons créés ou modifiés pendant la procédure sont affichés dans la liste. Reportez-vous à « Création d'une série d'échantillons », page 148, et à « Modification de plusieurs échantillons dans la boîte de dialogue **New/Edit Specimens** » page 156, pour plus d'instructions.

Exemple illustrant l'onglet **Series of IDs** :

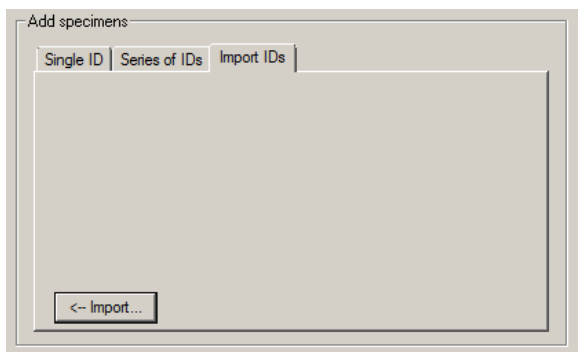
Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans l'onglet **Series of IDs**.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
indiquer un nom racine inséré au début de chaque ID d'échantillon de la série	le champ de dialogue Root: (Racine) et entrez la racine de la série d'ID d'échantillon. Remarque : La longueur maximum pour un ID d'échantillon est de 30 caractères. La racine associée aux numéros consécutifs ne doit pas dépasser 30 caractères.
indiquer un numéro de début pour la série, qui sera ajouté à la racine	le champ de dialogue Start No.: (N° de début) et entrez le numéro de début de la série d'ID d'échantillon.
indiquer un numéro de fin pour la série, qui sera ajouté à la racine	le champ de dialogue End No. (N° de fin) et entrez le numéro de fin de la série d'ID d'échantillon. Remarques : <ul style="list-style-type: none">● Le numéro de fin doit être supérieur au numéro de début.● Si le numéro commence par un zéro, celui-ci est ignoré pendant la création de l'ID d'échantillon.
indiquer le type d'échantillon pour la série d'échantillons	un type d'échantillon dans la liste déroulante Specimen .
indiquer le type de seuil pour la série d'échantillons	le type de seuil dans la liste déroulante Cutoff Type: . Remarque : La liste déroulante Cutoff Type: est grisée si vous créez un échantillon pour un protocole de dosage consensuel.
ajouter les échantillons créés ou modifiés à la liste des échantillons créés ou modifiés	le bouton <-- Add . Les échantillons apparaissent dans la liste.
ajouter les échantillons créés ou modifiés à la liste des échantillons lorsque vous cliquez sur OK	sélectionnez le bouton radio Specimen list dans le volet When OK is pressed, add new specimens to: . Remarque : Cette option n'est disponible que si la boîte de dialogue New/Edit Specimens a été ouverte depuis la fenêtre Create/Edit Layout .

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
ajouter les échantillons créés ou modifiés à la liste des échantillons et à la grille d'agencement des plaques lorsque vous cliquez sur OK	sélectionnez le bouton radio Specimen list and plate layout dans le volet When OK is pressed, add new specimens to: Remarque : Cette option n'est disponible que si la boîte de dialogue New/Edit Specimens a été ouverte depuis la fenêtre Create/Edit Layout .
créer ou modifier les échantillons affichés dans la liste	le bouton OK . La boîte de dialogue New/Edit Specimens se ferme et les échantillons sont créés ou modifiés.
annuler la création ou la modification des échantillons dans la liste	le bouton Cancel . La boîte de dialogue New/Edit Specimens se ferme.

L'onglet **Import IDs** permet d'importer plusieurs échantillons à partir d'un fichier texte. Reportez-vous à « Création d'échantillons depuis un fichier texte », page 149, pour plus d'instructions.

Exemple illustrant l'onglet **Import IDs** :



Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans l'onglet **Import IDs**.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
importer des échantillons en utilisant un fichier texte	le bouton <-- Import... (<-- Importer). Une boîte de dialogue des répertoires s'ouvre. Reportez-vous à « Création d'échantillons depuis un fichier texte », page 149, pour plus d'instructions.
ajouter les échantillons créés à la liste des échantillons lorsque vous cliquez sur OK	sélectionnez le bouton radio Specimen list dans le volet When OK is pressed, add new specimens to: Remarque : Cette option n'est disponible que si la boîte de dialogue New/Edit Specimens a été ouverte depuis la fenêtre Create/Edit Layout .
ajouter les échantillons créés à la liste des échantillons lorsque vous cliquez sur OK	sélectionnez le bouton radio Specimen list and plate layout dans le volet When OK is pressed, add new specimens to: Remarque : Cette option n'est disponible que si la boîte de dialogue New/Edit Specimens a été ouverte depuis la fenêtre Create/Edit Layout .
créer les échantillons dans la liste	le bouton OK . La boîte de dialogue New/Edit Specimens se ferme et les échantillons sont créés.
annuler la création des échantillons dans la liste	le bouton Cancel . La boîte de dialogue New/Edit Specimens se ferme.

6.1.4 Utilisation des boîtes de dialogue **Edit Specimen** et **Edit Multiple Specimens** (Modifier plusieurs échantillons)

Les boîtes de dialogue **Edit Specimen** et **Edit Multiple Specimens** permettent de modifier les informations associées à un échantillon ou à plusieurs échantillons, respectivement. Reportez-vous à « Modification des informations relatives à l'échantillon », page 152, pour plus d'instructions.

Exemple illustrant la boîte de dialogue **Edit Specimen** :

The 'Edit Specimen' dialog box features the following elements:

- Specimen ID:** Text input field containing '06-25-201325' and a 'Change ID' button.
- Patient ID:** Dropdown menu and a 'New' button.
- Specimen:** Dropdown menu showing 'STM'.
- Date Collected:** Dropdown menu showing '5/29/2013'.
- Qualitative cutoff:** Radio button group with options: Primary (selected), Secondary, and Tertiary.
- Comment:** A large empty text area.
- Buttons:** 'OK' and 'Cancel' buttons at the bottom right.

Exemple illustrant la boîte de dialogue **Edit Multiple Specimens** :

The 'Edit Multiple Specimens' dialog box features the following elements:

- Specimen:** Dropdown menu showing 'STM'.
- Date Collected:** Dropdown menu showing '5/29/2013'.
- Qualitative cutoff:** Radio button group with options: Primary, Secondary, and Tertiary.
- Comment:** A checked checkbox and a large empty text area below it.
- Buttons:** 'OK' and 'Cancel' buttons at the bottom right.

Le tableau suivant décrit les actions qui peuvent être réalisées dans les boîtes de dialogue **Edit Specimen** et **Edit Multiple Specimens**.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
modifier l'ID d'échantillon	le bouton Change ID (Modifier un ID). La boîte de dialogue Edit Specimen ID (Modifier l'identifiant d'échantillon) s'ouvre. Modifiez les informations dans le champ de dialogue Specimen ID et cliquez sur OK . Reportez-vous à « Modification des informations relatives à l'échantillon », page 152, pour plus d'instructions. Remarque : Cette fonction n'est disponible que si vous modifiez un seul échantillon.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
associer un ID de patient existant à l'échantillon	<p>l'ID de patient pertinent dans la liste déroulante Patient ID (ID de patient).</p> <p>Remarque : Cette fonction n'est disponible que si vous modifiez un seul échantillon.</p>
créer un patient	<p>le bouton New (Nouveau).</p> <p>Reportez-vous à « Création d'un patient », page 162, pour plus d'instructions.</p> <p>Remarque : Cette fonction n'est disponible que si vous modifiez un seul échantillon.</p>
retirer un ID de patient associé à un échantillon	<p><Not Assigned> (<Non attribué>) dans la liste déroulante Patient ID.</p> <p>Remarque : Cette fonction n'est disponible que si vous modifiez un seul échantillon.</p>
modifier le type d'échantillon	<p>le type d'échantillon pertinent dans la liste déroulante Specimen.</p>
saisir ou modifier la date de prélèvement de l'échantillon	<p>la date pertinente dans le champ de dialogue Date Collected (Date de recueil).</p>
modifier le type de seuil de l'échantillon	<p>le bouton radio concerné dans le volet Qualitative cutoff (Seuil qualitatif).</p> <p>Remarque : Cette fonction n'est disponible que pour les protocoles de dosage non consensuels.</p>
saisir un commentaire sur l'échantillon qui sera inclus dans les rapports	<p>le champ de dialogue Comment: et saisissez le commentaire.</p> <p>Si vous modifiez plusieurs échantillons, cochez la case Comment: et saisissez le commentaire dans le champ de dialogue Comment:.</p> <p>Remarque : La longueur maximale est de 100 caractères.</p>

Pour... Cliquez sur ou sélectionnez...

enregistrer l'échantillon avec les modifications le bouton **OK**.

fermer la boîte de dialogue sans apporter de modifications à l'échantillon le bouton **Cancel**.

6.2 Utilisation de l'onglet **Measure** (Mesure)

L'onglet **Measure** permet de mesurer des plaques et d'effectuer des mesures en données brutes.

Exemple illustrant l'onglet **Measure** :

Current luminometer: 888888 Current user: TFinland

Help About...
Change User... Exit

Plates Measure Assay Protocols Patients Trends Users Utilities/Settings Luminometer Settings

Capture Plates

Type	Capture ID	Status
IVD	4589345	Unmeasured
IVD	56734	Unmeasured

Measure... Raw Data
Manual Entry...

Item	Status
Hyb. Plate	2014-04-18 - HR HPV
Protocol	High Risk HPV
Range	A1..D2

Plate Measurement

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
A	NC 1	5894789										
B	NC 2	455465665										
C	NC 3	45465496										
D	HRC 1	78978978										
E	HRC 2											
F	HRC 3											
G	QC1-LR											
H	QC2-HR											

Messages

Stop Remove
Set QNS Print...

Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans le volet **Capture Plates** (Plaques de capture).

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
sélectionner une plaque de capture en vue d'une mesure	la plaque de capture concernée dans la liste. L'agencement de la plaque de capture sélectionnée s'affiche dans le volet Plate Measurement (Mesure d'une plaque). Pour sélectionner plusieurs plaques de capture, mettez-les en surbrillance dans la liste.
utiliser un lecteur de code-barres pour lancer une mesure de plaque de capture	lisez le code-barres de la plaque de capture concernée. L'ID de plaque de capture apparaît dans la boîte de dialogue au-dessus du bouton Measure... (Mesurer). Remarques : <ul style="list-style-type: none">● Cette fonction n'est disponible que si la plaque de capture est affichée dans le volet Capture Plates.● L'ID de plaque de capture n'apparaît pas au-dessus du bouton Measure... si d'autres fonctions sont sélectionnées dans l'onglet Measure. Cliquez dans la boîte de dialogue pour afficher l'ID de plaque de capture.
mesurer une plaque de capture	la plaque de capture concernée dans la liste et cliquez sur le bouton Measure... Reportez-vous à « Mesure d'une plaque », page 185, pour plus d'instructions.
mesurer une plaque de capture sous forme de données brutes	le bouton Raw Data . Reportez-vous à « Mesure d'une plaque sous forme de données brutes », page 189, pour plus d'instructions.

Le sous-volet du volet **Capture Plates** affiche la plaque d'hybridation et les protocoles de dosage associés ainsi que les puits occupés de la plaque de capture en surbrillance.

Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans le volet **Plate Measurement**.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
arrêter la mesure d'une plaque de capture	le bouton Stop (Arrêter). Reportez-vous à « Annulation de la mesure de la plaque », page 187, pour plus d'instructions.
retirer un échantillon de la grille d'agencement des plaques	l'ID d'échantillon concerné sur la grille d'agencement des plaques et cliquez sur le bouton Remove . Pour retirer plusieurs ID d'échantillon, mettez-les en surbrillance dans la grille d'agencement des plaques et cliquez sur le bouton Remove . La cellule correspondant à l'échantillon retiré est vide et grisée. Reportez-vous à « Mesure d'une plaque », page 185, pour plus d'instructions.
définir le résultat final d'un échantillon comme « quantity not sufficient » (Quantité non suffisante)	l'ID d'échantillon concerné sur la grille d'agencement des plaques et cliquez sur le bouton Set QNS (Définir comme QNS). Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la définition de l'état de l'échantillon comme « quantity not sufficient ». Cliquez sur le bouton Yes . Vous pouvez définir plusieurs ID d'échantillon comme étant en quantité non suffisante en les sélectionnant dans la grille d'agencement des plaques et en cliquant sur le bouton Set QNS . La cellule correspondant à l'échantillon en quantité non suffisante est vide et grisée. Remarque : Vous ne pouvez pas définir comme « quantity not sufficient » un étalon, un contrôle de qualité ou un échantillon dont l'état est « unclear » (équivoque) ou « invalid » (non valide). Reportez-vous à « Mesure d'une plaque », page 185, pour plus d'instructions.
imprimer ou enregistrer la plaque	le bouton Print... La fenêtre QIAGEN Report Viewer s'ouvre. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre QIAGEN Report Viewer », page 114114, pour plus d'instructions.

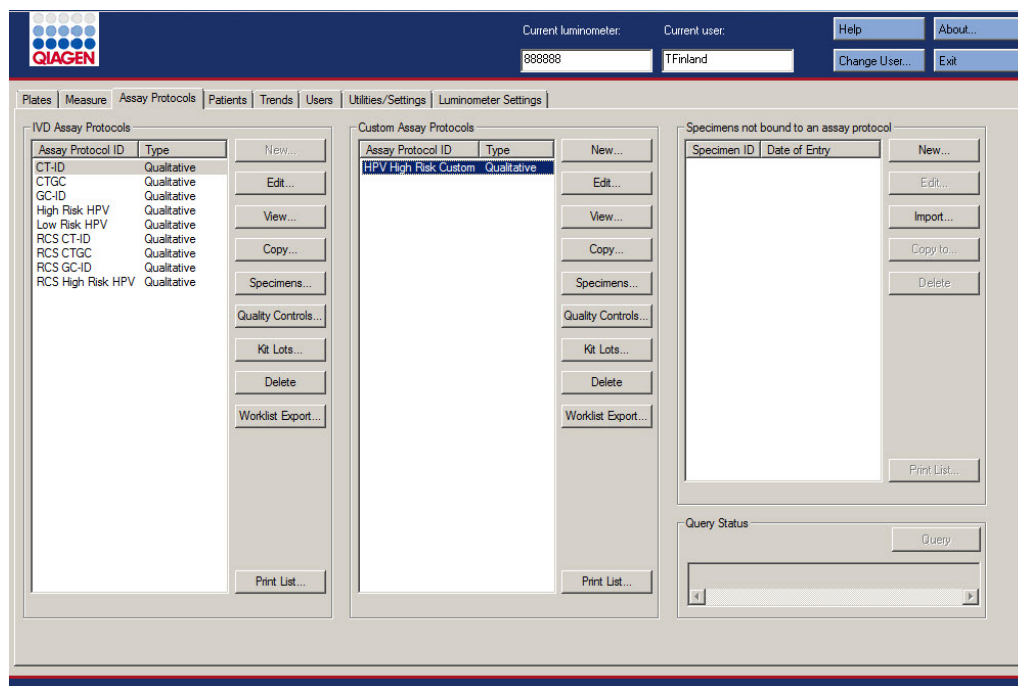
Le champ de dialogue **Messages** affiche des informations relatives à la mesure de la plaque. Si vous utilisez un DML 2000, la boîte de dialogue **Background** (Bruit de fond) s'affiche si vous avez coché la case **Show plate background in measure window** (Afficher le bruit de fond de la plaque dans la fenêtre de mesure) dans l'onglet **Luminometer Settings** (Paramètres du luminomètre). La boîte de dialogue **Background** affiche la valeur du bruit de fond de la plaque (10) vérifié immédiatement avant la mesure de la plaque. Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un relevé du bruit de fond de la plaque (10) », page 137, pour plus d'instructions.

6.3 Utilisation de l'onglet **Assay Protocols**

L'onglet **Assay Protocols** permet de gérer les protocoles de dosage et d'accéder à d'autres fonctions utilisées pour gérer les informations sur les échantillons, les contrôles de qualité et les lots de kits.

Le volet **IVD Assay Protocols** (Protocoles de dosage IVD) répertorie les ID de protocole de dosage validés par QIAGEN sur le système *digene* HC2. Le volet **Specimens not bound to an assay protocol** (Échantillons non liés à un protocole de dosage) répertorie les échantillons qui ne sont pas attribués à un protocole de dosage.

Exemple illustrant l'onglet **Assay Protocols** :



Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans le volet **IVD Assay Protocols**.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
modifier les paramètres d'un protocole de dosage	<p>l'ID de protocole de dosage concerné et cliquez sur le bouton Edit. La boîte de dialogue Edit IVD Assay Protocol (Modifier un protocole de dosage IVD) s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Modification des protocoles de dosage », page 140, pour plus d'instructions.</p> <p>Remarque : Des informations en grisé signifient que les paramètres ne peuvent pas être modifiés.</p>
visualiser les paramètres du protocole de dosage	<p>l'ID de protocole de dosage concerné et cliquez sur le bouton View... (Visualiser). La boîte de dialogue View IVD Assay Protocol (Visualiser le protocole de dosage IVD) s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Visualisation des informations des protocoles de dosage », page 139, pour plus d'instructions.</p>
visualiser la liste des échantillons d'un protocole de dosage	<p>l'ID de protocole de dosage concerné et cliquez sur le bouton Specimens.... La boîte de dialogue Specimen List s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre Specimen List », page 80, pour plus d'instructions.</p>
gérer les contrôles de qualité associés à un protocole de dosage	<p>l'ID de protocole de dosage concerné et cliquez sur le bouton Quality Controls.... La boîte de dialogue Quality Control List s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Utilisation de la boîte de dialogue Quality Control List », page 77, pour plus d'instructions.</p>
gérer les lots de kits associés à un protocole de dosage	<p>l'ID de protocole de dosage concerné et cliquez sur le bouton Kit Lots.... La boîte de dialogue Kit Lot Number Entry s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Gestion des lots de kits », page 164, pour plus d'instructions.</p>

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
supprimer un protocole de dosage	<p>l'ID de protocole de dosage concerné et cliquez sur le bouton Delete.</p> <p>Reportez-vous à « Suppression d'un protocole de dosage », page 140, pour plus d'instructions.</p> <p>Remarque : Si le protocole de dosage est associé à au moins un échantillon, y compris des échantillons dont l'état est « unassigned », vous ne pouvez pas le supprimer.</p>
exporter la liste des échantillons non attribués pour un protocole de dosage	<p>l'ID de protocole de dosage concerné et cliquez sur le bouton Worklist Export... (Exportation de la liste de travail). La boîte de dialogue Worklist Export s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Exportation des échantillons non attribués », page 159, pour plus d'instructions.</p>
imprimer ou enregistrer la liste des protocoles de dosage	<p>le bouton Print List... (Imprimer la liste). La fenêtre QIAGEN Report Viewer s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre QIAGEN Report Viewer », page 114, pour plus d'instructions.</p>

Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans le volet **Specimens not bound to an assay protocol**.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
créer un échantillon	<p>le bouton New... La boîte de dialogue New/Edit Specimens s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Création d'échantillons », page 146, pour plus d'instructions.</p>
modifier les informations associées à un échantillon	<p>l'ID d'échantillon dans la liste et cliquez sur le bouton Edit... La boîte de dialogue Edit Unbound Specimen (Modifier un échantillon non lié) s'ouvre.</p> <p>Pour modifier plusieurs échantillons, mettez les ID d'échantillon concernés en surbrillance dans la liste et cliquez sur le bouton Edit...</p> <p>Reportez-vous à « Modification d'un ou de plusieurs échantillons dans la boîte de dialogue Edit Unbound Specimen », page 154, pour plus d'instructions.</p>

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
importer des échantillons depuis un fichier texte	le bouton Import... Reportez-vous à « Création d'échantillons depuis un fichier texte », page 149, pour plus d'instructions.
copier un échantillon dans un protocole de dosage	l'ID d'échantillon et cliquez sur le bouton Copy to... (Copier dans). Pour copier plusieurs échantillons, mettez les ID d'échantillon concernés en surbrillance dans la liste et cliquez sur le bouton Copy to.... Reportez-vous à « Copie d'échantillons non liés dans un protocole de dosage », page 150, pour plus d'instructions.
supprimer l'échantillon	l'ID d'échantillon et cliquez sur le bouton Delete . Pour supprimer plusieurs échantillons, mettez les ID d'échantillon concernés en surbrillance dans la liste et cliquez sur le bouton Delete . Reportez-vous à « Suppression d'un échantillon non lié », page 160, pour plus d'instructions.
imprimer ou enregistrer la liste des échantillons non liés	le bouton Print List.... La fenêtre QIAGEN Report Viewer s'ouvre. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre QIAGEN Report Viewer », page 114, pour plus d'instructions.

Le bouton **Query** (Interroger) du volet **Query Status** (État de la requête) permet de lancer manuellement une requête concernant les commandes de tests. La communication bidirectionnelle avec le LIS doit être configurée pour qu'une commande de test puisse être reçue par le logiciel du système *digene* HC2. Reportez-vous à « Gestion des paramètres d'exportation des données », page 128, pour plus d'instructions.

Le champ de dialogue du volet **Query Status** contient des informations sur la dernière requête concernant les commandes de tests. Si la requête a réussi, la date et l'heure de la dernière requête ainsi que le nombre d'échantillons reçus du LIS sont affichés. Dans le cas contraire, la description de l'erreur est affichée. Vous trouverez ci-dessous des exemples des informations affichées dans le champ de dialogue du volet **Query Status** :

- 20131108 07:45:53 - 1 Test Order(s) received. (08/11/2013 07:45:53 - 1 commande de test reçue.)

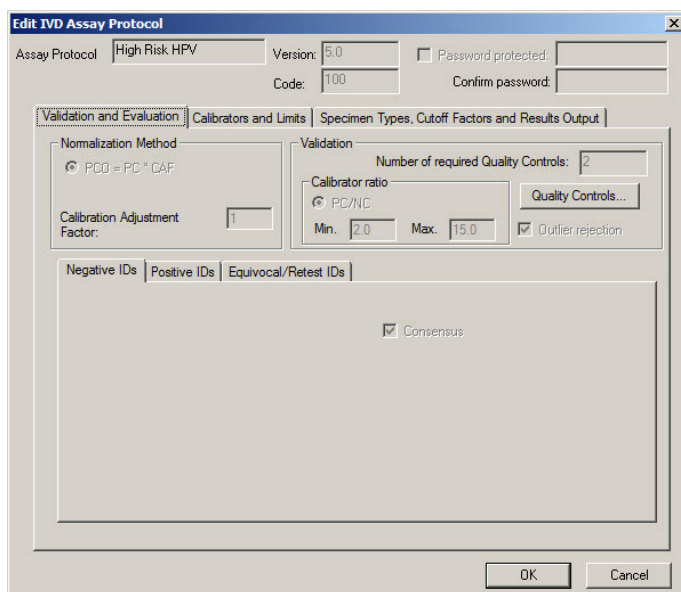
- 20141201 12:12:24 - Query cannot be performed when no order mappings are defined.
(01/12/2014 12:12:24 - La requête ne peut pas être exécutée si aucun mappage de commande n'est défini.)

6.3.1 Utilisation de la boîte de dialogue **Edit IVD Assay Protocol** (Modifier un protocole de dosage IVD)

La boîte de dialogue **Edit IVD Assay Protocol** permet de modifier les paramètres d'un protocole de dosage. La plupart des paramètres d'un protocole de dosage pour IVD ne peuvent pas être modifiés et sont donc grisés. Pour accéder à la boîte de dialogue pertinente à partir de l'onglet **Assay Protocols**, mettez en surbrillance le protocole de dosage dans le volet **IVD Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **Edit...**

Pour modifier les paramètres du protocole de dosage, reportez-vous à « Modification des protocoles de dosage », page 140, afin d'obtenir des instructions supplémentaires.

Exemple illustrant la boîte de dialogue **Edit IVD Assay Protocol** :



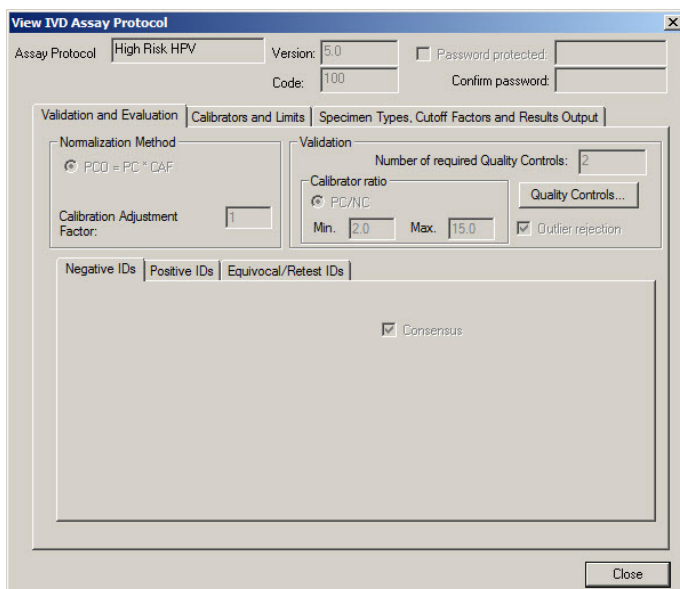
6.3.2 Utilisation de la boîte de dialogue **View IVD Assay Protocol**

La boîte de dialogue **View IVD Assay Protocol** affiche les paramètres du protocole de dosage. Vous ne pouvez pas modifier les informations affichées, à l'exception du bouton **Quality Controls**. Pour accéder à la boîte de dialogue, mettez en surbrillance le protocole de dosage

pertinent dans le volet **IVD Assay Protocols** de l'onglet **Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **View....**

Cliquez sur l'onglet **Validation and Evaluation** (Validation et évaluation), **Calibrators and Limits** (Étalons et limites) ou **Specimen Types, Cutoff Factors and Results Output** (Types d'échantillon, facteurs de seuil et sortie des résultats) pour consulter les informations souhaitées.

Exemple illustrant la boîte de dialogue **View IVD Assay Protocol** :



Le tableau suivant décrit les fonctions disponibles dans la boîte de dialogue **View IVD Assay Protocol**.

Composant	Fonction
Champ de dialogue Assay Protocol (Protocole de dosage)	Affiche l'ID de protocole de dosage.
Champ de dialogue Version:	Affiche la version actuelle du protocole de dosage du système <i>digene HC2</i> .
Champ de dialogue Code:	Affiche le code de protocole de dosage à transmettre à un LIS.

L'onglet **Validation and Evaluation** contient le volet **Normalization Method** (Méthode de normalisation), le volet **Validation** et les onglets permettant de définir les paramètres de retest pour les protocoles de dosage non consensuels.

Exemple illustrant l'onglet **Validation and Evaluation** pour un protocole de dosage consensuel :

The screenshot shows the 'Validation and Evaluation' dialog box with the following settings:

- Normalization Method:** PCO = PC * CAF
- Calibration Adjustment Factor:** 1
- Validation:**
 - Number of required Quality Controls: 2
 - Calibrator ratio: PC/NC
 - Min.: 2.0, Max.: 15.0
 - Outlier rejection
- Consensus:** Consensus

Exemple illustrant l'onglet **Validation and Evaluation** pour un protocole de dosage non consensuel :

The screenshot shows the 'Validation and Evaluation' dialog box with the following settings:

- Normalization Method:** PCO = PC * CAF
- Calibration Adjustment Factor:** 1
- Validation:**
 - Number of required Quality Controls: 2
 - Calibrator ratio: PC/NC
 - Min.: 2.0, Max.: 20.0
 - Outlier rejection
- Retest Parameters:**
 - Enable Negative IDs to be retested
 - Retest Primary Cutoff Specimens
 - Retest Secondary Cutoff Specimens
 - Consensus
- Retest Assay Protocols for Negative IDs:**

	Retest for Primary Cutoff	Cutoff Type	Retest for Secondary
1st Assay	<- Select ->	<input checked="" type="radio"/> Primary	<- Select ->
2nd Assay	<- Select ->	<input type="radio"/> Secondary	<- Select ->
3rd Assay	<- Select ->	<input type="radio"/> Tertiary	<- Select ->

Le tableau suivant décrit les fonctions disponibles dans le volet **Normalization Method**.

Composant	Fonction
Bouton radio PCO = PC * CAF	Indique la méthode à utiliser pour déterminer le seuil de dosage positif (PCO) du protocole de dosage. Le seuil de dosage positif est déterminé en multipliant la moyenne des étalons positifs (PC) par le facteur d'ajustement de l'étalonnage (CAF).
Champ de dialogue Calibration Adjustment Factor: (Facteur d'ajustement de l'étalonnage)	Indique le CAF utilisé pour calculer le seuil de dosage positif pour chaque dosage.

Le volet **Validation** comprend les paramètres de nombre de contrôles de qualité obligatoires pour la validation ainsi que le ratio d'étalon. Le tableau suivant décrit les fonctions disponibles dans le volet **Validation**.

Composant	Fonction
Champ de dialogue Number of required Quality Controls: (Nombre de contrôles de qualité obligatoires)	Indique le nombre de contrôles de qualité requis pour valider la plaque. La case Automatically set for use in validation when added to a plate layout doit être cochée en regard d'un nombre de contrôles de qualité équivalent au nombre de contrôles de qualité obligatoires sur la plaque pour qu'une mesure de la plaque soit réalisée.
Bouton radio PC/NC du sous-volet Calibrator ratio (Ratio d'étalon)	Indique la méthode utilisée pour déterminer le ratio d'étalon de la validation du dosage. Le ratio d'étalon est obtenu en divisant la moyenne des étalons positifs (PC) par la moyenne des étalons négatifs (NC).
Champ de dialogue Min. du sous-volet Calibrator ratio	Indique la valeur minimum du ratio d'étalon requise pour valider le protocole de dosage.
Champ de dialogue Max. du sous-volet Calibrator ratio	Indique la valeur maximale du ratio d'étalon requise pour valider le protocole de dosage.

Composant	Fonction
Case Outlier rejection (Rejet des aberrations)	<p>Indique si le protocole de dosage est autorisé à rejeter l'un des résultats d'étalonnage en tant qu'aberration lors du calcul de la moyenne.</p> <p>La valeur la plus éloignée de la moyenne des étalons sera rejetée en tant qu'aberration si le coefficient de variation (CV) des étalons est hors spécifications.</p> <p>La moyenne des résultats d'étalonnage et le CV sont calculés sur la base des résultats d'étalonnage restants.</p>
Bouton Quality Controls...	<p>Ouvre la boîte de dialogue Quality Control List.</p> <p>Reportez-vous à « Utilisation de la boîte de dialogue Quality Control List », page 77, pour plus d'instructions.</p>

Les onglets **Negative IDs** (ID négatifs), **Positive IDs** (ID positifs) et **Equivocal/Retest IDs** (ID douteux/de retest) contiennent les paramètres de retest pour un protocole de dosage non consensuel. Chaque onglet propose les mêmes fonctionnalités pour les différents types d'ID. Le tableau suivant décrit les fonctions disponibles dans les onglets.

Composant	Fonction
Case Consensus (Consensuel)	<p>Définit le protocole de dosage comme un protocole consensuel.</p> <p>Remarque : Si la case est cochée, aucune autre fonction des onglets Negative IDs, Positive IDs et Equivocal/Retest IDs n'est disponible.</p> <p>Si la case n'est pas cochée, le protocole de dosage est défini comme un protocole non consensuel.</p>
Case Enable Negative IDs to be retested (Autoriser les ID négatifs à être retestés)	Active ou désactive l'application des paramètres de retest en fonction des résultats de l'échantillon concerné.
Case Enable Positive IDs to be retested (Autoriser les ID positifs à être retestés)	
Case Enable Equivocal/Retest IDs to be retested (Autoriser les ID douteux/de retest à être retestés)	

Composant	Fonction
Case à cocher Retest Primary Cutoff Specimens (Retester les échantillons selon seuil primaire)	<p>Applique les paramètres de retest pour les échantillons selon les paramètres du facteur de seuil primaire définis dans l'onglet Specimens Types, Cutoff Factors and Results Output.</p> <p>Si cette case est cochée, les champs de dialogue Retest for Primary Cutoff (Retest pour seuil primaire) sont actifs dans le volet situé en dessous. Si la case n'est pas cochée, les champs de dialogue sont grisés.</p>
Case à cocher Retest Secondary Cutoff Specimens (Retester les échantillons selon seuil secondaire)	<p>Applique les paramètres de retest pour les échantillons selon les paramètres du facteur de seuil secondaire définis dans l'onglet Specimens Types, Cutoff Factors and Results Output.</p> <p>Si cette case est cochée, les champs de dialogue Retest for Secondary (Retest pour secondaire) sont actifs dans le volet situé en dessous. Si la case n'est pas cochée, les champs de dialogue sont grisés.</p>
Volet Retest Assay Protocols for Negative IDs (Retester les protocoles de dosage pour les ID négatifs)	Affiche les paramètres de retest pour le protocole de dosage.
Volet Retest Assay Protocols for Positive IDs (Retester les protocoles de dosage pour les ID positifs)	
Volet Retest Assay Protocols for Equivocal/Retest IDs (Retester les protocoles de dosage pour les ID douteux/de retest)	
Liste déroulante 1st Assay (1 ^{er} dosage)	Définit le protocole de dosage pour le retest des échantillons.
Liste déroulante 2nd Assay (2 ^e dosage)	
Liste déroulante 3rd Assay (3 ^e dosage)	
Boutons radio Cutoff Type	Définit le type de facteur de seuil pour le retest des échantillons.

L'onglet **Calibrators and Limits** définit les paramètres pour les étalons associés au protocole de dosage. Si la case en regard d'un paramètre est cochée, celui-ci est activé pour le protocole de dosage.

Exemple illustrant l'onglet **Calibrators and Limits** :

Replicates	Limits: Min RLU	Max RLU	Max %CV	Printing Abbreviation
Neg Cal: 3 <input checked="" type="checkbox"/>	10 <input checked="" type="checkbox"/>	250 <input checked="" type="checkbox"/>	25 <input checked="" type="checkbox"/>	NC
Pos Cal: 3 <input type="checkbox"/>	0 <input type="checkbox"/>	0 <input type="checkbox"/>	15 <input checked="" type="checkbox"/>	HRC
Unknown: 1				

Room Temperature
 Min: 20 Max: 25 °C °F

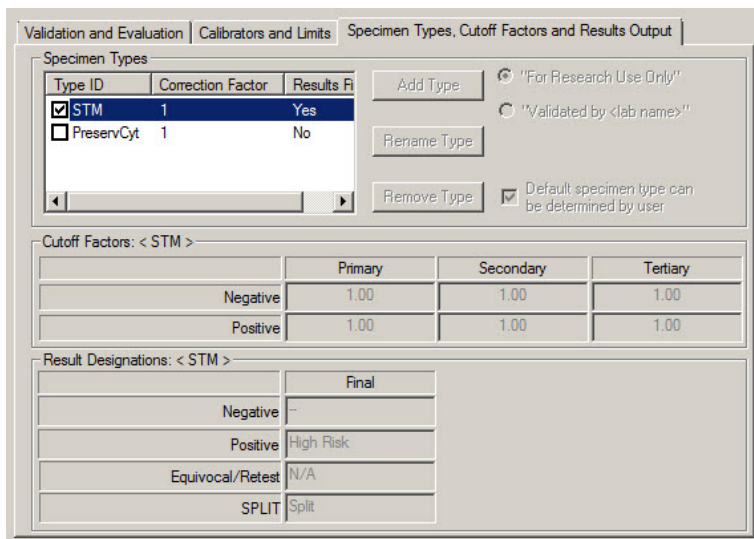
Le tableau suivant décrit les fonctions disponibles dans l'onglet **Calibrators and Limits**.

Composant	Fonction
Ligne Neg Cal : (Étalon négatif)	Paramètres de l'étalon négatif associé au protocole de dosage.
Ligne Pos Cal : (Étalon positif)	Paramètres de l'étalon positif associé au protocole de dosage.
Ligne Unknown : (Inconnu)	Paramètres des échantillons associés au protocole de dosage.
Colonne Replicates	Indique le nombre de réplicats requis pour les différents étalons. Pour la ligne Unknown , la valeur détermine le nombre de réplicats d'échantillon ajoutés par défaut à une plaque associée au protocole de dosage.

Composant	Fonction
Colonne Min RLU (RLU min.)	Indique la valeur en RLU minimum pour les différents étalons qui est requise pour valider le protocole de dosage.
Colonne Max RLU (RLU max.)	Indique la valeur en RLU maximum pour les différents étalons qui est requise pour valider le protocole de dosage.
Colonne Max %CV (% CV max)	Indique le CV maximum pour les différents étalons qui est requis pour valider le protocole de dosage.
Colonne Printing Abbreviation (Abréviation affichée)	Indique l'abréviation affichée pour les différents étalons.
Champ de dialogue Min: du volet Room Temperature	Indique la température minimum requise au moment de la mesure de la plaque pour le protocole de dosage.
Champ de dialogue Max: du volet Room Temperature	Indique la température maximale requise au moment de la mesure de la plaque pour le protocole de dosage.
Boutons radio °C et °F du volet Room Temperature	Indique soit °C pour degrés Celsius, soit °F pour degrés Fahrenheit, en tant qu'unité de mesure de la température au moment de la mesure de la plaque.

L'onglet **Specimen Types, Cutoff Factors and Results Output** définit les types d'échantillons, les facteurs de seuil et la désignation des résultats pour le protocole de dosage.

Exemple illustrant l'onglet **Specimen Types, Cutoff Factors and Results Output** :



Le tableau suivant décrit les fonctions disponibles dans le volet **Specimen Types, Cutoff Factors and Results Output**.

Composant	Fonction
Colonne Type ID (ID de type)	Affiche les ID de type d'échantillon associés au protocole de dosage.
Colonne Correction Factor (Facteur de correction)	Affiche les facteurs de correction pour les types d'échantillons associés au protocole de dosage.
Colonne Results Final (Résultats finaux)	Indique si l'algorithme de retest est applicable au type d'échantillon. Si Yes est affiché, le résultat final pour le type d'échantillon est déterminé sur la base du test primaire. Si No est affiché, le résultat final d'un échantillon est déterminé en utilisant l'algorithme de retest, s'il y a lieu. Remarque : La colonne Results Final est affichée uniquement si la case Consensus est cochée dans l'onglet Validation and Evaluation .

Composant	Fonction
Case en regard de chaque ID de type d'échantillon	<p>La case cochée désigne le type d'échantillon par défaut pour le protocole de dosage.</p> <p>Reportez-vous à « Modification du type d'échantillon par défaut d'un protocole de dosage », page 143, pour plus d'instructions.</p>
Case Default specimen type can be determined by user (L'utilisateur peut définir le type d'échantillon par défaut)	Indique si un utilisateur doté du niveau d'accès opérateur peut sélectionner le type d'échantillon par défaut pour le protocole de dosage. Si la case est cochée, un utilisateur doté du niveau d'accès opérateur peut sélectionner le type d'échantillon par défaut.

Les informations affichées dans les volets **Cutoff Factors:** (Facteurs de seuil) < [type d'échantillon] > et **Result Designations:** (Désignation des résultats) < [type d'échantillon] > sont propres au type d'échantillon en surbrillance dans le volet **Specimen Types** (Types d'échantillons).

Le tableau suivant décrit les fonctions disponibles dans le volet **Cutoff Factors:** < [type d'échantillon] >.

Composant	Fonction
Ligne Negative (Négatif)	<p>Indique les paramètres du facteur de seuil permettant de déterminer un résultat négatif. Tout résultat inférieur au paramètre spécifié est considéré comme négatif.</p> <p>Remarque : Si le seuil Negative n'est pas égal au seuil Positive et que le résultat se situe entre les seuils, le résultat est considéré comme douteux/de retest.</p>
Ligne Positive (Positif)	<p>Indique les paramètres du facteur de seuil permettant de déterminer un résultat positif. Tout résultat supérieur ou égal au paramètre spécifié est considéré comme positif.</p> <p>Remarque : Si le seuil Negative n'est pas égal au seuil Positive et que le résultat se situe entre les seuils, le résultat est considéré comme douteux/de retest.</p>
Colonne Primary (Primaire)	Définit les paramètres des facteurs de seuil primaires d'un échantillon.

Composant	Fonction
Colonne Secondary (Secondaire)	Définit les paramètres des facteurs de seuil secondaires d'un échantillon.
Colonne Tertiary (Tertiaire)	Définit les paramètres des facteurs de seuil tertiaires d'un échantillon.

Le tableau suivant décrit les fonctions disponibles dans le volet **Results Designations** < [type d'échantillon] >.

Composant	Fonction
Ligne Negative	Indique le résultat affiché pour un résultat négatif.
Ligne Positive	Indique le résultat affiché pour un résultat positif.
Ligne Equivocal/Retest (Douteux/Retest)	Indique le résultat affiché pour un résultat douteux ou de retest.
Ligne SPLIT (FRACTIONNÉ)	Indique le résultat affiché pour un résultat fractionné.
Colonne Preliminary (Préliminaire)	Indique le résultat affiché pour un résultat préliminaire. Remarque : La colonne Preliminary n'est pas affichée lorsque la case Consensus est cochée dans l'onglet Validation and Evaluation ou lorsque la colonne Results Final a la valeur Yes dans le volet Specimen Types .
Colonne Final	Indique le résultat affiché pour un résultat final.

6.3.3 Utilisation de la boîte de dialogue **Quality Control List**

La boîte de dialogue **Quality Control List** permet de gérer les contrôles de qualité. La boîte de dialogue **Quality Control List** est accessible par l'une des méthodes suivantes :

- Dans l'onglet **Plates** du volet **Unmeasured Hybridization Plates**, cliquez sur le bouton **New IVD...** ou sélectionnez un ID de plaque d'hybridation dans la liste et cliquez sur le bouton **Edit...** La fenêtre **Create/Edit Layout** s'ouvre. Cliquez sur le bouton **Manage QCs...** dans le volet **Quality controls**.
- Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez un ID de protocole de dosage dans le volet **IVD Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **Quality Controls....**

- Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez un ID de protocole de dosage dans le volet **IVD Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **Edit....** La boîte de dialogue **Edit IVD Assay Protocol** s'ouvre. Dans l'onglet **Validation and Evaluation**, cliquez sur le bouton **Quality Controls...**
- Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez un ID de protocole de dosage dans le volet **IVD Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **View....** La boîte de dialogue **View IVD Assay Protocol** s'ouvre. Dans l'onglet **Validation and Evaluation**, cliquez sur le bouton **Quality Controls...**

Exemple illustrant la boîte de dialogue **Quality Control List** :



Le tableau suivant décrit les fonctions disponibles dans la boîte de dialogue **Quality Control List**.

Composant	Fonction
Champ de dialogue Assay	Indique l'ID de protocole de dosage associé aux contrôles de qualité affichés.
Liste Quality Control ID (ID de contrôle de qualité)	<p>Indique les ID de contrôle de qualité associés au protocole de dosage spécifié.</p> <p>Si la case en regard de l'ID de contrôle de qualité est cochée, la case Automatically set for use in validation when added to a plate layout est cochée en regard du contrôle de qualité. Si le contrôle de qualité est ajouté à la plaque, il doit respecter les spécifications définies pour que le dosage soit valide.</p>

Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans la boîte de dialogue **Quality Control List**.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
ajouter un nouveau contrôle de qualité facultatif	<p>le bouton New.... La boîte de dialogue QC ID Entry (Saisie d'un ID de CQ) s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Création d'un contrôle de qualité facultatif », page 167, pour plus d'instructions.</p>
modifier les informations relatives à un contrôle de qualité	<p>l'ID de contrôle de qualité pertinent et cliquez sur le bouton Edit.... La boîte de dialogue Edit Quality Control (Modifier un contrôle de qualité) s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Modification d'un contrôle de qualité obligatoire », page 168, ou à « Modification d'un contrôle de qualité facultatif », page 168, pour plus d'instructions.</p>
supprimer un contrôle de qualité facultatif	<p>l'ID de contrôle de qualité pertinent et cliquez sur le bouton Delete.</p> <p>Reportez-vous à « Suppression d'un contrôle de qualité facultatif », page 169, pour plus d'instructions.</p>
visualiser la liste des contrôles de qualité associés à un protocole de dosage	<p>le bouton Print List.... La fenêtre QIAGEN Report Viewer s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre QIAGEN Report Viewer », page 114, pour plus d'instructions.</p>

Pour...

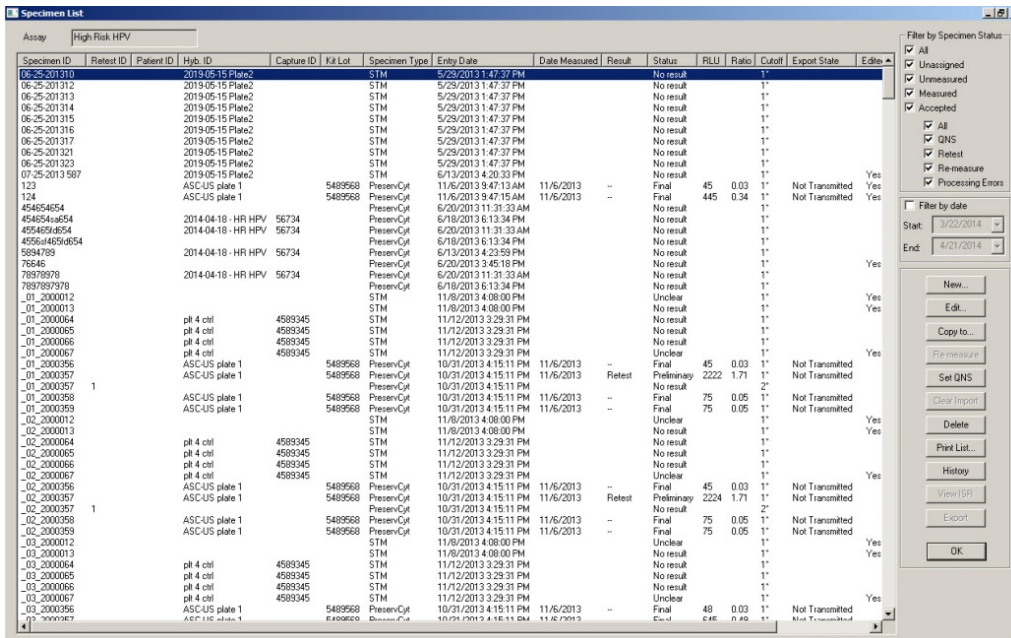
Cliquez sur ou sélectionnez...

fermer la boîte de dialogue le bouton **Close** (Fermer).
Quality Control List.

6.3.4 Utilisation de la fenêtre **Specimen List**

Utilisez la fenêtre **Specimen List** pour consulter les informations relatives à l'échantillon et pour gérer les échantillons. Pour accéder à cette fenêtre à partir de l'onglet **Assay Protocols**, mettez en surbrillance l'ID de protocole de dosage souhaité et cliquez sur le bouton **Specimens**.

Exemple illustrant la fenêtre **Specimen List** :



L'ID de protocole de dosage est affiché dans le champ de dialogue **Assay**, en haut de la fenêtre.

Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans la fenêtre **Specimen List**.

Pour...

Cliquez sur ou sélectionnez...

trier la liste des échantillons en fonction d'un paramètre donné

l'en-tête de colonne approprié.

Remarque : Chaque clic sur la colonne permet d'alterner entre tri par ordre croissant et tri par ordre décroissant.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
inclure dans la liste des échantillons tous les échantillons associés au protocole de dosage	la case All (Tous) dans le volet Filter by Specimen Status (Filtrer par état d'échantillon). Remarque : Cette case sert de bascule pour sélectionner ou désélectionner tous les autres filtres d'état d'échantillon.
inclure dans la liste des échantillons tous les échantillons ayant l'état « unassigned »	la case Unassigned dans le volet Filter by Specimen Status . Décochez cette case pour retirer de la liste des échantillons ceux dont l'état est « unassigned ».
inclure dans la liste des échantillons tous les échantillons ayant l'état « unmeasured » (non mesuré)	la case Unmeasured dans le volet Filter by Specimen Status . Décochez cette case pour retirer de la liste des échantillons ceux dont l'état est « unmeasured ».
inclure dans la liste des échantillons tous les échantillons ayant l'état « measured » (mesuré)	la case Measured dans le volet Filter by Specimen Status . Décochez cette case pour retirer de la liste des échantillons ceux dont l'état est « measured ».
inclure dans la liste des échantillons tous les échantillons ayant l'état « accepted » (validé)	la case Accepted (Validé) dans le volet Filter by Specimen Status . Décochez cette case pour retirer de la liste des échantillons ceux dont l'état est « accepted ».
inclure dans la liste des échantillons tous les échantillons sélectionnés à l'aide des cases de la première colonne du volet Filter by Specimen Status	la case All dans la deuxième colonne du volet Filter by Specimen Status . Remarque : Une case doit être cochée dans la première colonne du volet Filter by Specimen Status .
inclure dans la liste des échantillons les échantillons ayant un résultat de type quantité non suffisante	la case QNS dans la deuxième colonne du volet Filter by Specimen Status . Remarque : Une case doit être cochée dans la première colonne du volet Filter by Specimen Status .

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
inclure dans la liste des échantillons les échantillons ayant un résultat de retest	la case Retest dans la deuxième colonne du volet Filter by Specimen Status . Remarque : Une case doit être cochée dans la première colonne du volet Filter by Specimen Status .
inclure dans la liste des échantillons les échantillons définis pour une nouvelle mesure	la case Re-measure dans la deuxième colonne du volet Filter by Specimen Status . Remarque : Une case doit être cochée dans la première colonne du volet Filter by Specimen Status .
inclure dans la liste des échantillons les échantillons ayant l'état « unclear » et « invalid »	la case Processing Errors (Erreurs de traitement) dans la deuxième colonne du volet Filter by Specimen Status . Remarque : Une case doit être cochée dans la première colonne du volet Filter by Specimen Status .
affiner la liste des échantillons en utilisant une plage de dates pour la date de mesure de la plaque	la case Filter by date (Filtrer par date) et sélectionnez les paramètres dans les listes déroulantes Start (Début) et End (Fin). Remarque : Une case doit être cochée dans la première colonne du volet Filter by Specimen Status .
créer un échantillon	le bouton New... La boîte de dialogue New/Edit Specimens s'ouvre. Reportez-vous à « Création d'échantillons », page 146, pour plus d'instructions.
modifier les informations associées à un échantillon	l'ID d'échantillon dans la liste et cliquez sur le bouton Edit... Vous pouvez aussi double-cliquer sur un ID d'échantillon dans la liste. La boîte de dialogue Edit Specimen s'ouvre. Reportez-vous à « Modification d'un seul échantillon dans la boîte de dialogue Edit Specimen », page 152, pour plus d'instructions. Pour modifier plusieurs échantillons, reportez-vous à « Modification de plusieurs échantillons dans la boîte de dialogue Edit Multiple Specimens », page 153, afin d'obtenir des instructions supplémentaires.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
copier un échantillon dans un protocole de dosage	<p data-bbox="501 363 1145 417">l'ID d'échantillon dans la liste et cliquez sur le bouton Copy to....</p> <p data-bbox="501 442 1145 527">Pour copier plusieurs échantillons, mettez les ID d'échantillon concernés en surbrillance dans la liste et cliquez sur le bouton Copy to....</p> <p data-bbox="501 553 1145 608">Reportez-vous à « Copie d'échantillons d'un protocole de dosage à un autre », page 151, pour plus d'instructions.</p>
définir un échantillon à remesurer	<p data-bbox="501 668 1145 721">l'ID d'échantillon dans la liste et cliquez sur le bouton Re-measure.</p> <p data-bbox="501 746 1145 800">Reportez-vous à « Nouvelle mesure d'un échantillon », page 213, pour plus d'instructions.</p> <p data-bbox="501 825 1145 917">Remarque : Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent utiliser cette fonction. Le bouton Re-measure est grisé si la fonction n'est pas disponible.</p>
définir le résultat final d'un échantillon comme Quantity not sufficient	<p data-bbox="501 991 1145 1108">l'ID d'échantillon pertinent dans la liste et cliquez sur le bouton Set QNS. Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la définition de l'état de l'échantillon comme « quantity not sufficient ». Cliquez sur le bouton Yes.</p> <p data-bbox="501 1134 1145 1219">Vous pouvez définir plusieurs ID d'échantillon comme étant en quantité non suffisante en les mettant en surbrillance dans la liste et en cliquant sur le bouton Set QNS.</p> <p data-bbox="501 1244 639 1266">Remarques :</p> <ul data-bbox="501 1283 1145 1481" style="list-style-type: none"> <li data-bbox="501 1283 1145 1368">● Vous ne pouvez pas définir comme « quantity not sufficient » un étalon, un contrôle de qualité ou un échantillon dont l'état est « unclear » ou « invalid ». <li data-bbox="501 1385 1145 1481">● Le bouton Set QNS est grisé si aucun des échantillons sélectionnés ne peut être défini comme étant en quantité non suffisante.
effacer l'état « unclear » ou « invalid » d'un échantillon	<p data-bbox="501 1534 1145 1587">l'ID d'échantillon dans la liste et cliquez sur le bouton Clear Import (Effacer l'importation).</p> <p data-bbox="501 1613 1145 1666">Reportez-vous à « Suppression de l'état d'un échantillon », page 212, pour obtenir des informations supplémentaires.</p> <p data-bbox="501 1691 1145 1749">Remarque : Le bouton Clear Import est grisé si la fonction n'est pas disponible.</p>

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
supprimer un échantillon non mesuré	<p>l'ID d'échantillon pertinent dans la liste et cliquez sur le bouton Delete. Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la suppression de l'échantillon. Cliquez sur le bouton Yes.</p> <p>Pour supprimer plusieurs ID d'échantillon, mettez-les en surbrillance dans la liste et cliquez sur le bouton Delete.</p> <p>Remarques :</p> <ul style="list-style-type: none"> ● Les échantillons non mesurés dont l'état est « retest » ne peuvent pas être supprimés. ● Le bouton Delete est grisé si aucun des échantillons sélectionnés ne peut être supprimé.
imprimer ou enregistrer la liste des échantillons d'un protocole de dosage	<p>le bouton Print List... La fenêtre QIAGEN Report Viewer s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre QIAGEN Report Viewer », page 114, pour plus d'instructions.</p>
afficher le rapport sur l'historique d'un échantillon	<p>l'ID d'échantillon dans la liste et cliquez sur le bouton History (Historique). La fenêtre QIAGEN Report Viewer s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre QIAGEN Report Viewer », page 114, pour plus d'instructions.</p> <p>Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un rapport sur l'historique de l'échantillon », page 208, pour obtenir des informations supplémentaires.</p>
affichage d'un rapport sur les échantillons individuels	<p>l'ID d'échantillon dans la liste et cliquez sur le bouton View ISR (Visualiser le REI). La fenêtre QIAGEN Report Viewer s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre QIAGEN Report Viewer », page 114, pour plus d'instructions.</p> <p>Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un rapport sur les échantillons individuels », page 206, pour obtenir des informations supplémentaires.</p> <p>Remarque : Le bouton View ISR est grisé si la fonction n'est pas disponible.</p>

Pour...

Cliquez sur ou sélectionnez...

exporter les résultats de test d'un échantillon dont l'état est « quantity not sufficient »

l'ID d'échantillon dans la liste et cliquez sur le bouton **Export**.

Vous pouvez exporter plusieurs ID d'échantillon ayant l'état « quantity not sufficient » en les mettant en surbrillance dans la liste et en cliquant sur le bouton **Export**.

Remarque : Seul un échantillon présentant l'état « quantity not sufficient » peut être exporté depuis la fenêtre **Specimen List**. Le bouton **Export** est grisé si la fonction n'est pas disponible.

fermer la fenêtre **Specimen List**

le bouton **OK**.

6.4 Utilisation de l'onglet Patients

L'onglet **Patients** permet de visualiser et de gérer les informations relatives aux patients.

Exemple illustrant l'onglet **Patients** :

Patient ID	First Name	Last Name	Date of Birth	Sex	Results Pending	Physician	Medications	Comments
7894580	Riff	Raff	3/24/1918	Male	Yes	Dr. Frank-N-Furter	No	
7894578	Janet	Weiss	9/24/1972	Female	Yes	Dr. Frank-N-Furter	Yes	

Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans l'onglet **Patients**.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
trier la liste des patients en fonction d'un paramètre donné	<p>l'en-tête de colonne approprié.</p> <p>Remarque : Chaque clic sur la colonne permet d'alterner entre tri par ordre croissant et tri par ordre décroissant.</p>
ajouter un nouveau patient	<p>le bouton New... La boîte de dialogue Patient ID Entry (Saisie d'un ID de patient) s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Création d'un patient », page 162, pour plus d'instructions.</p>
modifier les informations relatives à un patient	<p>l'ID de patient pertinent et cliquez sur le bouton Edit... La boîte de dialogue Edit Patient (Modifier un patient) s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Modification des informations relatives au patient », page 163, pour plus d'instructions.</p>
visualiser, modifier ou supprimer les commentaires associés à un patient	<p>l'ID de patient pertinent et cliquez sur le bouton Comments... (Commentaires). La boîte de dialogue Patient Comments (Commentaires sur le patient) s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Création d'un commentaire sur le patient », page 163, à « Modification d'un commentaire sur le patient », page 163, et à « Suppression d'un commentaire sur le patient », page 164, pour plus d'instructions.</p>
visualiser les informations relatives à un échantillon associées à un patient	<p>l'ID de patient pertinent et cliquez sur le bouton Specimens... La boîte de dialogue Specimens s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Visualisation des informations relatives au patient », page 162, pour obtenir des informations supplémentaires.</p>

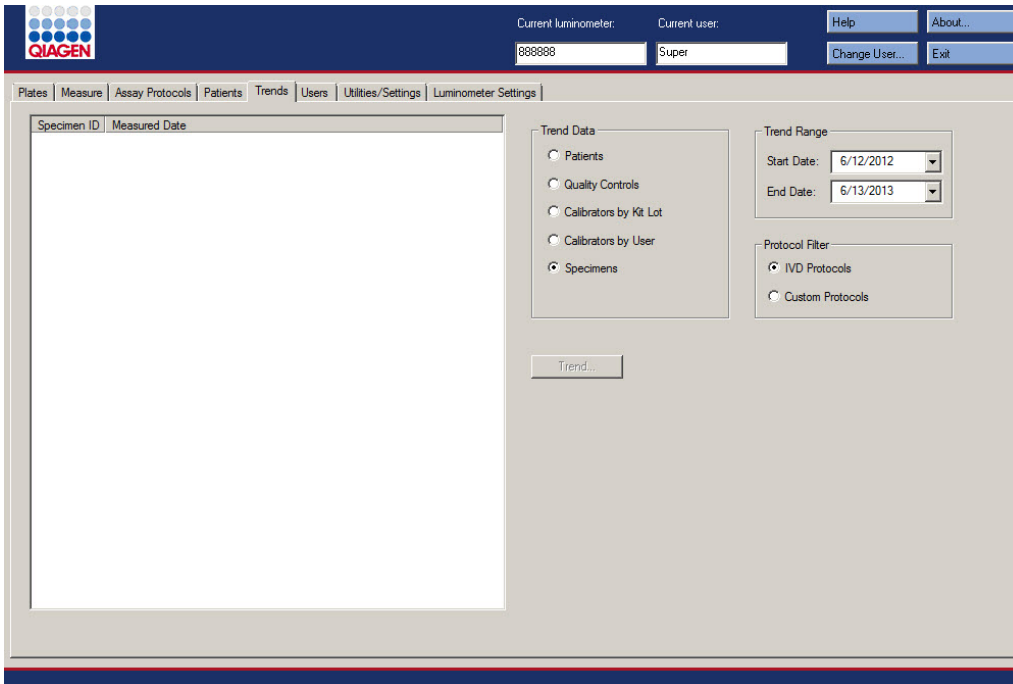
Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
supprimer un patient	<p>l'ID de patient pertinent et cliquez sur le bouton Delete. Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la suppression du patient. Cliquez sur la réponse appropriée.</p> <p>Pour supprimer plusieurs ID de patient, mettez-les en surbrillance dans la liste et cliquez sur le bouton Delete. Une boîte de dialogue s'ouvre pour chaque ID de patient et confirme la suppression du patient. Cliquez sur la réponse appropriée.</p> <p>Reportez-vous à « Suppression d'un ID de patient », page 164, pour plus d'instructions.</p>
imprimer ou enregistrer la liste des patients	<p>le bouton Print List.... La fenêtre QIAGEN Report Viewer s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre QIAGEN Report Viewer », page 114, pour plus d'instructions.</p>

6.5 Utilisation de l'onglet **Trends** (Tendances)

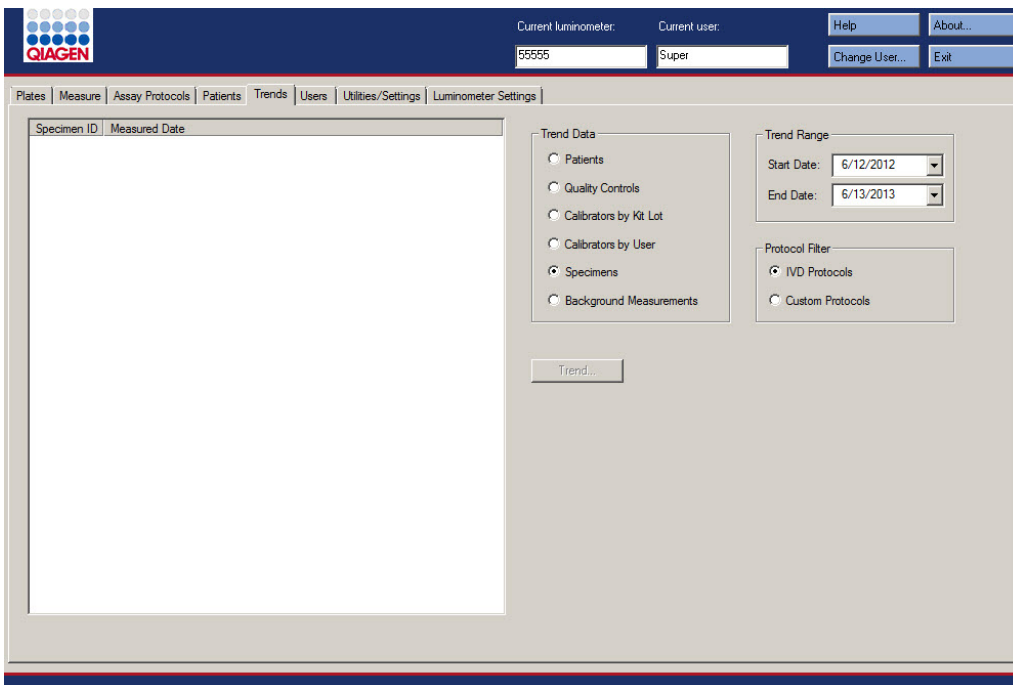
L'onglet **Trends** permet de visualiser les rapports sur les tendances élaborés à partir de la base de données conservée dans le logiciel du système *digene* HC2.

Pour générer un rapport sur les tendances pour les patients, les contrôles de qualité, les étalons, les échantillons et les mesures du bruit de fond, reportez-vous à « Génération de rapports sur les tendances », page 216, afin d'obtenir des instructions supplémentaires. Les rapports sur les tendances des mesures du bruit de fond sont disponibles uniquement pour le modèle DML 2000.

Exemple illustrant l'onglet Trends pour un DML 3000 sélectionné en tant qu'instrument DML :



Exemple illustrant l'onglet Trends pour un DML 2000 sélectionné en tant qu'instrument DML :



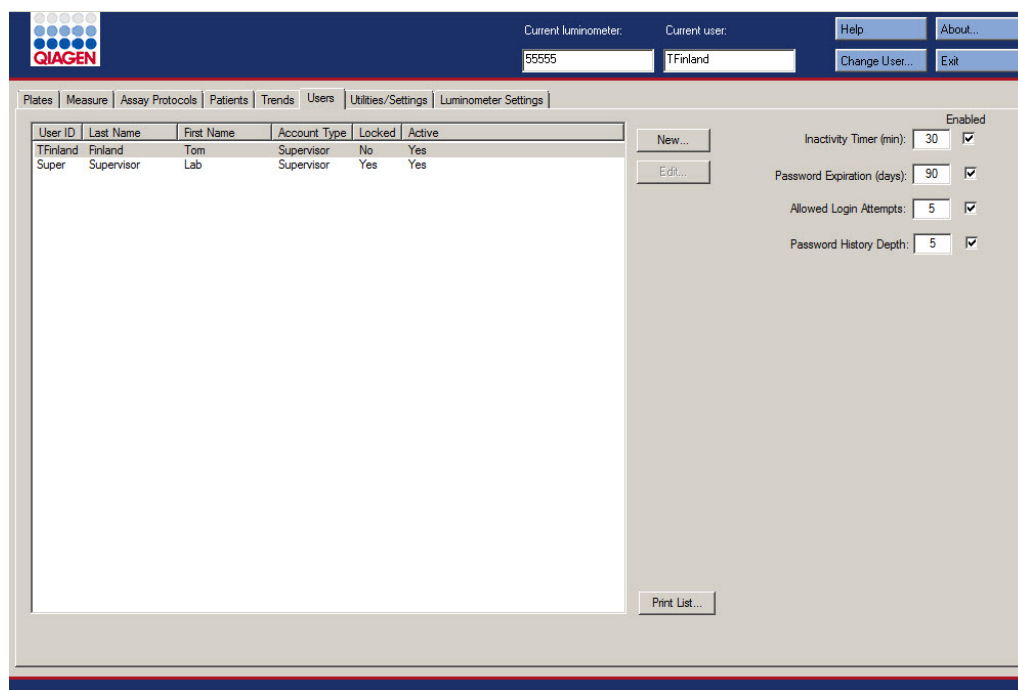
Vous pouvez exécuter les actions suivantes dans l'onglet **Trends**.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
indiquer le type de données pour le rapport sur les tendances	le bouton radio concerné dans le volet Trend Data (Données de tendance).
indiquer la plage de dates pour le rapport sur les tendances	les paramètres pertinents dans les champs de dialogue Start Date: (Date de début) et End Date: (Date de fin) du volet Trend Range (Plage des tendances).
indiquer le type de protocole de dosage pour le rapport sur les tendances	le bouton radio IVD Protocols (Protocoles d'IVD) dans le volet Protocol Filter (Filtre de protocole). Remarque : Un des boutons radio est toujours sélectionné et un seul bouton radio peut être sélectionné à la fois.
indiquer le numéro de série de l'instrument DML pour le rapport sur les tendances	le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Serial Number for Trend (Numéro de série pour la tendance). Remarque : Le volet Serial Number for Trend est disponible uniquement lorsqu'un DML 2000 est sélectionné en tant qu'instrument DML actuel.
générer un rapport sur les tendances sur la base des paramètres sélectionnés	le bouton Trend... (Tendance). La fenêtre QIAGEN Report Viewer s'ouvre. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre QIAGEN Report Viewer », page 114, pour plus d'instructions.

6.6 Utilisation de l'onglet **Users** (Utilisateurs)

L'onglet **Users** permet de créer et de gérer les comptes utilisateur. L'onglet **Users** est affiché uniquement si un utilisateur est doté du niveau d'accès superviseur. Reportez-vous à « Gestion des utilisateurs », page 118, pour plus d'instructions.

Exemple illustrant l'onglet **Users** :



Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans l'onglet **Users**.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
trier la liste des utilisateurs en fonction d'un paramètre donné	l'en-tête de colonne approprié. Remarque : Chaque clic sur l'en-tête de colonne permet d'alterner entre tri par ordre croissant et tri par ordre décroissant.
ajouter un utilisateur	le bouton New... . La boîte de dialogue User ID Entry (Saisie d'un ID utilisateur) s'ouvre. Reportez-vous à « Créer un utilisateur », page 119, pour plus d'instructions.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
modifier le mot de passe de connexion ou le niveau d'accès d'un utilisateur	l'ID utilisateur dans la liste et cliquez sur le bouton Edit.... La boîte de dialogue Edit User (Modifier un utilisateur) s'ouvre. Reportez-vous à « Modification d'un utilisateur », page 120, pour plus d'instructions.
modifier la valeur du compteur d'inactivité	le champ de dialogue Inactivity Time (min) (Compteur d'inactivité [min]) et entrez le nombre de minutes d'inactivité de l'utilisateur qui entraînera l'inactivation du logiciel du système <i>digene</i> HC2. Reportez-vous à « Réglage du compteur d'inactivité », page 122, pour plus d'instructions.
désactiver la valeur du compteur d'inactivité	la case Inactivity Time (min) : Le champ de dialogue Inactivity Time (min) : est grisé. Reportez-vous à « Réglage du compteur d'inactivité », page 122, pour plus d'instructions.
modifier la valeur d'expiration du mot de passe	le champ de dialogue Password Expiration (days) : (Expiration du mot de passe [jours]) et saisissez le nombre de jours au bout desquels l'utilisateur est invité à modifier son mot de passe de connexion ou eSign. Reportez-vous à « Définition de l'expiration du mot de passe », page 122, pour plus d'instructions.
désactiver la valeur d'expiration du mot de passe	la case Password Expiration (days) : Le champ de dialogue Password Expiration (days) : est grisé. Reportez-vous à « Définition de l'expiration du mot de passe », page 122, pour plus d'instructions.
modifier la valeur du nombre de tentatives de connexion autorisées	le champ de dialogue Allowed Login Attempts : (Tentatives de connexion autorisées) et saisissez le nombre de fois qu'un utilisateur peut tenter de se connecter avant que son accès au logiciel du système <i>digene</i> HC2 soit verrouillé. Reportez-vous à « Paramétrage du nombre de tentatives de connexion autorisées », page 123, pour plus d'instructions.

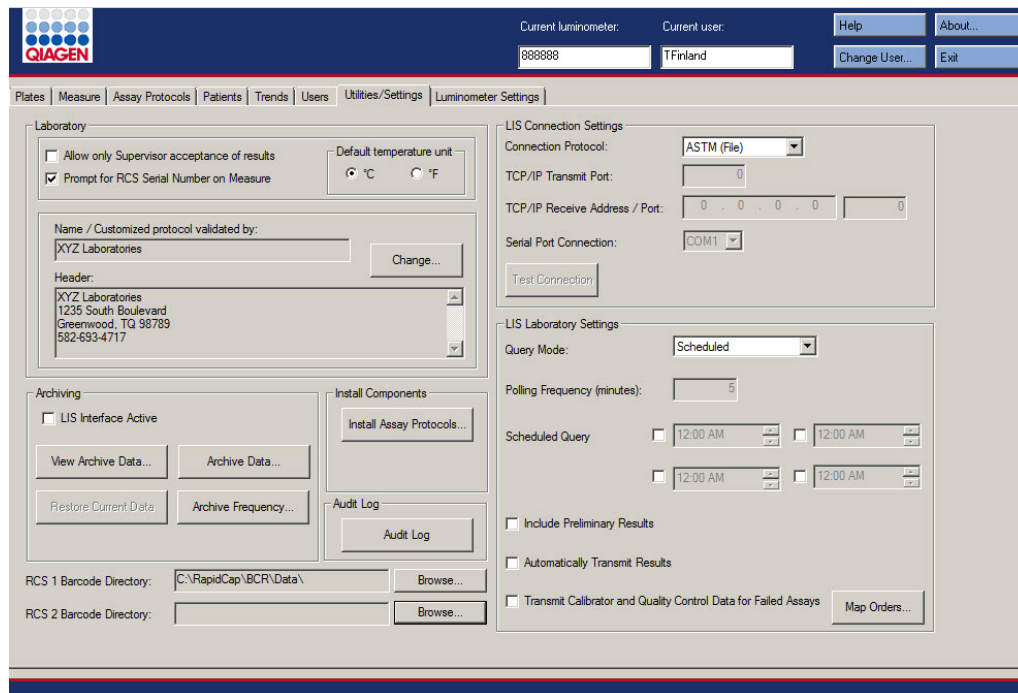
Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
désactiver la valeur du nombre de tentatives de connexion autorisées	la case Allowed Login Attempts :. Le champ de dialogue Allowed Login Attempts : est grisé. Reportez-vous à « Paramétrage du nombre de tentatives de connexion autorisées », page 123, pour plus d'instructions.
modifier la valeur de profondeur d'historique du mot de passe	le champ de dialogue Password History Depth : (Profondeur d'historique du mot de passe) et saisissez le nombre de mots de passe précédents que l'utilisateur ne peut pas employer lors de la création d'un nouveau mot de passe. Reportez-vous à « Paramétrage de la profondeur d'historique du mot de passe », page 123, pour plus d'instructions.
désactiver la valeur de profondeur d'historique du mot de passe	la case Password History Depth :. Le champ de dialogue Password History Depth : est grisé. Reportez-vous à « Paramétrage de la profondeur d'historique du mot de passe », page 123, pour plus d'instructions.
imprimer ou enregistrer la liste des utilisateurs	le bouton Print List.... La fenêtre QIAGEN Report Viewer s'ouvre. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre QIAGEN Report Viewer », page 114, pour plus d'instructions. Remarque : Les mots de passe ne s'impriment pas.

6.7 Utilisation de l'onglet **Utilities/Settings** (Utilitaires/Paramètres)

L'onglet **Utilities/Settings** permet :

- de modifier le nom du laboratoire et les informations d'en-tête,
- d'archiver des données,
- de modifier les paramètres du logiciel du système *digene* HC2,
- d'installer les protocoles de dosage,
- de visualiser le journal d'audit,
- de configurer l'interface de données pour l'exportation des résultats de test,
- de planifier les requêtes de communication bidirectionnelle entre le logiciel du système *digene* HC2 et le LIS.

Exemple illustrant l'onglet Utilities/Settings :



Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans l'onglet Utilities/Settings.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
interdire à un utilisateur ayant le niveau d'accès opérateur de valider des résultats	la case Allow only Supervisor acceptance of results (Autoriser uniquement la validation des résultats par le superviseur). Si la case n'est pas cochée, un utilisateur doté d'un niveau d'accès opérateur peut valider des plaques. Reportez-vous à « Détermination du niveau d'accès requis pour valider les résultats », page 124, pour plus d'instructions.
	Remarque : Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
activer le champ de dialogue RCS Serial Number (Numéro de série du RCS) dans la boîte de dialogue qui s'ouvre immédiatement avant la mesure de la plaque	la case Prompt for RCS Serial Number on Measure (Demander le numéro de série du RCS lors de la mesure). Reportez-vous à « Modification de l'invite pendant la mesure des plaques », page 124, pour plus d'instructions.
indiquer l'unité de mesure de la température utilisée dans les rapports	soit le bouton radio °C, pour Celsius, soit le bouton radio °F, pour Fahrenheit, dans le volet Default temperature unit (Unité de température par défaut). Remarque : Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.
modifier les informations du laboratoire et d'en-tête	le bouton Change... (Modifier). La boîte de dialogue Edit Laboratory Information (Modifier les informations du laboratoire) s'ouvre. Reportez-vous à « Modification des informations du laboratoire », page 125, pour plus d'instructions. Remarque : Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.
archiver uniquement les plaques dont l'état d'exportation est « transmitted » (transmis)	la case LIS Interface Active (Interface LIS active) dans le volet Archiving (Archivage). Reportez-vous à « Gestion des paramètres d'archivage », page 125, pour plus d'instructions. Remarque : Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.
visualiser une archive	le bouton View Archive Data... (Visualiser les données d'archive) dans le volet Archiving . La boîte de dialogue View Archive Data s'ouvre. Reportez-vous à « Visualisation d'une archive », page 234, pour plus d'instructions.
mettre fin à la visualisation d'une archive et restaurer les données actuelles	le bouton Restore Current Data (Restaurer les données actuelles) dans le volet Archiving . Reportez-vous à « Visualisation d'une archive », page 234, pour plus d'instructions.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
réaliser un archivage	<p>le bouton Archive Data... (Archiver des données) dans le volet Archiving. La boîte de dialogue Archive Data s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Création d'une archive », page 233, pour plus d'instructions.</p>
définir la fréquence de rappel d'archivage	<p>le bouton Archive Frequency... (Fréquence d'archivage) dans le volet Archiving. La boîte de dialogue Archive Frequency s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Gestion des paramètres d'archivage », page 125, pour plus d'instructions.</p> <p>Remarque : Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.</p>
restaurer les protocoles de dosage	<p>le bouton Install Assay Protocols... (Installer des protocoles de dosage) du volet Install Components (Installer des composants).</p> <p>Reportez-vous à « Restauration des protocoles de dosage du système <i>digene</i> HC2 », page 141, pour obtenir des informations supplémentaires.</p> <p>Remarque : Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.</p>
visualiser le journal d'audit	<p>le bouton Audit Log (Journal d'audit) du volet Audit Log. La fenêtre Audit Log s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre Audit Log », page 99, et à « Visualisation du journal d'audit » page 237, pour plus d'instructions.</p>
indiquer le répertoire contenant les fichiers de mappage de l'importation pour l'association automatique d'un ID de plaque de capture	<p>le bouton Browse... (Parcourir) en regard du champ de dialogue RCS 1 Barcode Directory: (Répertoire de codes-barres RCS 1) ou RCS 2 Barcode Directory: (Répertoire de codes-barres RCS 2).</p> <p>Reportez-vous à « Configuration du répertoire du lecteur de code-barres RCS », page 126, pour plus d'instructions.</p> <p>Remarque : Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.</p>

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
sélectionner le type de connexion pour l'exportation des résultats	<p>le paramètre concerné dans la liste déroulante Connection Protocol (Protocole de connexion) du volet LIS Connection Settings (Paramètres de connexion au LIS).</p> <p>Reportez-vous à « Gestion des paramètres d'exportation des données », page 128, pour plus d'instructions.</p> <p>Remarque : Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.</p>
saisir le port de transmission du protocole TCP/IP (Transmission Control Protocol/Internet Protocol) par l'intermédiaire duquel l'ordinateur du système HC2 est connecté à un LIS	<p>le champ de dialogue TCP/IP Transmit Port: (Port de transmission TCP/IP) du volet LIS Connection Settings et saisissez le paramètre pertinent.</p> <p>Reportez-vous à « Configuration de l'exportation des données sur la base des normes HL7 », page 129, pour plus d'instructions.</p> <p>Remarques :</p> <ul style="list-style-type: none"> ● Le champ de dialogue TCP/IP Transmit Port: est grisé sauf si HL7 (Ethernet) est sélectionné dans la liste déroulante Connection Protocol:. ● Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.
saisir l'adresse/le port de réception TCP/IP par l'intermédiaire duquel l'ordinateur du système HC2 est connecté à un LIS	<p>les champs de dialogue TCP/IP Receive Address/Port: (Adresse/Port de réception TCP/IP) du volet LIS Connection Settings et saisissez les paramètres pertinents.</p> <p>Reportez-vous à « Configuration de l'exportation des données sur la base des normes HL7 », page 129, pour plus d'instructions.</p> <p>Remarques :</p> <ul style="list-style-type: none"> ● Les champs de dialogue TCP/IP Receive Address/Port: sont grisés sauf si HL7 (Ethernet) est sélectionné dans la liste déroulante Connection Protocol:. ● Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
sélectionner le port série par l'intermédiaire duquel l'ordinateur du système HC2 est connecté à un LIS	<p>le port COM concerné dans la liste déroulante Serial Port Connection (Connexion par port série) du volet LIS Connection Settings (Paramètres d'exportation du LIS).</p> <p>Reportez-vous à « Configuration de l'exportation des données sur la base des normes du CLSI », page 128, pour plus d'instructions.</p> <p>Remarques :</p> <ul style="list-style-type: none"> ● La liste déroulante Serial Port Connection: est grisée sauf si ASTM (Serial) (ASTM [série]) est sélectionné dans la liste déroulante Connection Protocol. ● Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.
tester la connexion de l'ordinateur du système HC2 au LIS	<p>le bouton Test Connection (Tester la connexion).</p> <p>Reportez-vous à « Gestion des paramètres d'exportation des données », page 128, pour plus d'instructions.</p> <p>Remarques :</p> <ul style="list-style-type: none"> ● Le bouton Test Connection est grisé sauf si ASTM (Serial) ou HL7 (Ethernet) est sélectionné dans la liste déroulante Connection Protocol. ● Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.
sélectionner le mode de requête pour demander des commandes de tests auprès du LIS	<p>le paramètre concerné dans la liste déroulante Query Mode (Mode de requête) du volet LIS Laboratory Settings (Paramètres de laboratoire du LIS).</p> <p>Reportez-vous à « Configuration de la communication bidirectionnelle », page 129, pour plus d'instructions.</p> <p>Remarque : Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.</p>

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
indiquer la fréquence d'interrogation pour les commandes de test auprès du LIS	<p>le champ de dialogue Polling Frequency (minutes): (Fréquence d'interrogation [minutes]) et saisissez la valeur pertinente.</p> <p>Reportez-vous à « Configuration de la communication bidirectionnelle », page 129, pour plus d'instructions.</p> <p>Remarques :</p> <ul style="list-style-type: none"> ● Le champ de dialogue Polling Frequency (minutes): est grisé sauf si Polling (Interrogation) est sélectionné dans la liste déroulante Query Mode. ● Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.
planifier les heures d'exécution des requêtes de commande de test	<p>la case Schedule Query (Requête planifiée) et modifiez l'heure dans le champ de dialogue en utilisant les flèches.</p> <p>Reportez-vous à « Configuration de la communication bidirectionnelle », page 129, pour plus d'instructions.</p> <p>Remarques :</p> <ul style="list-style-type: none"> ● Les champs de dialogue Schedule Query sont grisés sauf si Scheduled (Planifié) est sélectionné dans la liste déroulante Query Mode. ● Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.
inclure les résultats préliminaires lors de l'exportation des résultats	<p>la case Include Preliminary Results (Inclure les résultats préliminaires) du volet LIS Laboratory Settings.</p> <p>Si la case n'est pas cochée, les résultats préliminaires ne sont pas exportés.</p> <p>Reportez-vous à « Définition de l'exportation éventuelle des résultats préliminaires », page 131, pour plus d'instructions.</p> <p>Remarque : Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.</p>

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
transmettre automatiquement les résultats au moment où ils sont validés	<p>la case Automatically Transmit Results (Transmettre automatiquement les résultats) du volet LIS Laboratory Settings.</p> <p>Si la case n'est pas cochée, les résultats validés ne sont pas transmis avant leur exportation manuelle.</p> <p>Reportez-vous à « Définition de l'exportation automatique éventuelle des résultats validés », page 131, pour plus d'instructions.</p> <p>Remarque : Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.</p>
inclure les données de l'étalon et du contrôle de qualité lors de l'exportation des résultats de dosage non valides	<p>la case à cocher Transmit Calibrator and Quality Control Data for Failed Assays (Transmettre les données d'étalon et de contrôle de qualité pour les dosages en échec) du volet LIS Laboratory Settings.</p> <p>Si la case n'est pas cochée, les informations d'un dosage non valide ne sont pas exportées.</p> <p>Reportez-vous à « Définition de l'exportation éventuelle des résultats de l'étalon et du contrôle de qualité pour les dosages ayant échoué », page 131, pour plus d'instructions.</p> <p>Remarque : Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.</p>
mapper les protocoles de dosage en fonction des paramètres définis dans le LIS	<p>le bouton Map Orders... (Mapper les commandes). La boîte de dialogue LIS Assay Protocol Map (Mappe des protocoles de dosage LIS) s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Configuration de la communication bidirectionnelle », page 129, pour plus d'instructions.</p> <p>Remarque : Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier cette fonction.</p>

6.7.1 Utilisation de la fenêtre **Audit Log**

Le logiciel du système *digene* HC2 comporte un journal d'audit de certains événements qui permet le suivi des modifications et facilite la résolution des problèmes. Pour ouvrir la fenêtre **Audit Log**, cliquez sur le bouton **Audit Log** du volet **Audit Log** dans l'onglet **Utilities/Settings**. Vous pouvez filtrer les informations affichées dans la fenêtre **Audit Log** afin de les affiner. Les

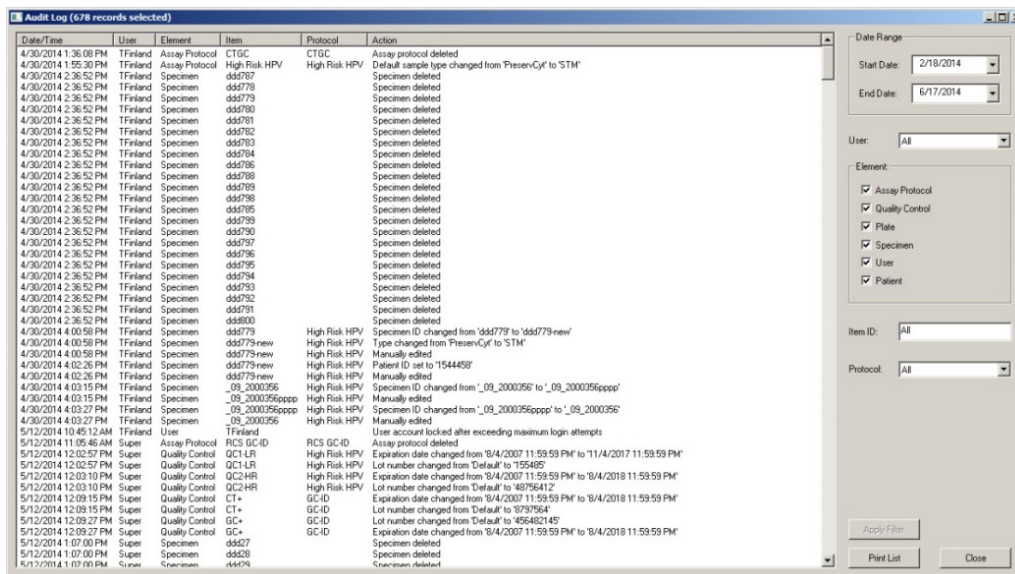
actions qui font l'objet d'un suivi dans le cadre de l'historique des échantillons ne sont pas incluses dans le journal d'audit.

Les événements suivants sont inclus dans le journal d'audit :

- Paramètres du protocole de dosage modifiés
- Protocole de dosage supprimé
- Protocole de dosage retiré d'une plaque
- Patient supprimé
- Lot du kit supprimé
- Paramètres de contrôle de qualité modifiés
- Contrôle de qualité déplacé sur une plaque
- Contrôle de qualité retiré d'une plaque
- Contrôle de qualité supprimé
- Informations d'échantillon modifiées
- Échantillon déplacé sur une plaque
- Échantillon retiré d'une plaque
- Échantillon remesuré
- Échantillon supprimé
- Plaque remesurée
- Plaque supprimée
- Compte utilisateur verrouillé

Reportez-vous à « Visualisation du journal d'audit », page 237, pour plus d'instructions.

Exemple illustrant la fenêtre **Audit Log** :



Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans la fenêtre **Audit Log**.

Pour...

Cliquez sur ou sélectionnez...

sélectionner une plage de dates particulière pour le journal d'audit

les paramètres pertinents dans les champs de dialogue **Start Date:** et **End Date:** du volet **Date Range** (Plage de dates).

sélectionner un utilisateur particulier pour le journal d'audit

l'utilisateur pertinent dans la liste déroulante **User:** (Utilisateur).

Remarque : Le paramètre par défaut est **All**.

inclure dans le journal d'audit les actions applicables aux protocoles de dosage

la case **Assay Protocol** du volet **Element:** (Élément).

inclure dans le journal d'audit les actions applicables aux contrôles de qualité

la case **Quality Control** (Contrôle de qualité) du volet **Element:**.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
inclure dans le journal d'audit les actions applicables aux plaques	la case Plate du volet Element: .
inclure dans le journal d'audit les actions applicables aux échantillons	la case Specimen du volet Element: .
inclure dans le journal d'audit les actions applicables aux utilisateurs	la case User du volet Element: .
inclure dans le journal d'audit les actions applicables aux patients	la case Patient du volet Element: .
entrer un paramètre spécifique pour le journal d'audit	le paramètre pertinent dans le champ de dialogue Item ID: (ID d'élément). Remarque : Le paramètre par défaut est All . Laisser vide le champ de dialogue équivaut à sélectionner All .
sélectionner un protocole de dosage particulier pour le journal d'audit	le protocole de dosage pertinent dans la liste déroulante Protocol: (Protocole). Remarque : Le paramètre par défaut est All .
appliquer les filtres indiqués pour le journal d'audit	le bouton Apply Filter (Appliquer le filtre).
imprimer le journal d'audit affiché	le bouton Print List . La fenêtre QIAGEN Report Viewer affiche la liste. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre QIAGEN Report Viewer », page 114, pour plus d'instructions.
fermer la fenêtre Audit Log	le bouton Close .

6.8 Utilisation de l'onglet **Luminometer Settings**

L'onglet **Luminometer Settings** permet :

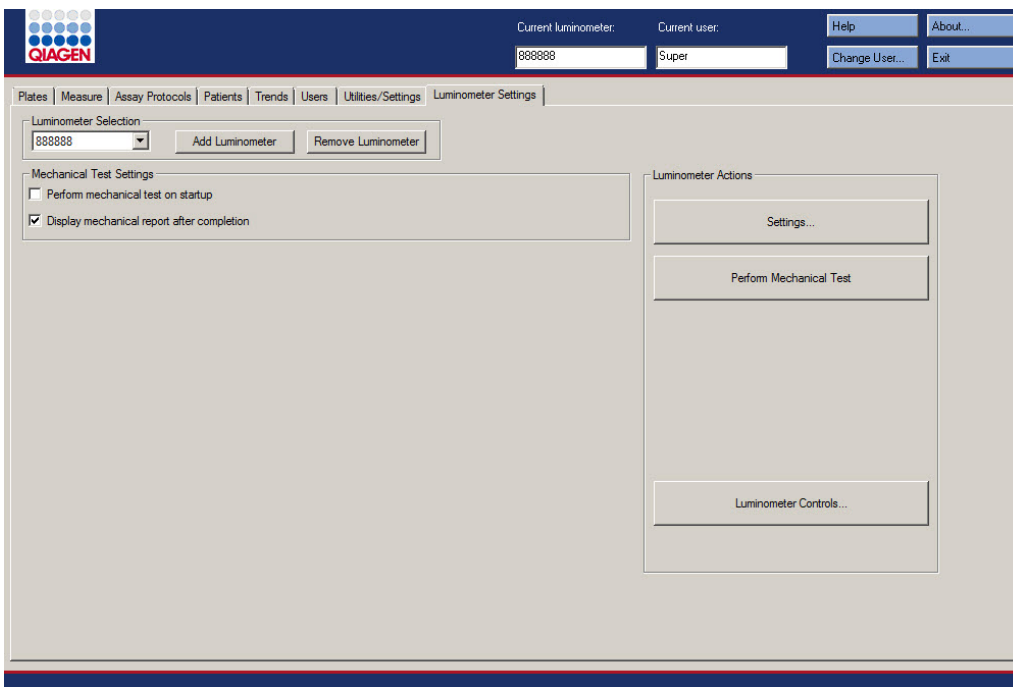
- de gérer les paramètres des instruments DML,

- d'exécuter des tests de diagnostic sur l'instrument DML,
- de tester la connexion entre l'ordinateur du système HC2 et l'instrument DML.

Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent exécuter les fonctions disponibles dans l'onglet **Luminometer Settings**. Reportez-vous à « Gestion de l'instrument DML », page 132, pour plus d'instructions.

6.8.1 Utilisation de l'onglet **Luminometer Settings** avec un DML 3000

Exemple illustrant l'onglet **Luminometer Settings** pour le modèle DML 3000 :



Le tableau suivant décrit les actions qui peuvent être réalisées dans l'onglet **Luminometer Settings** du DML 3000.

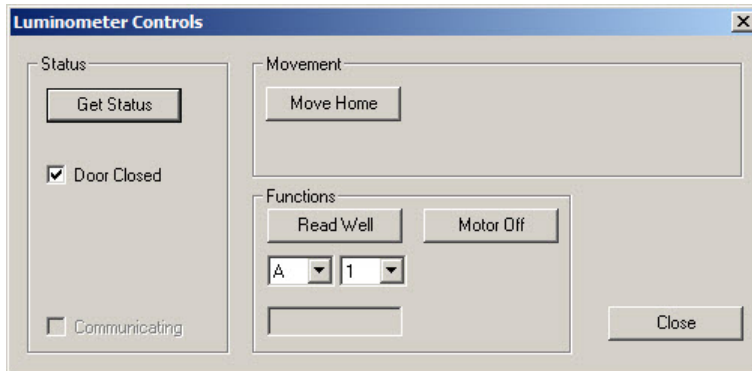
Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
modifier l'instrument DML utilisé pour mesurer une plaque	le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection (Sélection du luminomètre).
ajouter un nouvel instrument DML	le bouton Add Luminometer (Ajouter un luminomètre) du volet Luminometer Selection . La boîte de dialogue Luminometer Settings s'ouvre. Reportez-vous à « Ajout d'un instrument DML », page 132, pour plus d'instructions.
supprimer un instrument DML	le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection et cliquez sur le bouton Remove Luminometer (Retirer le luminomètre). Reportez-vous à « Suppression d'un instrument DML », page 138, pour plus d'instructions.
régler le logiciel du système <i>digene</i> HC2 pour qu'il exécute automatiquement un test mécanique de l'instrument DML lorsqu'un utilisateur se connecte ou en cas de changement d'utilisateur	le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection et cochez la case Perform mechanical test on startup (Effectuer un test mécanique au démarrage) dans le volet Mechanical Test Settings (Paramètres de test mécanique). Reportez-vous à « Réalisation d'un test mécanique », page 134, pour plus d'instructions.
afficher les résultats du test mécanique dès qu'il est terminé	le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection et cochez la case Display mechanical report after completion (Afficher le rapport une fois le test mécanique terminé) dans le volet Mechanical Test Settings . Reportez-vous à « Réalisation d'un test mécanique », page 134, pour plus d'instructions.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
modifier les paramètres d'un instrument DML	<p>le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection et cliquez sur le bouton Settings... (Paramètres). La boîte de dialogue Luminometer Settings s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Modification des paramètres d'un instrument DML », page 134, pour plus d'instructions.</p>
effectuer un test mécanique	<p>le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection et cliquez sur le bouton Perform Mechanical Test (Effectuer un test mécanique) dans le volet Luminometer Actions (Actions du luminomètre).</p> <p>Reportez-vous à « Réalisation d'un test mécanique », page 134, pour plus d'instructions.</p>
contrôler manuellement l'instrument DML	<p>le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection et cliquez sur le bouton Luminometer Controls... (Commandes du luminomètre) dans le volet Luminometer Actions.</p> <p>Reportez-vous à « Commande manuelle de l'instrument DML », page 137, pour plus d'instructions.</p>

6.8.2 Utilisation de la boîte de dialogue **Luminometer Controls** avec un DML 3000

Vous pouvez contrôler manuellement le DML 3000 pour vérifier son fonctionnement. Le DML 3000 est contrôlé dans la boîte de dialogue **Luminometer Controls**. Pour accéder à la boîte de dialogue **Luminometer Controls** depuis l'onglet **Luminometer Settings**, sélectionnez l'instrument DML dans la liste déroulante **Luminometer Selection** et cliquez sur le bouton **Luminometer Controls...** Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent exécuter les fonctions disponibles dans la boîte de dialogue **Luminometer Controls**.

Exemple illustrant la boîte de dialogue **Luminometer Controls** pour le DML 3000 :



Le tableau suivant décrit les actions qui peuvent être réalisées dans la boîte de dialogue **Luminometer Controls** du DML 3000.

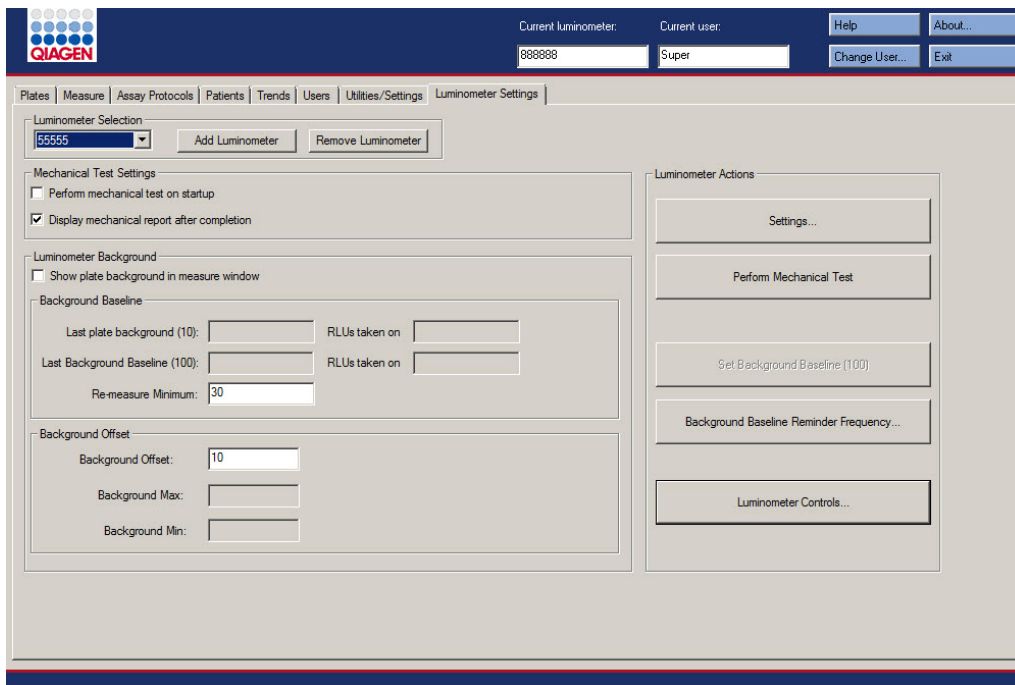
Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
connaître l'état de l'instrument DML	le bouton Get Status (Obtenir l'état). Les informations affichées dans la boîte de dialogue Luminometer Controls sont mises à jour avec l'état actuel de l'instrument DML.
déplacer le portoir des plaques en position initiale	le bouton Move Home (Déplacer vers la position initiale).
mesurer un emplacement de puits particulier	l'emplacement de puits particulier sur la plaque dans les listes déroulantes du volet Fonctions (Fonctions) et cliquez sur le bouton Read Well (Lire le puits). Les résultats en RLU sont affichés dans le champ de dialogue situé en dessous des listes déroulantes.
arrêter le moteur pas-à-pas du portoir des plaques	le bouton Motor Off (Moteur arrêté).
fermer la boîte de dialogue Luminometer Controls .	le bouton Close .

Le tableau suivant décrit les fonctions disponibles dans la boîte de dialogue **Luminometer Controls** du DML 3000.

Composant	Fonction
Case Door Closed (Porte fermée)	<p>Si cette case est cochée, la porte était fermée lors de la dernière vérification d'état de l'instrument DML.</p> <p>Si cette case n'est pas cochée, la porte était ouverte lors de la dernière vérification d'état de l'instrument DML.</p>
Case Communicating (Communication)	<p>Si cette case est cochée, l'instrument DML communique actuellement avec l'ordinateur du système HC2.</p> <p>Si la case n'est pas cochée, l'instrument DML ne communique actuellement pas avec l'ordinateur du système HC2.</p>

6.8.3 Utilisation de l'onglet **Luminometer Settings** avec un DML 2000

Exemple illustrant l'onglet **Luminometer Settings** pour le modèle DML 2000 :



Le tableau suivant décrit les actions qui peuvent être réalisées dans l'onglet **Luminometer Settings** du DML 2000.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
modifier l'instrument DML utilisé pour mesurer une plaque	le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection .
ajouter un nouvel instrument DML	le bouton Add Luminometer du volet Luminometer Selection . La boîte de dialogue Luminometer Settings s'ouvre. Reportez-vous à « Ajout d'un instrument DML », page 132, pour plus d'instructions.
supprimer un instrument DML	le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection et cliquez sur le bouton Remove Luminometer . Reportez-vous à « Suppression d'un instrument DML », page 138, pour plus d'instructions.
régler le logiciel du système <i>digene</i> HC2 pour qu'il exécute automatiquement un test mécanique de l'instrument DML lorsqu'un utilisateur se connecte ou en cas de changement d'utilisateur	le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection et cochez la case Perform mechanical test on startup dans le volet Mechanical Test Settings . Reportez-vous à « Réalisation d'un test mécanique », page 134, pour plus d'instructions.
afficher les résultats du test mécanique dès qu'il est terminé	le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection et cochez la case Display mechanical report after completion dans le volet Mechanical Test Settings . Reportez-vous à « Réalisation d'un test mécanique », page 134, pour plus d'instructions.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
afficher les résultats du relevé du bruit de fond de la plaque (10) pendant la mesure de la plaque	<p>le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection et cochez la case Show plate background in measure window dans le volet Luminometer Background (Bruit de fond du luminomètre).</p> <p>Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un relevé du bruit de fond de la plaque (10) », page 137, pour plus d'instructions.</p>
indiquer la valeur minimum en RLU qui entraînera la remesure d'un puits par l'instrument DML	<p>le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection et saisissez une valeur en RLU dans le champ de dialogue Re-measure Minimum (Minimum de remesure) du sous-volet Background Baseline (Référence du bruit de fond).</p> <p>Tout puits mesuré ayant une valeur en RLU inférieure au paramètre indiqué est mesuré trois fois et la moyenne est rapportée en tant que RLU.</p>
modifier le décalage de fond	<p>le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection et saisissez une valeur en RLU dans le champ de dialogue Background Offset: (Décalage de fond) du sous-volet Background Offset.</p> <p>Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un relevé de référence du bruit de fond (100) », page 135, pour plus d'instructions.</p>
modifier les paramètres d'un instrument DML	<p>le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection et cliquez sur le bouton Settings... La boîte de dialogue Luminometer Settings s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Modification des paramètres d'un instrument DML », page 134, pour plus d'instructions.</p>
effectuer un test mécanique	<p>le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection et cliquez sur le bouton Perform Mechanical Test dans le volet Luminometer Actions.</p> <p>Reportez-vous à « Réalisation d'un test mécanique », page 134, pour plus d'instructions.</p>

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
effectuer le relevé de référence du bruit de fond (100)	<p>le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection et cliquez sur le bouton Set Background Baseline (100) (Définir la référence de fond).</p> <p>Reportez-vous à « Effectuer un relevé de référence du bruit de fond (100) », page 136.</p>
définir la fréquence des relevés de référence du bruit de fond (100)	<p>le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection et cliquez sur le bouton Background Baseline Reminder Frequency... (Fréquence de rappel du relevé de référence du bruit de fond). La boîte de dialogue Baseline Background Frequency (Fréquence du relevé de référence du bruit de fond) s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Définition de la fréquence des relevés de référence du bruit de fond (100) », page 136, pour plus d'instructions.</p>
contrôler manuellement l'instrument DML	<p>le numéro de série de l'instrument DML dans la liste déroulante du volet Luminometer Selection et cliquez sur le bouton Luminometer Controls... dans le volet Luminometer Actions. La boîte de dialogue Luminometer Controls s'ouvre.</p> <p>Reportez-vous à « Commande manuelle de l'instrument DML », page 137, pour plus d'instructions.</p>

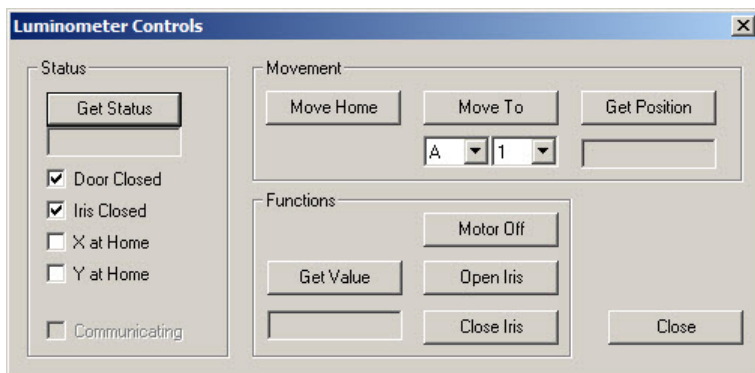
Le tableau suivant décrit les fonctions disponibles dans l'onglet **Luminometer Settings** du DML 2000.

Composant	Fonction
Champs de dialogue Last plate background (10) (Dernier relevé du bruit de fond de plaque) et RLUs taken on (RLU mesurées le) du sous-volet Background Baseline	Affiche le résultat et la date du dernier relevé de bruit de fond de la plaque (10) pour l'instrument DML sélectionné dans le volet Luminometer Selection .
Champs de dialogue Last Background Baseline (100) : (Dernier relevé de référence du bruit de fond) et RLUs taken on du sous-volet Background Baseline	Affiche le résultat et la date du dernier relevé de référence du bruit de fond (100) pour l'instrument DML sélectionné dans le volet Luminometer Selection .
Champ de dialogue Background Max : (Bruit de fond max.) du sous-volet Background Offset	Affiche la valeur maximum en RLU pour le résultat du relevé de bruit de fond de la plaque (10). Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un relevé du bruit de fond de la plaque (10) », page 137, pour plus d'instructions.
Champ de dialogue Background Min : (Bruit de fond min.) du sous-volet Background Offset	Affiche la valeur minimum en RLU pour le résultat du relevé de bruit de fond de la plaque (10). Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un relevé du bruit de fond de la plaque (10) », page 137, pour plus d'instructions.

6.8.4 Utilisation de la boîte de dialogue **Luminometer Controls** avec un DML 2000

Vous pouvez contrôler manuellement le DML 2000 pour vérifier son fonctionnement. Le DML 2000 est contrôlé dans la boîte de dialogue **Luminometer Controls**. Pour accéder à la boîte de dialogue **Luminometer Controls** depuis l'onglet **Luminometer Settings**, sélectionnez l'instrument DML dans la liste déroulante **Luminometer Selection** et cliquez sur le bouton **Luminometer Controls...** Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent exécuter les fonctions disponibles dans la boîte de dialogue **Luminometer Controls**.

Exemple illustrant la boîte de dialogue **Luminometer Controls** pour le DML 2000 :



Le tableau suivant décrit les actions qui peuvent être réalisées dans la fenêtre **Luminometer Controls** du DML 2000.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
connaître l'état de l'instrument DML	le bouton Get Status du volet Status (État). Les informations affichées dans la fenêtre Luminometer Controls sont mises à jour avec l'état actuel de l'instrument DML.
déplacer le portoir des plaques en position initiale	le bouton Move Home du volet Movement (Déplacement).
déplacer le portoir des plaques vers l'emplacement indiqué	l'emplacement particulier sur la plaque dans les listes déroulantes du volet Movement et cliquez sur le bouton Move To (Déplacer vers).
déterminer l'emplacement du portoir des plaques	le bouton Get Position (Obtenir la position) du volet Movement . La position du portoir des plaques apparaît dans le champ de dialogue situé en dessous du bouton Get Position . Remarque : RR est la position initiale.
mesurer le puits situé dans la position actuelle du portoir des plaques	le bouton Get Value (Obtenir la valeur) du volet Functions . Les résultats en RLU sont affichés dans le champ de dialogue situé en dessous du bouton Get Value .
arrêter le moteur pas-à-pas du portoir des plaques	le bouton Motor Off du volet Functions .

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
ouvrir l'iris	le bouton Open Iris (Ouvrir l'iris) du volet Functions .
fermer l'iris	le bouton Close Iris (Fermer l'iris) du volet Functions .
fermer la boîte de dialogue Luminometer Controls .	le bouton Close .

Le tableau suivant décrit les fonctions disponibles dans la boîte de dialogue **Luminometer Controls** du DML 2000.

Composant	Fonction
Case Door Closed	<p>Si cette case est cochée, la porte était fermée lors de la dernière vérification d'état de l'instrument DML.</p> <p>Si cette case n'est pas cochée, la porte était ouverte lors de la dernière vérification d'état de l'instrument DML.</p>
Case Iris Closed (Iris fermé)	<p>Si cette case est cochée, l'iris était fermé lors de la dernière vérification d'état de l'instrument DML.</p> <p>Si la case n'est pas cochée, l'iris était ouvert lors de la dernière vérification d'état de l'instrument DML.</p>
Case X at Home (Position X initiale)	<p>Si cette case est cochée, le portoir des plaques était dans la position initiale de l'axe X lors de la dernière vérification d'état de l'instrument DML.</p> <p>Si la case n'est pas cochée, le portoir des plaques n'était pas dans la position initiale de l'axe X lors de la dernière vérification d'état de l'instrument DML.</p>
Case Y at Home (Position Y initiale)	<p>Si cette case est cochée, le portoir des plaques était dans la position initiale de l'axe Y lors de la dernière vérification d'état de l'instrument DML.</p> <p>Si la case n'est pas cochée, le portoir des plaques n'était pas dans la position initiale de l'axe Y lors de la dernière vérification d'état de l'instrument DML.</p>

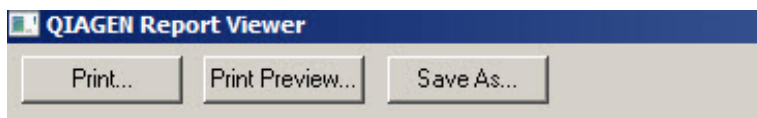
Composant	Fonction
Case Communicating	<p>Si cette case est cochée, l'instrument DML communique actuellement avec l'ordinateur du système HC2.</p> <p>Si la case n'est pas cochée, l'instrument DML ne communique actuellement pas avec l'ordinateur du système HC2.</p>

6.9 Utilisation de la fenêtre **QIAGEN Report Viewer**

La fenêtre **QIAGEN Report Viewer** affiche des rapports.

La modification des paramètres par défaut du rapport risque d'entraîner une troncature des informations. Ne modifiez pas la taille du rapport. En effet, aucune information ne sera tronquée si les paramètres par défaut sont utilisés.

Exemple illustrant la barre de menus qui s'ouvre en haut de la fenêtre **QIAGEN Report Viewer** :



Le tableau ci-dessous décrit les actions possibles dans la fenêtre **QIAGEN Report Viewer**.

Pour...	Cliquez sur ou sélectionnez...
imprimer le rapport affiché sur l'imprimante par défaut	le bouton Print...
prévisualiser le rapport affiché au format d'impression	<p>le bouton Print Preview... (Aperçu avant impression).</p> <p>La fenêtre Print Preview s'ouvre avec le rapport. Utilisez les icônes de la barre de menus pour modifier les paramètres d'impression du rapport.</p>
enregistrer le rapport affiché en tant que fichier *.csv	<p>le bouton Save As... (Enregistrer sous). La boîte de dialogue Save File As (Enregistrer le fichier sous) s'ouvre. Sélectionnez le répertoire d'enregistrement du fichier et entrez le nom du fichier dans le champ de dialogue File name: (Nom de fichier). Cliquez sur le bouton Save.</p> <p>Une boîte de dialogue vous invite à confirmer l'enregistrement du fichier. Cliquez sur OK.</p>

Pour...

Cliquez sur ou sélectionnez...

quitter la fenêtre **QIAGEN**
Report Viewer

Cliquez sur le bouton **Close**.

7 Fonctionnement général

Le logiciel du système *digene* HC2 fonctionne en association avec un instrument DML pour mesurer une plaque de capture. En l'absence de l'instrument DML, le logiciel du système *digene* HC2 peut encore exécuter toutes les fonctions ne nécessitant pas cet instrument.

La réalisation d'un test à l'aide du logiciel du système *digene* HC2 comporte les tâches suivantes :

- Création d'une plaque d'hybridation dans le logiciel du système *digene* HC2
- Association d'une plaque de capture à une plaque d'hybridation
- Mesure de la plaque de capture en utilisant l'instrument DML
- Génération de rapports pour visualiser les résultats du test
- Validation des résultats des tests
- Transmission des données à un LIS ou à un fichier

7.1 Démarrage du système *digene* HC2

Le démarrage du système *digene* HC2 consiste à mettre sous tension l'ordinateur et les composants du système HC2 et à se connecter au logiciel du système *digene* HC2.

Au démarrage, le logiciel du système *digene* HC2 analyse l'espace disponible sur le disque dur sur lequel il est installé, généralement le disque C:. S'il reste moins de 20 % d'espace libre sur le disque dur, une boîte de dialogue s'ouvre. Elle indique l'espace libre actuellement disponible et suggère de retirer des données. Les performances du logiciel du système *digene* HC2 peuvent être amoindries si l'espace disponible sur le disque dur est inférieur à 20 %. Pour retirer des données, vous devez retirer les archives contenant les données en utilisant le système d'exploitation. Reportez-vous à « Création d'une archive », page 233, et à « Sauvegarde des données » page 231, pour plus d'instructions.

Le logiciel du système *digene* HC2 est installé avec un utilisateur doté du niveau d'accès superviseur. Utilisez les informations d'identification sensibles à la casse suivantes pour vous connecter au logiciel du système *digene* HC2 la première fois :

- ID utilisateur : Super
- Mot de passe de connexion : Super1234

Lorsque vous vous serez connecté pour la première fois, le logiciel du système *digene* HC2 vous invitera à entrer un nouveau mot de passe de connexion pour l'ID utilisateur « Super ».

1. Mettez sous tension les composants matériels du système *digene* HC2.

Reportez-vous aux manuels d'utilisation concernés pour d'autres instructions.

2. Connectez-vous au système d'exploitation Windows.

Remarque : Si vous vous connectez au système d'exploitation Windows pour la première fois, reportez-vous à « Configuration du système d'exploitation Windows », page 26, pour obtenir des instructions supplémentaires.

3. Pour démarrer le logiciel du système *digene* HC2, double-cliquez sur l'icône du logiciel du système *digene* HC2 sur le bureau Windows.

Remarque : Vous pouvez également démarrer le logiciel du système *digene* HC2 en cliquant sur le menu **Start** de Windows, puis en sélectionnant **All Programs, HC2 System Software et HC2 System Software v3.4** (Logiciel du système HC2 v3.4).

4. Dans la boîte de dialogue **User Login**, saisissez l'ID utilisateur et le mot de passe de connexion dans les champs de dialogue concernés, puis sélectionnez le numéro de série correct de l'instrument DML dans la liste déroulante **Luminometer Serial Number** (Numéro de série du luminomètre).

Remarques :

- Si l'instrument DML souhaité ne figure pas dans la liste, reportez-vous à « Ajout d'un instrument DML », page 132, pour obtenir des instructions supplémentaires sur l'ajout d'un instrument DML après la connexion.
- Vous pouvez modifier le mot de passe de connexion correspondant à l'ID utilisateur à partir de la boîte de dialogue **User Login** en cochant la case **Change Password** (Modifier le mot de passe). Les champs de dialogue **Old Password:** (Ancien mot de passe), **New Password:** (Nouveau mot de passe) et **Confirm Password:** (Confirmer le mot de passe) apparaissent. Saisissez les informations pertinentes.

5. Cliquez sur **OK**.

Le logiciel du système *digene* HC2 s'ouvre avec l'onglet **Plates** au premier plan.

7.2 Arrêt du système *digene* HC2

L'arrêt du matériel du système *digene* HC2 est facultatif ; les composants matériels du système *digene* HC2 peuvent être laissés sous tension sans que cela produise d'effet indésirable.

Recommandation : Laissez le logiciel du système *digene* HC2 sous tension pour optimiser les performances.

1. Cliquez sur le bouton **Exit** dans la fenêtre du logiciel du système *digene* HC2. Vous pouvez également cliquer sur le bouton **X** dans l'angle supérieur droit de la fenêtre.

- Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la sortie du logiciel du système *digene* HC2.
2. Sélectionnez la réponse pertinente pour fermer le logiciel du système *digene* HC2.
 3. Mettez hors tension l'instrument DML et l'imprimante et arrêtez l'ordinateur du système HC2.

7.3 Gestion des utilisateurs

Un ID utilisateur et un mot de passe de connexion sont nécessaires pour utiliser le logiciel du système *digene* HC2. Les ID utilisateur sont associés à un niveau d'accès, soit opérateur soit superviseur, qui détermine les fonctions logicielles que l'utilisateur peut exécuter. Les différents ID utilisateur employés avec le logiciel du système *digene* HC2 permettent d'exécuter les fonctions logicielles autorisées par le niveau d'accès de l'utilisateur. Le logiciel du système *digene* HC2 impose qu'au moins un utilisateur soit doté du niveau d'accès superviseur.

Une fois créé, un utilisateur ne peut pas être supprimé du logiciel du système *digene* HC2. Il peut néanmoins être désactivé.

Les utilisateurs dotés du niveau d'accès opérateur peuvent exécuter les fonctions suivantes :

- Visualiser les paramètres des protocoles de dosage
- Gérer les échantillons
- Exporter la liste des échantillons non mesurés
- Gérer les patients
- Créer et gérer des plaques
- Importer une plaque
- Associer des plaques de capture à des plaques d'hybridation
- Créer et gérer des contrôles de qualité et des lots de kits de test
- Supprimer les plaques non mesurées
- Mesurer les plaques de capture
- Effectuer des mesures en données brutes
- Générer des rapports
- Valider les résultats sur la base du paramétrage
- Transmettre les résultats validés vers un LIS ou dans un fichier
- Visualiser les rapports sur les tendances
- Visualiser le journal d'audit
- Archiver des données et visualiser les données archivées

Les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent exécuter toutes les fonctions de niveau d'accès opérateur ainsi que les fonctions suivantes :

- Gérer les utilisateurs
- Gérer les paramètres du logiciel du système *digene* HC2
- Définir le type d'échantillon par défaut pour un protocole de dosage
- Supprimer des protocoles de dosage
- Définir les plaques de capture à mesurer à nouveau
- Définir les échantillons à remesurer
- Valider les résultats
- Gérer les instruments DML
- Gérer les paramètres d'exportation des résultats

7.3.1 Créer un utilisateur

Recommandation : Réservez aux services techniques de QIAGEN l'ID utilisateur et le mot de passe de connexion correspondant à l'ID utilisateur « Super ». N'utilisez pas cet ID utilisateur pour réaliser des tests.

Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent réaliser la procédure suivante.

1. Dans l'onglet **Users**, cliquez sur le bouton **New...**

La boîte de dialogue **User ID Entry** s'ouvre.

2. Entrez le nouvel ID utilisateur dans le champ de dialogue **Enter new User ID** (Saisir le nouvel ID utilisateur).

Remarque : L'ID utilisateur doit être constitué de caractères alphanumériques et de traits de soulignement ainsi que d'espaces et de tirets, sauf en début et en fin d'ID. Il doit contenir entre 5 et 25 caractères.

3. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Create User** (Créer un utilisateur) s'ouvre.

4. Entrez le mot de passe de connexion de l'utilisateur dans les champs de dialogue **Password:** (Mot de passe) et **Confirm password:**.

Remarques :

- Le mot de passe de connexion est sensible à la casse et doit comporter au moins 8 caractères alphanumériques ou symboles spéciaux [~ ! @ # \$ % ^ & * () _ + = - ` : ; , .] ainsi qu'un caractère en majuscule, un caractère en minuscule et un caractère numérique.

- La longueur maximum pour un mot de passe de connexion est de 16 caractères.
5. Dans la liste déroulante **User Type:** (Type d'utilisateur), sélectionnez le niveau d'accès **Operator** (Opérateur) ou **Supervisor** (Superviseur).
 6. Entrez le prénom et le nom de l'utilisateur dans les champs de dialogue **First Name:** (Prénom) et **Last Name:** (Nom).
 7. Entrez le mot de passe eSign de l'utilisateur dans les champs de dialogue **eSign Password:** (Mot de passe eSign) et **eSign Confirm password:** (Confirmer le mot de passe eSign).

Remarques :

- Le mot de passe eSign est sensible à la casse et doit comporter au moins 8 caractères alphanumériques ou symboles spéciaux [~ ! @ # \$ % ^ & * () _ + = - ` ; , .] ainsi qu'un caractère en majuscule, un caractère en minuscule et un caractère numérique.
 - La longueur maximum pour un mot de passe eSign est de 16 caractères.
 - Le mot de passe eSign doit être différent du mot de passe de connexion.
8. Vérifiez que la case **Account Active** (Compte actif) est cochée pour que l'utilisateur puisse exécuter des actions dans le logiciel du système *digene* HC2.
 9. Cliquez sur **OK**.

L'onglet **Users** affiche l'ID utilisateur dans la liste.

Remarque : Étant donné qu'un autre utilisateur a créé le mot de passe de connexion, l'utilisateur nouvellement créé devra modifier le mot de passe de connexion à sa première connexion au logiciel du système *digene* HC2.

7.3.2 Modification d'un utilisateur

Une fois créé, un utilisateur ne peut pas être supprimé du logiciel du système *digene* HC2. Il peut néanmoins être désactivé. Les utilisateurs désactivés ne sont pas affichés dans la liste déroulante **User ID** de la boîte de dialogue **User Login** et ne peuvent pas se connecter au logiciel du système *digene* HC2.

Selon le nombre de tentatives de connexion autorisées défini, il est possible qu'un utilisateur verrouille un compte s'il saisit un mot de passe erroné. L'utilisateur ne pourra être activé que si un autre utilisateur doté du niveau d'accès superviseur se connecte au logiciel du système *digene* HC2 et déverrouille le compte. Si aucun utilisateur doté du niveau d'accès superviseur n'est disponible, demandez de l'aide aux services techniques de QIAGEN.

Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent réaliser la procédure suivante. L'utilisateur connecté au logiciel du système *digene* HC2 ne peut pas modifier son propre compte utilisateur.

1. Dans l'onglet **Users**, mettez l'ID utilisateur à modifier en surbrillance et cliquez sur le bouton **Edit...**

La boîte de dialogue **Edit User** s'ouvre.

2. Modifiez le mot de passe de connexion dans les champs de dialogue **Password:** et **Confirm password:**.

Remarques :

- Selon la profondeur d'historique du mot de passe définie, le nombre indiqué d'anciens mots de passe de connexion ne peuvent pas être réutilisés.
- Le mot de passe de connexion est sensible à la casse et doit comporter au moins 8 caractères alphanumériques ou symboles spéciaux [~ ! @ # \$ % ^ & * () _ + = - ` : ; , .] ainsi qu'un caractère en majuscule, un caractère en minuscule et un caractère numérique.
- La longueur maximum pour un mot de passe de connexion est de 16 caractères.
- Étant donné qu'un autre utilisateur a modifié le mot de passe de connexion, l'utilisateur modifié devra changer de mot de passe de connexion à sa connexion suivante au logiciel du système *digene* HC2.

3. Modifiez le niveau d'accès de l'utilisateur en sélectionnant le niveau d'accès pertinent dans la liste déroulante **User Type**, s'il y a lieu.

4. Modifiez le mot de passe eSign dans les champs de dialogue **eSign Password:** et **eSign Confirm password**, s'il y a lieu.

Remarques :

- Selon la profondeur d'historique du mot de passe définie, le nombre indiqué d'anciens mots de passe eSign ne peuvent pas être réutilisés.
- Le mot de passe eSign est sensible à la casse et doit comporter au moins 8 caractères alphanumériques ou symboles spéciaux [~ ! @ # \$ % ^ & * () _ + = - ` : ; , .] ainsi qu'un caractère en majuscule, un caractère en minuscule et un caractère numérique.
- La longueur maximum pour un mot de passe eSign est de 16 caractères.
- Le mot de passe eSign doit être différent du mot de passe de connexion.
- Étant donné qu'un autre utilisateur a modifié le mot de passe eSign, l'utilisateur modifié devra changer de mot de passe eSign la prochaine fois qu'il l'utilisera.

5. Si l'utilisateur est verrouillé, décochez la case **Account Locked** (Compte verrouillé).

6. Activez ou désactivez l'utilisateur en cochant ou en décochant la case **Account Active**, respectivement.

Remarque : Les ID utilisateur désactivés ne sont pas affichés dans la boîte de dialogue **User Login** et ne peuvent pas se connecter au logiciel du système *digene* HC2.

7. Cliquez sur **OK**.

Le logiciel du système *digene* HC2 retourne à l'onglet **Users**.

7.4 Définition des paramètres de sécurité

Le logiciel du système *digene* HC2 est doté de plusieurs fonctions de sécurité en option. Ces fonctions de sécurité sont disponibles dans l'onglet **Users**. Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier les paramètres de sécurité.

7.4.1 Réglage du compteur d'inactivité

Le compteur d'inactivité déconnecte l'utilisateur du logiciel du système *digene* HC2 lorsque la durée d'inactivité indiquée est écoulée. Le logiciel du système *digene* HC2 reste sur la fonction qui était en cours lorsque le compteur d'inactivité a atteint la durée maximale. La fonction de compteur d'inactivité est désactivée pendant la mesure des plaques.

Une fois l'utilisateur désactivé, la boîte de dialogue **User Login** s'ouvre. Tout utilisateur peut alors se connecter au logiciel du système *digene* HC2. Il n'est pas obligatoire que le même utilisateur se reconnecte au logiciel du système *digene* HC2. Il est impossible de quitter le logiciel du système *digene* HC2 lorsqu'il est inactivé. Un utilisateur doit se connecter pour quitter le logiciel du système *digene* HC2. Si un autre utilisateur se connecte et que son niveau d'accès ne l'autorise pas à exécuter la fonction non enregistrée, la modification initiée ne sera pas enregistrée.

Important : Pour éviter toute perte de modifications, ne laissez pas le logiciel du système *digene* HC2 ouvert avec des modifications non enregistrées.

Le paramètre par défaut pour la durée d'inactivité est de 30 minutes. La valeur du compteur d'inactivité doit être comprise entre 1 et 60 minutes. Pour modifier le compteur d'inactivité, utilisez le champ de dialogue **Inactivity Timer (min)**: de l'onglet **Users**. Pour désactiver le compteur d'inactivité, décochez la case **Inactivity Timer (min)**.

7.4.2 Définition de l'expiration du mot de passe

Le paramètre d'expiration du mot de passe définit le nombre de jours restants avant qu'un utilisateur doive modifier son mot de passe. Une fois le mot de passe expiré, l'utilisateur sera invité à modifier le mot de passe concerné la prochaine fois qu'il l'utilisera. Le paramètre d'expiration du mot de passe concerne aussi bien le mot de passe de connexion que le mot de passe eSign. Cependant, le suivi est effectué séparément pour chacun de ces mots de passe.

Le paramètre par défaut pour l'expiration du mot de passe est de 90 jours. La valeur d'expiration du mot de passe doit être comprise entre 15 et 120 jours. Pour modifier le paramètre d'expiration du mot de passe, utilisez le champ de dialogue **Password Expiration (days)**: de l'onglet **Users**. Pour désactiver l'expiration du mot de passe, décochez la case **Password Expiration (days)**:

7.4.3 Paramétrage du nombre de tentatives de connexion autorisées

Le paramètre du nombre de tentatives de connexion autorisées définit le nombre de fois qu'un utilisateur peut tenter de se connecter à l'aide d'un mot de passe erroné avant que son compte soit verrouillé. Le paramètre du nombre de tentatives de connexion autorisées concerne aussi bien le mot de passe de connexion que le mot de passe eSign. Le suivi est effectué séparément pour chacun de ces mots de passe. Une fois qu'un compte utilisateur est verrouillé, un utilisateur doté du niveau d'accès superviseur doit se connecter et déverrouiller le compte. Reportez-vous à « Modification d'un utilisateur », page 120, pour plus d'instructions.

Le paramètre par défaut pour le nombre de tentatives de connexion autorisées est de 5. La valeur du nombre de tentatives de connexion autorisées doit être comprise entre 1 et 10. Pour modifier le paramètre du nombre de tentatives de connexion autorisées, utilisez le champ de dialogue **Allowed Login Attempts**: de l'onglet **Users**. Pour désactiver le nombre de tentatives de connexion autorisées, décochez la case **Allowed Login Attempts**:

7.4.4 Paramétrage de la profondeur d'historique du mot de passe

Le paramètre de profondeur d'historique du mot de passe définit le nombre de mots de passe précédents qui ne peuvent pas être réutilisés lors du changement d'un mot de passe. Ce paramètre concerne aussi bien le mot de passe de connexion que le mot de passe eSign. L'utilisateur sera invité à changer de mot de passe s'il réutilise l'un des mots de passe précédents.

Le paramètre par défaut pour la profondeur d'historique du mot de passe est de 5. La valeur de profondeur d'historique du mot de passe doit être comprise entre 5 et 15. Pour modifier le paramètre de profondeur d'historique du mot de passe, utilisez le champ de dialogue **Password History Depth**: de l'onglet **Users**. Pour désactiver la profondeur d'historique du mot de passe, décochez la case **Password History Depth**:

7.5 Configuration du logiciel du système *digene* HC2

Un utilisateur doté du niveau d'accès superviseur doit configurer le logiciel du système *digene* HC2 conformément aux exigences du laboratoire. Cet utilisateur devra passer en revue

les différents paramètres et les modifier si nécessaire avant que le logiciel du système *digene* HC2 soit utilisé. Il devra porter une attention particulière aux paramètres de l'onglet **Utilities/Settings**. Reportez-vous à « Utilisation de l'onglet **Utilities/Settings** (Utilitaires/Paramètres) », page 92, pour obtenir des informations supplémentaires.

7.5.1 Détermination du niveau d'accès requis pour valider les résultats

La validation des résultats signifie qu'un utilisateur autorisé a déterminé que les résultats associés à une plaque de capture sont satisfaisants et peuvent être rapportés en tant que résultats de test. Une fois les résultats du test validés, ils ne peuvent plus être modifiés et ils sont automatiquement ajoutés à la base de données pour l'établissement de tendances. Reportez-vous à « Validation des résultats », page 215, pour plus d'instructions.

Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent déterminer le niveau d'accès requis pour valider les résultats.

Un utilisateur doté du niveau d'accès superviseur peut toujours valider les résultats. Pour limiter la validation des résultats aux seuls utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur, cochez la case **Allow only Supervisor acceptance of results** dans l'onglet **Utilities/Settings**. Si la case **Allow only Supervisor acceptance of results** n'est pas cochée, les utilisateurs dotés du niveau d'accès opérateur peuvent valider les résultats.

7.5.2 Modification de l'invite pendant la mesure des plaques

Au début de la mesure d'une plaque, la boîte de dialogue **Insert Plate for Measurement** (Insérer la plaque à mesurer) s'ouvre. Elle comporte le champ de dialogue **RCS Serial Number**. Si des tests automatisés par RCS ont été réalisés sur la plaque de capture en cours de mesure, le numéro de série du Rapid Capture® System (RCS) doit être inclus dans les informations relatives à la plaque de capture. À l'inverse, si aucun test automatisé par RCS n'a été réalisé, aucun numéro de série de RCS n'est disponible.

Les utilisateurs dotés du niveau d'accès opérateur ou superviseur peuvent modifier le paramétrage du numéro de série du RCS. Pour activer le champ de dialogue **RCS Serial Number**, cochez la case **Prompt for RCS Serial Number on Measure** dans l'onglet **Utilities/Settings**. Pour désactiver le champ de dialogue **RCS Serial Number**, décochez la case **Prompt for RCS Serial Number on Measure** dans l'onglet **Utilities/Settings**.

Une fois qu'un numéro de série RCS a été saisi, le champ de dialogue **RCS Serial Number** affiche par défaut ce numéro pour les mesures de plaque suivantes.

7.5.3 Modification des informations du laboratoire

Les informations du laboratoire sont affichées dans l'en-tête de tous les rapports. Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent modifier les informations relatives au laboratoire.

1. Dans l'onglet **Utilities/Settings**, cliquez sur le bouton **Change...**

La boîte de dialogue **Edit Laboratory Information** s'ouvre.

2. Entrez le nom du laboratoire concerné dans le champ de dialogue **Name/Customized Assay Protocol** (Nom/Protocole de dosage personnalisé).

Important : N'incluez pas « QIAGEN » dans le nom.

Remarque : Limitez le nom à 20 caractères maximum pour qu'il soit entièrement visible dans la partie imprimée du rapport.

3. Dans le champ de dialogue **Header:**, saisissez les informations que vous souhaitez afficher dans tous les rapports, comme le nom, l'adresse, le numéro de téléphone et le numéro de télécopie du laboratoire.

Remarque : Limitez les informations d'en-tête à 4 lignes de 50 caractères alphanumériques.

4. Cliquez sur **OK**.

Le logiciel du système *digene* HC2 affiche l'onglet **Utilities/Settings**. Les informations sont affichées dans les champs de dialogue respectifs.

7.5.4 Gestion des paramètres d'archivage

La création d'une archive retire les plaques validées des données actuelles affichées dans le logiciel du système *digene* HC2. Lors de la création d'une archive, toutes les plaques validées sont copiées dans l'archive et les plaques ne nécessitant aucune action supplémentaire sont retirées des données actuelles.

La case **LIS Interface Active** de l'onglet **Utilities/Settings** détermine si les plaques qui n'ont pas été exportées peuvent être retirées des données actuelles. Si la case **LIS Interface Active** est cochée, seules les plaques exportées sont retirées des données actuellement affichées dans le logiciel du système *digene* HC2. Si la case **LIS Interface Active** n'est pas cochée, toutes les plaques valides qui ne nécessitent pas d'action supplémentaire sont retirées des données actuellement affichées dans le logiciel du système *digene* HC2.

Un rappel d'archivage peut être affiché à l'ouverture du logiciel du système *digene* HC2 si la limite de fréquence d'archivage a été atteinte. Il est recommandé de procéder à l'archivage

lorsque ce rappel apparaît, même si cela reste facultatif. Une grande quantité de données risque de ralentir le logiciel du système *digene* HC2.

Les paramètres disponibles pour la fréquence du rappel d'archivage sont :

- Never (Jamais)
- Monthly (Tous les mois)
- Quarterly (Tous les trimestres)
- Every X plates (Toutes les X plaques)

La fréquence par défaut du rappel d'archivage est toutes les 100 plaques.

Recommandation : Réglez la fréquence de rappel d'archivage sur toutes les 100 plaques.

Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent réaliser la procédure suivante.

1. Dans l'onglet **Utilities/Settings**, cliquez sur le bouton **Archive Frequency...** du volet **Archiving**.

La boîte de dialogue **Archive Frequency** s'ouvre.

2. Sélectionnez le bouton radio concerné dans le volet **Reminder Frequency** (Fréquence de rappel).

Remarque : L'option d'archiver toutes les X plaques comptabilise le nombre de plaques validées.

3. Cliquez sur **OK**.

Le logiciel du système *digene* HC2 retourne à l'onglet **Utilities/Settings**.

7.5.5 Configuration du répertoire du lecteur de code-barres RCS

Le RCS peut être paramétré afin d'inclure un lecteur de code-barres RCS qui associe automatiquement les ID des plaques d'hybridation et de capture traitées sur le RCS. Pour plus d'informations sur le lecteur de code-barres RCS, reportez-vous à « Association automatique d'une plaque de capture », page 183, afin d'obtenir des instructions supplémentaires.

Seul un représentant de QIAGEN peut installer le package de mise à niveau du lecteur de code-barres RCS. N'essayez pas d'installer les composants matériels, les scripts RCS ou l'application logicielle. Pour obtenir une assistance, contactez les services techniques de QIAGEN.

Pour que des plaques soient associées, le répertoire contenant les fichiers de mappage d'importation doit être défini. Le logiciel du système *digene* HC2 peut surveiller 2 répertoires

différents. Lors de l'installation du package de mise à niveau du lecteur de code-barres RCS, un représentant de QIAGEN configurera le répertoire correct dans le logiciel du système *digene* HC2. Les instructions suivantes sont incluses au cas où le répertoire devrait être modifié.

Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent réaliser la procédure suivante.

1. Dans l'onglet **Utilities/Settings**, cliquez sur le bouton **Browse** en regard du champ de dialogue **RCS1 Barcode Directory**: ou **RCS2 Barcode Directory**:.
La boîte de dialogue **Select Path** (Sélectionner un chemin) s'ouvre.
2. Cliquez sur le bouton **Browse**.
La boîte de dialogue **Browse for Folder** (Rechercher un dossier) s'ouvre.
3. Dans le répertoire, accédez au dossier qui contient les fichiers de mappage d'importation.
Remarque : Les fichiers de mappage d'importation portent l'extension *.imf.
4. Cliquez sur **OK**.
La boîte de dialogue **Browse for Folder** se ferme.
5. Dans la boîte de dialogue **Select Path**, cliquez sur **OK**.
La boîte de dialogue **Select Path** se ferme et le mappage du dossier est affiché dans le champ de dialogue.

7.6 Gestion des paramètres d'exportation des données

Pour pouvoir exporter des résultats vers un LIS, l'interface de données entre le logiciel du système *digene* HC2 et un LIS doit être programmée de telle sorte que les données transmises par le logiciel du système *digene* HC2 puissent être analysées en résultats rapportables par le laboratoire de test.

Contactez le service informatique de votre laboratoire pour configurer la connexion entre l'ordinateur du système HC2 et un LIS. Pour plus d'informations, reportez-vous au Guide de l'interface de données du logiciel du système *digene* HC2 (*digene HC2 System Software Data Interface Guide*).

Remarque : Le pare-feu de l'ordinateur du système HC2 a été configuré pour bloquer toutes les connexions entrantes. Lors de la configuration de la connexion au LIS, le personnel du service informatique doit configurer les paramètres de pare-feu correctement.

Une fois l'interface de données configurée, les paramètres de connexion au LIS et les paramètres du laboratoire LIS doivent être configurés dans le logiciel du système *digene* HC2. Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent gérer la connexion au LIS pour l'exportation des données.

Le volet **LIS Connection Settings** de l'onglet **Utilities/Settings** permet de configurer les paramètres d'exportation des données. Le logiciel du système *digene* HC2 peut être configuré pour exporter des données en fonction des normes suivantes :

- Normes du Clinical and Laboratory Standards Institute® (CLSI) LIS01-A2 et LIS2-A2
- Normes Health Level 7 (HL7) et Minimal Low Layer Protocol (MLLP)

7.6.1 Configuration de l'exportation des données sur la base des normes du CLSI

Dans le logiciel du système *digene* HC2 et dans le présent manuel d'utilisation, les normes pertinentes du CLSI sont désignées sous les noms « ASTM » et « E 1394-97 », les normes précédemment utilisées et référencées étant ASTM E1394-97 et ASTM E1381.

Pour exporter des données, utilisez les méthodes suivantes :

- Pour exporter des données vers un fichier, sélectionnez **ASTM (File)** (ASTM [fichier]) dans la liste déroulante **Connection Protocol**.

Remarque : Les données exportées sont enregistrées dans un fichier dont le nom est basé sur l'ID de plaque d'hybridation, et non sur celui de la plaque de capture.

- Pour exporter des données par l'intermédiaire d'une connexion sur un port série, sélectionnez **ASTM (Serial)** dans la liste déroulante **Connection Protocol**:. Dans la liste déroulante **Serial Port Connection**:, sélectionnez la connexion au port série appropriée. Cliquez sur le bouton **Test Connection** pour vérifier si la connexion fonctionne correctement. Si tel est le cas, une boîte de dialogue s'ouvre et indique que la connexion à l'hôte LIS a été établie.

7.6.2 Configuration de l'exportation des données sur la base des normes HL7

Pour exporter des données, utilisez les méthodes suivantes :

- Pour exporter des données vers un fichier, sélectionnez **HL7 (File)** (HL7 [fichier]) dans la liste déroulante **Connection Protocol**:.
Remarque : Les données exportées sont enregistrées dans un fichier dont le nom est basé sur l'ID de plaque d'hybridation, et non sur celui de la plaque de capture.
- Pour exporter des données par l'intermédiaire d'une connexion Ethernet, sélectionnez **HL7 (Ethernet)** dans la liste déroulante **Connection Protocol**:. Saisissez les informations pertinentes dans les champs de dialogue **TCP/IP Transmit Port** et **TCP/IP Receive Address/Port**. Cliquez sur le bouton **Test Connection** pour vérifier si la connexion fonctionne correctement. Si tel est le cas, une boîte de dialogue s'ouvre et indique que la connexion à l'hôte LIS a été établie.

7.6.3 Configuration de la communication bidirectionnelle

Le logiciel du système *digene* HC2 peut utiliser l'interface de données pour interroger le LIS afin de déterminer si des commandes de test ont été passées. Le logiciel du système *digene* HC2 reçoit uniquement les commandes de test d'échantillons et les informations associées relatives au patient et au protocole de dosage. Aucun agencement de plaques n'est reçu. Le volet **LIS Laboratory Settings** de l'onglet **Utilities/Settings** permet de configurer les paramètres de requête.

Important : Les échantillons reçus à la suite d'une requête du LIS se voient attribuer le type d'échantillon par défaut associé au protocole de dosage concerné. Vérifiez que les échantillons transmis par le LIS sont associés au type d'échantillon adéquat.

Le logiciel du système *digene* HC2 doit interroger le LIS pour obtenir des informations. La transmission d'informations non demandées n'est pas autorisée. La requête portera sur les commandes de test des 7 derniers jours. Les options du mode de requête sont les suivantes :

- **Manually (Manuellement)** — cliquez sur le bouton **Query** dans le volet **Query Status** de l'onglet **Assay Protocols**.

- Polling — requête après qu'un intervalle donné est écoulé.
- Scheduled — requête à 4 instants indiqués au maximum.

En plus de déterminer le mode de requête, vous devez mapper les protocoles de dosage conformément aux paramètres indiqués dans le LIS pour que la requête soit lancée. Les commandes de test demandées non mappées sont rejetées.

1. Dans la liste déroulante **Query Mode:** du volet **LIS Laboratory Settings** de l'onglet **Utilities/Settings**, sélectionnez le mode de requête **OFF (Transmit Only)** (DÉSACTIVÉ [transmission uniquement]), **Manual** (Manuel), **Polling** ou **Scheduled**.
Remarque : Aucune autre action n'est nécessaire si vous sélectionnez **OFF (Transmit Only)**. Vous ne recevrez aucune information du LIS.
2. Si vous sélectionnez le mode **Polling**, entrez la valeur pertinente dans le champ **Polling Frequency (minutes)**.
Remarque : Vous devez choisir une valeur comprise entre 5 et 60 minutes.
3. Si vous sélectionnez le mode **Scheduled**, cochez les cases pertinentes et entrez les heures de requête.
4. Cliquez sur le bouton **Map Orders...**
La boîte de dialogue **LIS Assay Protocol Map** s'ouvre.
5. Sélectionnez le protocole de dosage dans la liste et cliquez sur le bouton **Edit...**
La boîte de dialogue **Edit Assay Protocol Map** (Modifier la mappe des protocoles de dosage) s'ouvre.
6. Entrez le nom du LIS concerné pour le protocole de dosage dans le champ de dialogue **Order Mapping:** (Mappage des commandes).
Remarque : Le nom de LIS pour le protocole de dosage doit respecter l'ordre de réception. Le nom de LIS peut être identique à l'ID de protocole de dosage dans le logiciel du système *digene* HC2 ou défini par le laboratoire.
7. Cliquez sur **OK**.
La boîte de dialogue **Edit Assay Protocol Map** se ferme.
8. Reprenez les étapes 5 à 7 pour chaque protocole de dosage qui recevra les commandes de test depuis le LIS.
9. Cliquez sur **OK**.
La boîte de dialogue **LIS Assay Protocol Map** se ferme. Le logiciel du système *digene* HC2 peut désormais établir une communication bidirectionnelle avec le LIS.

7.6.4 Définition de l'exportation éventuelle des résultats préliminaires

Vous pouvez configurer l'exportation des résultats préliminaires en utilisant la case **Include Preliminary Results**.

Pour inclure les résultats préliminaires lors de l'exportation des données, cochez la case **Include Preliminary Results**.

Pour exclure les résultats préliminaires lors de l'exportation des données, décochez la case **Include Preliminary Results**. Pour plus d'informations sur les échantillons préliminaires, reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un algorithme de retest », page 144.

7.6.5 Définition de l'exportation automatique éventuelle des résultats validés

Vous pouvez configurer l'exportation automatique des résultats validés en utilisant la case **Automatically Transmit Results**. Pour transmettre automatiquement les résultats validés, cochez la case **Automatically Transmit Results**. Pour transmettre manuellement les résultats validés, décochez la case **Automatically Transmit Results**. Pour plus d'informations sur la validation des résultats, reportez-vous à « Validation des résultats », page 215.

7.6.6 Définition de l'exportation éventuelle des résultats de l'étalon et du contrôle de qualité pour les dosages ayant échoué

Vous pouvez configurer l'inclusion des résultats de l'étalon et du contrôle de qualité lors de l'exportation des données d'un dosage ayant échoué en utilisant la case **Transmit Calibrator and Quality Control Data for Failed Assays**. Pour inclure les résultats de l'étalon et du contrôle de qualité, cochez la case **Transmit Calibrator and Quality Control Data for Failed Assays**. Pour exclure les résultats de l'étalon et du contrôle de qualité, décochez la case **Transmit Calibrator and Quality Control Data for Failed Assays**. Si la case **Transmit Calibrator and Quality Control Data for Failed Assays** n'est pas cochée, aucune information concernant les dosages ayant échoué ne sera exportée.

7.7 Utilisation d'un lecteur de code-barres portable

QIAGEN recommande d'utiliser un lecteur de code-barres CCD connecté par PS/2 ou USB avec le logiciel du système *digene* HC2. Vérifiez les ports de l'ordinateur du système HC2 pour déterminer le type de lecteur de code-barres nécessaire et assurez-vous que le lecteur de code-barres sélectionné prend en charge les symbologies de code-barres utilisées dans le laboratoire.

Suivez les instructions d'installation fournies par le fabricant du lecteur de code-barres. Pour qu'il fonctionne correctement avec le logiciel du système *digene* HC2, configurez le lecteur de code-

barres de manière qu'il ajoute automatiquement un retour chariot/un saut de ligne à la fin d'un code-barres lu.

7.8 Gestion de l'instrument DML

L'instrument DML mesure la valeur en RLU des échantillons contenus sur une microplaque de capture placée dans l'instrument. Le tube du photomultiplicateur (PMT) est le composant de l'instrument DML utilisé pour détecter la lumière émise par chimiluminescence.

L'utilisateur ne peut régler ni le PMT ni l'instrument DML, car le PMT n'intègre pas de norme traçable pour l'étalonnage. Les critères de validation du dosage définis pour le système *digene* HC2 sont utilisés pour déterminer si l'instrument DML fonctionne conformément aux spécifications. Par conséquent, si les résultats d'un test *digene* HC2 DNA satisfont aux critères de validation du dosage, l'instrument DML fonctionne correctement.

La plaque LumiCheck fournit des tendances pour l'instrument DML. Les jours de test *digene* HC2 DNA, réalisez un contrôle périodique à l'aide de la plaque LumiCheck avant de mesurer la première microplaque. Pour obtenir des instructions supplémentaires, reportez-vous au manuel d'utilisation de la plaque et du logiciel LumiCheck (*LumiCheck Plate and Software User Manual*).

L'instrument DML est géré à partir de l'onglet **Luminometer Settings**. Reportez-vous à « Utilisation de l'onglet **Luminometer Settings** », page 102, pour obtenir des informations supplémentaires.

7.8.1 Ajout d'un instrument DML

Le logiciel du système *digene* HC2 permet de gérer les données de plusieurs instruments DML. Néanmoins, un seul instrument DML à la fois peut être connecté à l'ordinateur du système HC2.

Si vous ajoutez un DML 2000, les paramètres suivants sont définis pendant la fabrication de l'instrument DML et l'utilisateur ne peut pas les modifier :

- **Settle Time: (Temps de stabilisation)** — indique la durée de la pause entre le déplacement du portoir des plaques et la mesure de la plaque.
- **RLU Factor: (Facteur de RLU)** — échelle de la RLU rapportée par l'instrument DML.

1. Dans l'onglet **Luminometers Settings**, cliquez sur le bouton **Add Luminometer**.

La boîte de dialogue **Luminometer Settings** s'ouvre.

2. Dans la liste déroulante **COM Port:** (Port COM), sélectionnez le port de communication qui connecte l'instrument DML à l'ordinateur du système HC2. Pour déterminer le port COM à sélectionner, reportez-vous au manuel d'utilisation de l'instrument DML concerné.
3. Dans le champ de dialogue **Serial Number:** (Numéro de série), saisissez le numéro de série de l'instrument DML.

Remarque : Le numéro de série de l'instrument DML est imprimé au dos de l'instrument.

4. Dans la liste déroulante **Instrument Type:** (Type d'instrument), sélectionnez le type d'instrument DML.

Important : Si vous sélectionnez un type incorrect, le logiciel du système *digene* HC2 ou l'instrument DML générera des erreurs.

5. Si vous ajoutez un DML 2000, saisissez le facteur de l'iris dans le champ de dialogue **Iris Factor:** (Facteur de l'iris).

Remarque : Le facteur de l'iris est une valeur spécifique à l'instrument DML. Il est précisé sur la fiche Correction du facteur de l'iris fournie avec l'instrument DML.

6. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Luminometer Settings** se ferme.

7. Une boîte de dialogue vous invite à réaliser un test mécanique. Reportez-vous à « Réalisation d'un test mécanique », page 134, pour plus d'instructions.

Si un DML 2000 a été ajouté, une boîte de dialogue vous invite à réaliser un relevé de référence du bruit de fond (100). Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un relevé de référence du bruit de fond (100) », page 135, pour plus d'instructions.

L'instrument DML sera alors disponible pour être utilisé avec le logiciel du système *digene* HC2.

8. Dans l'onglet **Luminometers Settings**, cliquez sur le bouton **Luminometer Controls...** du volet **Luminometer Actions**.

La boîte de dialogue **Luminometer Controls** s'ouvre.

La communication du logiciel du système *digene* HC2 avec l'instrument DML est vérifiée afin de s'assurer que l'instrument DML est correctement paramétré.

9. Pour un DML 3000, sélectionnez **H** et **12** dans les listes déroulantes du volet **Functions**.

Pour un DML 2000, sélectionnez **H** et **12** dans les listes déroulantes du volet **Movement**.

10. Pour un DML 3000, cliquez sur le bouton **Read Well** du volet **Functions**.

Pour un DML 2000, cliquez sur le bouton **Move To** du volet **Movement**.

Si l'instrument DML ne s'initialise pas, vérifiez qu'il est correctement paramétré et contrôlez les connexions entre l'ordinateur du système HC2 et l'instrument DML.

Si le logiciel du système *digene* HC2 communique avec l'instrument DML, ce dernier exécute la commande. L'instrument DML est prêt à être utilisé.

7.8.2 Modification des paramètres d'un instrument DML

Vous pouvez modifier les paramètres d'un instrument DML dans la boîte de dialogue **Luminometer Settings**. Selon l'instrument DML utilisé, reportez-vous à « Utilisation de l'onglet **Luminometer Settings** avec un DML 3000 », page 103, ou à « Utilisation de l'onglet **Luminometer Settings** avec un DML 2000 », page 107, pour obtenir des instructions supplémentaires.

1. Dans l'onglet **Luminometers Settings**, cliquez sur le bouton **Settings...** du volet **Luminometer Actions**.

La boîte de dialogue **Luminometer Settings** s'ouvre.

2. Modifiez les paramètres de l'instrument DML et cliquez sur **OK**.

Remarque : Seul le champ de dialogue **COM Port** est modifiable sur le DML 3000. Les champs de dialogue **COM Port** et **Iris Factor** sont modifiables sur le DML 2000.

3. Cliquez sur le bouton **OK**.

La boîte de dialogue **Luminometer Settings** se ferme.

7.8.3 Réalisation d'un test mécanique

Un test mécanique doit avoir été réalisé et validé sur l'instrument DML sélectionné pour qu'une plaque puisse être mesurée. Pendant un test mécanique, le logiciel du système *digene* HC2 :

- vérifie la connexion entre l'ordinateur du système HC2 et l'instrument DML,
- déplace le portoir des plaques de l'instrument DML en position initiale,
- ouvre et ferme l'iris de l'instrument DML (DML 2000 uniquement).

Durant le test mécanique, des messages d'erreur s'affichent si un problème est détecté. Pour plus d'informations sur les erreurs rencontrées au cours du test mécanique, reportez-vous au manuel d'utilisation de l'instrument DML concerné.

Un test mécanique peut être lancé lorsqu'un utilisateur se connecte au logiciel du système *digene* HC2 si la case **Perform mechanical test on startup** est cochée dans l'onglet **Luminometer Settings**. Reportez-vous à « Utilisation de l'onglet **Luminometer Settings** », page 102, pour obtenir des informations supplémentaires.

Vous pouvez lancer un test mécanique à tout moment en cliquant sur le bouton **Perform Mechanical Test** de l'onglet **Luminometer Settings**. Reportez-vous à « Utilisation de l'onglet **Luminometer Settings** », page 102, pour obtenir des informations supplémentaires.

Si la case **Display mechanical test report after completion** est cochée dans l'onglet **Luminometer Settings**, la fenêtre **QIAGEN Report Viewer** affiche le rapport du test mécanique une fois que ce test est terminé. La fenêtre **QIAGEN Report Viewer** s'ouvre. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **QIAGEN Report Viewer** », page 114, pour plus d'instructions.

7.8.4 Qu'est-ce qu'un relevé de référence du bruit de fond (100)

Les relevés de référence du bruit de fond (100) concernent uniquement le DML 2000. Un relevé de référence du bruit de fond (100) correspond au calcul de la moyenne d'une série de 100 mesures. Les mesures minimum, maximum et moyenne sont rapportées et enregistrées. Les données de bruit de fond de la plaque (10) sont effacées chaque fois qu'un nouveau relevé de référence du bruit de fond (100) est mesuré.

Les relevés de référence du bruit de fond (100) sont mesurés pour déterminer les paramètres de décalage de fond. Le bruit de fond maximum est déterminé en ajoutant le paramètre de décalage de fond à la moyenne des relevés de référence du bruit de fond (100). Le bruit de fond minimum est déterminé en soustrayant le paramètre de décalage de fond de la moyenne des relevés de référence du bruit de fond (100). L'utilisateur peut modifier le paramètre de décalage de fond. Les paramètres de bruit de fond maximum et de bruit de fond minimum sont calculés automatiquement sur la base du paramètre de décalage de fond.

Recommandation : Ne pas utiliser une valeur supérieure à 20 pour le paramètre de décalage de fond.

Les paramètres de bruit de fond maximum et minimum sont affichés dans le volet **Background Offset** de l'onglet **Luminometer Settings**. Le résultat et la date du relevé de référence du bruit de fond (100) le plus récent sont affichés dans le volet **Background Baseline** de l'onglet **Luminometer Settings**. Reportez-vous à « Utilisation de l'onglet **Luminometer Settings** avec un DML 2000 », page 107, pour plus d'instructions.

Les paramètres de décalage de fond déterminent si le relevé du bruit de fond de la plaque (10) est conforme aux spécifications. Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un relevé du bruit de fond de la plaque (10) », page 137, pour obtenir des informations supplémentaires.

7.8.5 Effectuer un relevé de référence du bruit de fond (100)

Réalisez un relevé de référence du bruit de fond (100) sur le DML 2000 avant la première utilisation de l'instrument.

Remarque : Un test mécanique doit avoir été réalisé pour qu'un relevé de référence du bruit de fond (100) puisse être effectué. Reportez-vous à « Réalisation d'un test mécanique », page 134, pour plus d'instructions.

1. Dans l'onglet **Luminometers Settings**, cliquez sur le bouton **Set Background Baseline (100)**.
Une fois toutes les mesures du bruit de fond terminées, la fenêtre **QIAGEN Report Viewer** s'ouvre et affiche le rapport sur les relevés de référence du bruit de fond (100). Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **QIAGEN Report Viewer** », page 114, pour plus d'instructions.
2. Assurez-vous que la mesure moyenne du bruit de fond est comprise entre 80 et 500 RLU et que la différence entre les mesures minimum et maximum n'excède pas 20 RLU.
Si les paramètres indiqués ne sont pas remplis, contactez les services techniques de QIAGEN.

7.8.6 Définition de la fréquence des relevés de référence du bruit de fond (100)

Un rappel de relevé de référence du bruit de fond (100) est affiché si la limite de fréquence a été atteinte. Il est recommandé de procéder au relevé de référence du bruit de fond (100) lorsque ce rappel apparaît, même si cela reste facultatif.

Les paramètres disponibles pour la fréquence du rappel de relevé de référence du bruit de fond (100) sont :

- 3 months (3 mois)
- Biannual (Deux fois par an)
- Every X plates measured (Toutes les X plaques mesurées)

Le paramètre par défaut est Biannual.

Le rappel « every X plates measured » n'est réinitialisé qu'après qu'il est affiché. En d'autres termes, la réalisation d'un relevé de référence du bruit de fond (100) ne réinitialise pas la fréquence du rappel. Par exemple, si le paramètre est défini pour afficher un rappel après chaque mesure de 50 plaques et qu'un relevé de référence du bruit de fond (100) est réalisé après la mesure de 45 plaques, le rappel est affiché après la mesure de 5 plaques supplémentaires.

1. Dans l'onglet **Luminometers Settings**, cliquez sur le bouton **Background Baseline Reminder Frequency...** du volet **Luminometer Actions**.

La boîte de dialogue **Baseline Background Frequency** s'ouvre.

2. Sélectionnez le bouton radio concerné dans le volet **Reminder Frequency**.
3. Cliquez sur **OK**.

Le logiciel du système *digene* HC2 retourne à l'onglet **Luminometer Settings**.

7.8.7 Qu'est-ce qu'un relevé du bruit de fond de la plaque (10)

Les relevés du bruit de fond de la plaque (10) concernent uniquement le DML 2000. Le relevé du bruit de fond de la plaque (10) correspond à une série de dix mesures réalisées immédiatement avant la mesure de la plaque de capture. La moyenne des résultats du relevé est calculée et comparée aux paramètres affichés dans l'onglet **Luminometer Settings**. Pour plus d'informations sur la méthode de détermination des paramètres, reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un relevé de référence du bruit de fond (100) », page 135, afin d'obtenir des instructions supplémentaires.

Le relevé du bruit de fond de la plaque (10) peut produire deux résultats :

- Si le relevé du bruit de fond de la plaque (10) satisfait les spécifications, la RLU moyenne du relevé du bruit de fond de la plaque (10) est soustraite de tous les résultats de RLU suivants de la mesure de la plaque. Les valeurs en RLU moyenne, maximum et minimum des dix mesures sont enregistrées dans la base de données des tendances.
- Si la RLU du relevé du bruit de fond de la plaque (10) est hors spécifications, le logiciel du système *digene* HC2 affiche un message indiquant que le bruit de fond de la plaque (10) est hors spécifications. La mesure de la plaque peut être poursuivie ou annulée. Si la mesure de la plaque est poursuivie, la RLU moyenne du relevé du bruit de fond de la plaque (10) est soustraite de tous les résultats de RLU suivants de la mesure de la plaque. Un commentaire indiquant que le bruit de fond de la plaque (10) est hors spécifications s'affiche dans le rapport sur les dosages. Pour obtenir des instructions supplémentaires sur la résolution des problèmes liés au bruit de fond de la plaque, reportez-vous à « Erreurs de bruit de fond de la plaque », page 246.

7.8.8 Commande manuelle de l'instrument DML

Vous pouvez contrôler manuellement l'instrument DML pour vérifier son fonctionnement. L'instrument DML est contrôlé dans la boîte de dialogue **Luminometer Controls**. Selon le type d'instrument DML, reportez-vous à « Utilisation de la boîte de dialogue **Luminometer Controls**

avec un DML 3000 », page 105, ou à « Utilisation de la boîte de dialogue **Luminometer Controls** avec un DML 2000 », page 111, pour obtenir des instructions supplémentaires.

Si le DML 3000 n'est pas sous tension ou s'il n'est pas connecté à l'ordinateur du système HC2, une boîte de dialogue s'ouvre et indique qu'une erreur est survenue pendant l'initialisation de l'instrument DML.

7.8.9 Suppression d'un instrument DML

1. Dans l'onglet **Luminometer Settings**, sélectionnez le numéro de série de l'instrument DML pertinent dans la liste déroulante du volet **Luminometer Selection**.

2. Cliquez sur le bouton **Remove Luminometer**.

Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la suppression de l'instrument DML.

3. Sélectionnez la réponse pertinente pour confirmer la suppression de l'instrument DML.

La boîte de dialogue se ferme et le numéro de série de l'instrument DML est supprimé de la liste déroulante **Luminometer Selection**.

7.9 Qu'est-ce qu'un protocole de dosage

Le système *digene* HC2 utilise des protocoles de dosage pour stocker des paramètres spécifiques employés pour la mesure, l'analyse et la validation des échantillons. Il est important d'utiliser le protocole de dosage adapté à la configuration du système *digene* HC2, à l'utilisation prévue du test et aux exigences du laboratoire. Les protocoles de dosage validés et fournis par QIAGEN sont les protocoles « IVD ».

La plupart des paramètres des protocoles de dosage IVD sont verrouillés. Dans les rapports sur les protocoles de dosage IVD, **IVD** est affiché en regard du logo QIAGEN. Les options non modifiables dans un protocole de dosage IVD sont grisées.

L'ID de protocole de dosage est l'identifiant unique d'un protocole de dosage. L'ID de protocole de dosage indique l'utilisation prévue du protocole de dosage. Si un test *digene* HC2 DNA est réalisé à l'aide d'un RCS, veillez à sélectionner l'ID de protocole de dosage qui inclut **RCS**. Si vous avez d'autres questions concernant le protocole de dosage à utiliser, contactez les services techniques de QIAGEN.

Il existe deux types de protocoles de dosage, les protocoles non consensuels et les protocoles consensuels. Un protocole de dosage non consensuel ne comporte pas de zone de retest. Tous les résultats sont rapportés comme des résultats finaux. Un protocole de dosage consensuel

comporte toujours des tests constitutifs ainsi qu'une zone de retest avec un algorithme de retest qui fait l'objet d'un suivi automatique, au besoin, dans le logiciel du système *digene* HC2.

7.9.1 Visualisation des informations des protocoles de dosage

En plus des instructions décrites ci-dessous, vous pouvez consulter les informations relatives au protocole de dosage dans la fenêtre **Create/Edit Layout** en cliquant sur le bouton **View Assay Protocol...**

1. Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez un ID de protocole de dosage dans le volet **IVD Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **View...** concerné.

La boîte de dialogue **View IVD Assay Protocol** s'ouvre et affiche les paramètres du protocole de dosage sélectionné.

Remarque : Les informations affichées ne peuvent pas être modifiées. Pour modifier le protocole de dosage, reportez-vous à « Modification des protocoles de dosage », page 140, afin d'obtenir des instructions supplémentaires.

2. Cliquez sur les différents onglets pour visualiser les paramètres actuels.

Reportez-vous à « Utilisation de la boîte de dialogue **View IVD Assay Protocol** », page 67, pour plus d'instructions.

3. Cliquez sur le bouton **Close**.

La boîte de dialogue **View IVD Assay Protocol** se ferme.

7.9.2 Impression et enregistrement des informations sur les protocoles de dosage

1. Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez un ID de protocole de dosage dans le volet **IVD Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **View...** concerné.

La boîte de dialogue **View IVD Assay Protocol** s'ouvre et affiche les paramètres du protocole sélectionné.

Remarque : Les informations affichées ne peuvent pas être modifiées. Pour modifier le protocole de dosage, reportez-vous à « Modification des protocoles de dosage », page 140, afin d'obtenir des instructions supplémentaires.

2. Ouvrez le programme Paint de Windows.
3. Ouvrez le logiciel du système *digene* HC2 dans la fenêtre supérieure, puis appuyez simultanément sur les touches **Alt** et **Impr écran** du clavier pour effectuer une capture d'écran.
4. Collez l'image dans le programme Paint de Windows.
5. Imprimez ou enregistrez l'image en utilisant le programme Paint de Windows.

6. Fermez le programme Paint de Windows.
7. Dans le logiciel du système *digene* HC2, cliquez sur **Close** pour revenir à l'onglet **Assay Protocols**.

7.10 Modification des protocoles de dosage

Vous pouvez modifier les paramètres d'un protocole de dosage dans la boîte de dialogue **Edit IVD Assay Protocol**. La plupart des paramètres d'un protocole de dosage pour IVD ne peuvent pas être modifiés et sont donc grisés. Par ailleurs, certains paramètres pourraient ne pas être modifiables selon le niveau d'accès. Le seul paramètre modifiable pour un protocole de dosage IVD est le type d'échantillon par défaut. Reportez-vous à « Modification du type d'échantillon par défaut d'un protocole de dosage », page 143, pour plus d'instructions.

Pour gérer les contrôles de qualité, cliquez sur le bouton **Quality Control** dans la boîte de dialogue **Edit IVD Assay Protocol**. La boîte de dialogue **Quality Control List** s'ouvre. Reportez-vous à « Gestion des contrôles de qualité », page 166, pour plus d'instructions.

7.11 Suppression d'un protocole de dosage

Vous pouvez supprimer des protocoles de dosage du logiciel du système *digene* HC2. Si un protocole de dosage est associé à au moins un échantillon, y compris des échantillons dont l'état est « unassigned », vous ne pouvez pas le supprimer.

Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent réaliser la procédure suivante sur les protocoles de dosage IVD.

1. Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez l'ID de protocole de dosage à supprimer dans le volet **IVD Assay Protocols**.
2. Cliquez sur le bouton **Delete** dans le volet pertinent.
Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la suppression.
3. Cliquez sur le bouton pertinent pour supprimer le protocole de dosage.

Remarque : Si un protocole de dosage du système *digene* HC2 est supprimé, il est conservé dans le répertoire de la bibliothèque des protocoles de dosage et peut ainsi être restauré. Reportez-vous à « Restauration des protocoles de dosage du système *digene* HC2 », page 141, pour plus d'instructions.

7.12 Restauration des protocoles de dosage du système *digene* HC2

Si un protocole de dosage du système *digene* HC2 est supprimé accidentellement, installez le protocole de dosage du système *digene* HC2 à partir de la bibliothèque des protocoles de dosage en procédant comme suit.

Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent utiliser cette fonction.

ATTENTION Perte de données



Procédez toujours à un archivage avant d'installer, de restaurer ou de mettre à niveau le logiciel du système *digene* HC2 ou les protocoles de dosage du système *digene* HC2.

Dans le cas contraire, des données pourraient être irrémédiablement perdues.

1. Effectuez un archivage des données. Reportez-vous à « Création d'une archive », page 233, pour plus d'instructions.
2. Dans l'onglet **Utilities/Settings**, cliquez sur le bouton **Install Assay Protocols...**
La boîte de dialogue **Select Path** s'ouvre. La valeur **C:\Users\Public\QIAGEN\HC2 System Software\Protocol Library** est affichée dans le champ de dialogue **Select path for imported assay protocols** (Sélectionner le chemin des protocoles de dosage importés).
3. Cliquez sur **OK**.
La boîte de dialogue **Install Assay Protocols** s'ouvre.
4. Sélectionnez les protocoles de dosage pertinents à installer ou cliquez sur **Select All** (Tout sélectionner) pour sélectionner la liste complète des protocoles de dosage.
5. Cochez ou décochez la case **Install related Quality Control** (Installer le contrôle de qualité associé), selon le cas.
6. Cliquez sur **Install** (Installer).
Le logiciel du système *digene* HC2 installe le protocole de dosage sélectionné et ferme la boîte de dialogue **Install Assay Protocols**.

7.13 Qu'est-ce qu'un échantillon

Un identifiant unique, appelé ID d'échantillon, est attribué à chaque échantillon. Un ID d'échantillon doit être unique dans la liste des échantillons d'un protocole de dosage. Les ID d'échantillon ne doivent pas comporter plus de 30 caractères et doivent être constitués de

caractères alphanumériques et de traits de soulignement ainsi que d'espaces et de tirets, sauf en début et en fin d'ID. Un ID d'échantillon ne doit pas commencer par un espace ou un tiret.

Une fois qu'un ID d'échantillon a été archivé, ce même identifiant unique peut à nouveau être utilisé en tant qu'ID d'échantillon.

Les ID d'échantillon sont créés par l'une des méthodes suivantes :

- Saisis manuellement dans la boîte de dialogue **New/Edit Specimens**
- Lus sur les étiquettes à code-barres en utilisant la boîte de dialogue **New/Edit Specimens**
- Importés dans le cadre d'une requête sur les commandes émanant du LIS
- Importés depuis un fichier texte externe
- Importés depuis un fichier de sortie issu d'un instrument de pré-analyse

7.13.1 Qu'est-ce qu'un type d'échantillon

Un type d'échantillon est créé en lien avec un protocole de dosage. Un ID de type d'échantillon doit être unique pour le protocole de dosage associé. Toutefois, des protocoles de dosage différents peuvent utiliser les mêmes ID de type d'échantillon. Par exemple, les protocoles de dosage **High Risk HPV** (HPV à haut risque) et **Low Risk HPV** (HPV à faible risque) peuvent tous deux utiliser les ID de type d'échantillon **STM**. Chaque protocole de dosage doit comporter au moins un type d'échantillon. Les informations relatives à un type d'échantillon sont affichées dans la boîte de dialogue **View IVD Assay Protocol**. Reportez-vous à « Utilisation de la boîte de dialogue **View IVD Assay Protocol** », page 67, pour obtenir des informations supplémentaires.

Chaque type d'échantillon a un facteur de correction. Le facteur de correction est multiplié par le seuil du dosage afin de normaliser le type d'échantillon, s'il y a lieu. Un facteur de correction de **1.000** ne normalise pas le type d'échantillon.

Chaque type d'échantillon est associé à des seuils primaire, secondaire et tertiaire pour les résultats négatifs et positifs. Les adjectifs « primaire », « secondaire » et « tertiaire » font référence au nombre de tests réalisés pour l'échantillon. S'il s'agit du premier test de l'échantillon, le facteur de seuil primaire est appliqué ; s'il s'agit du deuxième test, le facteur de seuil secondaire est appliqué ; s'il s'agit du troisième test, le facteur de seuil tertiaire est appliqué.

Pour les protocoles de dosage consensuels, le type d'échantillon inclut l'en-tête de colonne **Results Final** qui précise si le type d'échantillon aura un algorithme de retest. Si la valeur **Yes** est affichée dans la colonne **Results Final**, tous les résultats sont finaux sur la base du premier test de l'échantillon et du facteur de seuil primaire. Si la valeur **No** est affichée dans la colonne

Results Final, une zone de retest peut être créée en cas de différence entre les facteurs de seuil négatifs et positifs. Les échantillons dont la zone de retest inclut un résultat se verront attribuer l'état « preliminary ». Par exemple, si le facteur de seuil primaire négatif est de **1.00** et que le facteur de seuil primaire positif est de **2.50**, la zone de retest est comprise entre 1,00 et 2,49. Les échantillons dont la zone de retest inclut des résultats de test se verront attribuer l'état « preliminary » et devront subir d'autres tests. Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un algorithme de retest », page 144, pour obtenir des informations supplémentaires.

Les protocoles de dosage non consensuels n'incluent pas l'en-tête de colonne **Results Final**. Les exigences de retest pour les échantillons associés à un protocole de dosage non consensuel sont définies dans l'onglet **Validation and Evaluation**.

7.13.2 Modification du type d'échantillon par défaut d'un protocole de dosage

Les protocoles de dosage peuvent être associés à plusieurs types d'échantillons, mais un seul d'entre eux est défini en tant que type d'échantillon par défaut. Le type d'échantillon par défaut est déterminé comme l'un des paramètres du protocole de dosage.

Important : Le type d'échantillon par défaut du protocole de dosage est appliqué à un échantillon non lié qui est copié dans un protocole de dosage ou importé à partir d'une commande du LIS.

Remarque : Si vous modifiez le type d'échantillon par défaut du protocole de dosage, la nouvelle valeur ne sera pas répercutée sur les échantillons précédemment associés à un protocole de dosage.

1. Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez l'ID de protocole de dosage pertinent dans le volet **IVD Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **Edit...**

Une boîte de dialogue indique que les modifications apportées au protocole de dosage ne s'appliqueront pas aux plaques actuellement associées au protocole de dosage.

2. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Edit IVD Assay Protocol** s'ouvre.

3. Cliquez sur l'onglet **Specimen Types, Cutoff Factors and Results Output**.

4. Dans le volet **Specimen Types**, cochez la case en regard du type d'échantillon pertinent dans la liste pour le définir comme type par défaut, en utilisant le bouton gauche de la souris.

Important : Veillez à utiliser le bouton gauche de la souris pour sélectionner le type d'échantillon par défaut. Si vous utilisez le bouton droit de la souris, plusieurs cases risquent d'être cochées et le type d'échantillon à utiliser par défaut ne sera pas clairement défini.

5. Cliquez sur OK.

7.13.3 Qu'est-ce qu'un état d'échantillon

Un échantillon dispose toujours d'un état dans le logiciel du système *digene* HC2.

Le tableau suivant décrit les états possibles pour un échantillon.

État de l'échantillon	Description
Unbound (Non lié)	Un échantillon non lié n'est associé à aucun protocole de dosage. Il ne pourra être testé qu'une fois associé à un protocole de dosage et à une plaque. Les échantillons non liés sont répertoriés dans le volet Specimens not bound to an assay protocol de l'onglet Assay Protocols .
Unassigned	Un échantillon non attribué est associé à un protocole de dosage, mais il ne pourra être testé qu'une fois associé à une plaque. Les échantillons non attribués sont répertoriés dans la fenêtre Specimen List d'un protocole de dosage.
Unmeasured	Un échantillon non mesuré est associé à un protocole de dosage et à une plaque non mesurée.
Measured (Mesuré)	Un échantillon mesuré est associé à une plaque qui a été mesurée.

7.13.4 Qu'est-ce qu'un algorithme de retest

Un protocole de dosage consensuel comporte toujours des tests constitutifs ainsi qu'une zone de retest avec un algorithme de retest qui fait l'objet d'un suivi automatique, au besoin, dans le logiciel du système *digene* HC2. Le résultat d'un protocole de dosage consensuel est défini soit comme non dérivé, soit comme dérivé. Les résultats non dérivés de protocole de dosage consensuel ne nécessitent pas de retest. En d'autres termes, le résultat final est obtenu à partir du test constitutif initial et l'algorithme de retest n'est pas requis. Tous les résultats non dérivés de protocole de dosage consensuel sont rapportés avec l'état « final ».

Les résultats dérivés de protocole de dosage consensuel nécessitent un retest. En d'autres termes, l'algorithme de retest est requis et l'échantillon fait l'objet d'un suivi jusqu'à l'état « final » dans le logiciel du système *digene* HC2. Deux tests constitutifs supplémentaires peuvent être nécessaires

pour dériver un résultat final. Jusqu'à ce que le résultat final soit dérivé, le logiciel du système *digene* HC2 attribue l'état « preliminary » au résultat de chaque test constitutif.

L'algorithme de retest est entièrement automatisé pour les protocoles de dosage du système *digene* HC2. Les facteurs de seuil et l'état « preliminary » ou « final » des résultats de test sont déterminés en fonction du protocole de dosage du système *digene* HC2 et du type d'échantillon.

La plaque de capture mesurée contenant un échantillon qui nécessite des tests supplémentaires doit être validée pour que l'échantillon puisse être associé à une nouvelle plaque d'hybridation. Lorsqu'une plaque de capture contenant un échantillon qui nécessite des tests supplémentaires est validée, le logiciel du système *digene* HC2 effectue automatiquement les actions suivantes :

- Ajout de l'échantillon à la liste des échantillons non attribués du protocole de dosage concerné
- Attribution du chiffre **1** ou **2** sous l'en-tête de colonne **Retest ID** (ID de retest) dans les fenêtres **Create/Edit Layout** et **Specimen List**. Le chiffre **1** désigne le premier retest de l'échantillon et le chiffre **2**, le second retest de l'échantillon.
- Association du facteur de seuil pertinent

L'échantillon de retest généré automatiquement peut alors être ajouté à une nouvelle plaque d'hybridation en vue du retest. Si la plaque d'hybridation doit être créée à partir du fichier de sortie d'un instrument de pré-analyse, l'ID d'échantillon du fichier de sortie doit être identique à celui qui est généré automatiquement pour le retest. Si les ID d'échantillon ne sont pas identiques, le logiciel du système *digene* HC2 n'associe pas les deux résultats et traite les deux échantillons comme des résultats de test indépendants.

7.13.5 Retest d'un échantillon sur la base de répliqués

Si un échantillon est retesté, deux exemplaires du même échantillon peuvent être traités sur la même plaque sous forme de répliqués. Cela permet de réaliser simultanément le deuxième et le troisième tests et de dériver le résultat final à partir d'un seul dosage. Si les résultats des répliqués sont tous deux positifs, ils sont étiquetés comme finaux. De la même manière, si les résultats des répliqués sont tous deux négatifs, ils sont étiquetés comme finaux.

Si, en revanche, un des échantillons est positif et l'autre négatif, le résultat dérivé final du protocole de dosage consensuel est positif. Le résultat positif est marqué avec l'état « final » et le résultat négatif, avec l'état « preliminary ».

7.14 Création d'échantillons

La méthode utilisée pour créer l'échantillon détermine si son état est « unbound » ou « unassigned ».

Pour créer un échantillon non lié, accédez à la boîte de dialogue **New/Edit Specimens** en cliquant sur le bouton **New...** du volet **Specimens not bound to an assay protocol** dans l'onglet **Assay Protocols**.

Pour créer un échantillon non attribué, accédez à la boîte de dialogue **New/Edit Specimens** de l'une des manières suivantes :

- Dans l'onglet **Plates**, cliquez sur le bouton **New IVD...** pour créer une plaque ou sélectionnez l'ID de protocole de dosage concerné et cliquez sur le bouton **Edit....** La fenêtre **Create/Edit Layout** s'ouvre. Cliquez sur le bouton **New Specimens**.
- Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez l'ID de protocole de dosage pertinent dans la liste et cliquez sur le bouton **Specimens....** La fenêtre **Specimen List** s'ouvre. Cliquez sur le bouton **New....**

7.14.1 Création d'un échantillon à partir d'une commande de test émanant du LIS

Le logiciel du système *digene* HC2 peut recevoir des commandes de tests émanant du LIS pour des échantillons. La communication bidirectionnelle avec le LIS doit être configurée pour qu'un échantillon puisse être créé dans le logiciel du système *digene* HC2. Reportez-vous à « Gestion des paramètres d'exportation des données », page 128, pour plus d'instructions.

Le logiciel du système *digene* HC2 reçoit uniquement les commandes de test d'échantillons et les informations associées relatives au patient et au protocole de dosage. Aucun agencement de plaques n'est reçu. La requête portera sur les commandes de test des 7 derniers jours. Les options du mode de requête sont les suivantes :

- **Manually** — cliquez sur le bouton **Query** dans le volet **Query Status** de l'onglet **Assay Protocols**.
- **Polling** — requête après qu'un intervalle donné est écoulé.
- **Scheduled** — requête à 4 instants indiqués au maximum.

Si l'option **Polling** ou **Scheduled** est configurée, l'échantillon désigné dans les commandes de test est automatiquement inséré dans le logiciel du système *digene* HC2. Si l'option **Manual** est configurée, l'utilisateur doit cliquer sur le bouton **Query** du volet **Query Status** dans l'onglet **Assay Protocols** pour que le logiciel du système *digene* HC2 envoie une requête relative aux

commandes de test. Si le logiciel du système *digene* HC2 est configuré pour les messages de requête Polling ou Scheduled, un utilisateur peut cliquer sur le bouton **Query** du volet **Query Status** dans l'onglet **Assay Protocols** pour envoyer manuellement un message de requête.

Une fois qu'une commande de test a été reçue, le logiciel du système *digene* HC2 vérifie que l'ID d'échantillon n'existe pas déjà dans le logiciel du système *digene* HC2.

Si l'ID d'échantillon n'existe pas, cet ID est créé dans le logiciel du système *digene* HC2. L'échantillon se voit attribuer l'état « unmeasured » et est associé au type d'échantillon par défaut pour le protocole de dosage.

Si l'ID d'échantillon existe dans le logiciel du système *digene* HC2, les informations patient associées à l'échantillon et contenues dans la commande de test sont mises à jour. Reportez-vous à « Création d'un patient à partir d'une commande de test émanant du LIS », page 161, pour plus d'instructions.

7.14.2 Création d'un échantillon individuel

1. Cliquez sur l'onglet **Single ID** du volet **Add specimens** (Ajouter des échantillons).
2. Entrez l'ID d'échantillon dans le champ de dialogue **Specimen ID:**.

Remarques :

- La longueur maximum pour un ID d'échantillon est de 30 caractères.
- Vous pouvez utiliser un lecteur de code-barres portable pour saisir l'ID d'échantillon. Le lecteur de code-barres doit être programmé pour inclure un retour en vue d'une saisie continue.

3. Sélectionnez le type d'échantillon dans la liste déroulante **Specimen**.

Remarque : Cette fonction n'est pas disponible si vous créez un échantillon avec l'état « unbound ».

4. Pour un protocole de dosage non consensuel, sélectionnez le type de seuil dans la liste déroulante **Cutoff Type:**.

Remarque : La liste déroulante **Cutoff Type:** est grisée si vous créez un échantillon ayant l'état « unassigned » pour un protocole de dosage consensuel ou si vous créez un échantillon ayant l'état « unbound ».

5. Cliquez sur le bouton <-- **Add**.

L'échantillon apparaît dans la liste. Vous pouvez ajouter des échantillons supplémentaires en reprenant ces étapes.

6. Si vous avez accédé à la boîte de dialogue **New/Edit Specimens** à partir de la fenêtre **Create/Edit Layout**, sélectionnez le bouton radio pertinent dans le volet **When OK is pressed, add new specimens to**.
7. Cliquez sur **OK**.
Si vous avez sélectionné le bouton radio **Specimens list and plate layout** (Liste des échantillons et agencement des plaques), la boîte de dialogue **Replicates** s'ouvre.
Sélectionnez le bouton radio correspondant au nombre voulu de répliqués et cliquez sur **OK**.

7.14.3 Création d'une série d'échantillons

1. Cliquez sur l'onglet **Series of IDs** du volet **Add specimens**.
2. Dans le champ de dialogue **Root**, saisissez un nom racine inséré au début de chaque ID d'échantillon de la série.
Remarque : La longueur maximum pour un ID d'échantillon est de 30 caractères. La racine associée aux numéros consécutifs ne doit pas dépasser 30 caractères.
3. Dans le champ **Start No.**, saisissez le numéro de début de la série, qui sera ajouté à la racine.
4. Dans le champ **End No.**, saisissez le numéro de fin de la série, qui sera ajouté à la racine.
Remarques :
 - Le numéro de fin doit être supérieur au numéro de début.
 - Si le numéro commence par un zéro, celui-ci est ignoré pendant la création de l'ID d'échantillon.
5. Sélectionnez le type d'échantillon dans la liste déroulante **Specimen**.
Remarque : Cette fonction n'est pas disponible si vous créez un échantillon avec l'état « unbound ».
6. Pour un protocole de dosage non consensuel, sélectionnez le type de seuil dans la liste déroulante **Cutoff Type**.
Remarque : La liste déroulante **Cutoff Type** est grisée si vous créez un échantillon ayant l'état « unassigned » pour un protocole de dosage consensuel ou si vous créez un échantillon ayant l'état « unbound ».
7. Cliquez sur le bouton <-- **Add**.
Les échantillons apparaissent dans la liste. Vous pouvez ajouter des échantillons supplémentaires en reprenant ces étapes.
8. Si vous avez accédé à la boîte de dialogue **New/Edit Specimens** à partir de la fenêtre **Create/Edit Layout**, sélectionnez le bouton radio pertinent dans le volet **When OK is pressed, add new specimens to**.

9. Cliquez sur **OK**.

Si vous avez sélectionné le bouton radio **Specimens list and plate layout**, la boîte de dialogue **Replicates** s'ouvre. Sélectionnez le bouton radio correspondant au nombre voulu de répliqués et cliquez sur **OK**.

7.14.4 Création d'échantillons depuis un fichier texte

Vous pouvez importer plusieurs échantillons depuis un fichier texte. Si vous importez des échantillons ayant l'état « unassigned », le type d'échantillon correspond au type par défaut du protocole de dosage concerné et le type de seuil est primaire. Reportez-vous à « Modification du type d'échantillon par défaut d'un protocole de dosage », page 143, pour plus d'instructions.

Outre la boîte de dialogue **New/Edit Specimens**, vous pouvez utiliser le bouton **Import...** du volet **Specimens not bound to an assay protocol** de l'onglet **Assay Protocols** pour importer des échantillons non liés.

Exigences liées au fichier texte :

- Les ID d'échantillon ne doivent pas comporter plus de 30 caractères et doivent être constitués de caractères alphanumériques et de traits de soulignement ainsi que d'espaces et de tirets, sauf en début et en fin d'ID.

Remarque : Le logiciel du système *digene* HC2 n'importe pas les ID d'échantillon de plus de 30 caractères ou contenant un caractère non valide. Toutefois, tous les autres ID d'échantillon contenus dans le fichier et comportant le nombre correct de caractères sont importés. Une boîte de dialogue s'ouvre et indique de ne saisir que des caractères alphanumériques, des tirets, des traits de soulignement et des espaces.

- Si vous importez un fichier *.txt, le codage du fichier doit être **Unicode**. Si vous utilisez le Bloc-notes, le paramètre de codage peut être modifié au moment de l'enregistrement, dans la liste déroulante **Encoding:** (Encodage) située en regard du bouton **Save**. Si vous utilisez le programme Windows Excel®, sélectionnez **Unicode Text (*.txt)** (Texte Unicode [*.txt]) dans la liste déroulante **Save as type:** (Type) au moment de l'enregistrement.
1. Créez un fichier à l'aide d'un éditeur de texte tel que le programme Bloc-notes de Windows ou d'un tableur tel que le programme Windows Excel.
 2. Saisissez un ID d'échantillon sur chaque ligne et appuyez sur la touche **Entrée** du clavier pour passer à la ligne suivante.
 3. Continuez à saisir les ID d'échantillon jusqu'à ce que la liste soit complète.
 4. Enregistrez le fichier avec l'extension *.txt et un formatage de texte Unicode®.

5. Dans la boîte de dialogue **New/Edit specimens**, cliquez sur l'onglet **Import IDs**, puis sur le bouton **<-Import...**

Une autre solution consiste, dans l'onglet **Assay Protocols** du volet **Specimens not bound to an assay protocol**, à cliquer sur le bouton **Import...**

Une boîte de dialogue des répertoires s'ouvre.

6. Localisez le fichier à importer dans les répertoires et cliquez sur le bouton **Open** (Ouvrir).

Les échantillons apparaissent dans la liste. Vous pouvez ajouter des échantillons supplémentaires en reprenant ces étapes.

7. Si vous ajoutez des échantillons en utilisant la boîte de dialogue **New/Edit Specimens** ouverte à partir de la fenêtre **Create/Edit Layout**, sélectionnez le bouton radio pertinent dans le volet **When OK is pressed, add new specimens to**.

8. Cliquez sur **OK**.

Si vous avez sélectionné le bouton radio **Specimens list and plate layout**, la boîte de dialogue **Replicates** s'ouvre. Sélectionnez le bouton radio correspondant au nombre voulu de répliqués et cliquez sur **OK**.

7.14.5 Copie d'échantillons non liés dans un protocole de dosage

Les échantillons non liés sont affichés dans l'onglet **Assay Protocols** du volet **Specimens not bound to an assay protocol**. Vous pouvez copier un échantillon non lié dans un protocole de dosage. Aucun type d'échantillon n'est défini pour les échantillons non liés. Lorsque l'échantillon est copié dans le protocole de dosage, il se voit attribuer le type d'échantillon par défaut défini par les paramètres du protocole de dosage.

1. Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez un ID d'échantillon dans le volet **Specimens not bound to an assay protocol**, puis cliquez sur le bouton **Copy to...**

La boîte de dialogue **Select Assay Protocol** (Sélectionner un protocole de dosage) s'ouvre.

Remarque : Pour copier plusieurs échantillons, mettez les ID d'échantillon concernés en surbrillance dans la liste et cliquez sur le bouton **Copy to...**

2. Sélectionnez le bouton radio pertinent dans le volet **Protocol Filter**, puis sélectionnez l'ID de protocole de dosage concerné.

3. Cliquez sur **OK**.

Cliquez sur la réponse pertinente si une boîte de dialogue s'ouvre.

Les échantillons sélectionnés sont copiés dans le protocole de dosage sélectionné et sont affichés dans la liste des échantillons non attribués du protocole de dosage.

7.14.6 Copie d'échantillons d'un protocole de dosage à un autre

Vous pouvez copier un échantillon d'un protocole de dosage dans un autre protocole de dosage. Si le type d'échantillon n'est pas défini pour cet échantillon ou si le type d'échantillon défini n'est pas disponible pour le protocole de dosage, l'échantillon copié prendra le type par défaut, tel que défini par les paramètres du protocole de dosage.

1. Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez un ID de protocole de dosage dans le volet **IVD Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **Specimens....**

La fenêtre **Specimen List** s'ouvre.

2. Cochez les cases pertinentes du volet **Filter by Specimen Status** pour filtrer les échantillons affichés.

Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **Specimen List** », page 80, pour plus d'instructions.

3. Sélectionnez un ID d'échantillon dans la liste et cliquez sur le bouton **Copy to....**

La boîte de dialogue **Select Assay Protocol** s'ouvre.

Remarque : Pour copier plusieurs échantillons, mettez les ID d'échantillon concernés en surbrillance dans la liste et cliquez sur le bouton **Copy to....**

4. Sélectionnez le bouton radio pertinent dans le volet **Protocol Filter**, puis sélectionnez l'ID de protocole de dosage concerné.

5. Cliquez sur **OK**.

Cliquez sur la réponse pertinente si une boîte de dialogue s'ouvre.

Les échantillons sélectionnés sont copiés dans le protocole de dosage sélectionné et sont affichés dans la liste des échantillons non attribués du protocole de dosage.

6. Cliquez sur **OK** pour fermer la fenêtre **Specimen List**.

7.15 Visualisation des informations relatives à l'échantillon

Vous pouvez visualiser les informations relatives à un échantillon pour un protocole de dosage dans la fenêtre **Specimen List**.

1. Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez un ID de protocole de dosage dans le volet **IVD Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **Specimens....**

La fenêtre **Specimen List** s'ouvre.

2. Cochez les cases pertinentes du volet **Filter by Specimen Status** pour filtrer les échantillons affichés.

Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **Specimen List** », page 80, pour plus d'instructions.

3. Cliquez sur **OK** pour fermer la fenêtre **Specimen List**.

7.16 Modification des informations relatives à l'échantillon

Vous pouvez modifier les informations relatives aux échantillons dans la boîte de dialogue **Edit Specimen**, **Edit Multiple Specimens**, **New/Edit Specimens** ou **Edit Unbound Specimen**. Les modifications apportées à un échantillon font l'objet d'un suivi et sont consultables dans le rapport d'historique de l'échantillon. Les informations relatives à un échantillon qui peuvent être modifiées dépendent du type de protocole de dosage et de l'état de l'échantillon.

7.16.1 Modification d'un seul échantillon dans la boîte de dialogue **Edit Specimen**

La boîte de dialogue **Edit Specimens** est accessible à partir de la fenêtre **Create/Edit Layout** ou de la fenêtre **Specimen List**. Pour accéder à la fenêtre **Create/Edit Layout**, reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **Create/Edit Layout** (Créer/Modifier l'agencement) », page 41, afin d'obtenir des instructions supplémentaires. Pour accéder à la fenêtre **Specimen List**, reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **Specimen List** », page 80, afin d'obtenir des instructions supplémentaires. Le tableau suivant décrit les champs qui peuvent être modifiés pour un seul échantillon dans la boîte de dialogue **Edit Specimen**.

Type de protocole de dosage	État de l'échantillon	Champs modifiables
Sans objet	Unbound	Patient ID; , Date Collected et Comment:
Consensuel	Unassigned ou Unmeasured	Specimen ID , Patient ID: , Specimen , Date Collected et Comment:
Consensuel	Measured	Patient ID: , Date Collected et Comment:
Consensuel	Retest	Patient ID , Date Collected et Comment:
Non consensuel	Unassigned ou Unmeasured	Specimen ID , Patient ID: , Specimen , Date Collected , Comment: et Qualitative cutoff
Non consensuel	Measured	Patient ID: , Date Collected et Comment:

1. Si vous utilisez la fenêtre **Create/Edit Layout**, sélectionnez la cellule pertinente dans la grille d'agencement des plaques contenant l'échantillon et cliquez sur le bouton **Edit Specimen...** dans le volet **Actions on plate**.

Si vous utilisez la fenêtre **Specimen List**, sélectionnez l'échantillon pertinent dans la liste et cliquez sur le bouton **Edit...** Vous pouvez également double-cliquer sur un ID d'échantillon dans la liste.

La boîte de dialogue **Edit Specimen** s'ouvre.

2. Dans la boîte de dialogue **Edit Specimen**, modifiez les paramètres souhaités.
Reportez-vous à « Utilisation des boîtes de dialogue **Edit Specimen** et **Edit Multiple Specimens** (Modifier plusieurs échantillons) », page 57, pour plus d'instructions.
3. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Edit Specimen** se ferme.

Remarque : Les modifications sont appliquées aux deux réplicats d'un échantillon.

7.16.2 Modification de plusieurs échantillons dans la boîte de dialogue **Edit Multiple Specimens**

Vous pouvez accéder à la boîte de dialogue **Edit Multiple Specimens** depuis la fenêtre **Specimen List**. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **Specimen List** », page 80, pour obtenir des informations supplémentaires. Le tableau suivant décrit les champs qui peuvent être modifiés pour plusieurs échantillons dans la boîte de dialogue **Edit Multiple Specimen**.

Type de protocole de dosage	État de l'échantillon	Champs modifiables
Sans objet	Unbound	Comment:
Consensuel	Unassigned ou Unmeasured	Specimen, Date Collected et Comment:
Consensuel	Measured	Patient ID:, Date Collected et Comment:
Consensuel	Retest	Date Collected et Comment:
Non consensuel	Unassigned ou Unmeasured	Specimen, Date Collected, Comment: et Qualitative cutoff
Non consensuel	Measured	Date Collected et Comment:

1. Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez l'ID de protocole de dosage pertinent dans le volet **IVD Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **Specimens...**

La fenêtre **Specimen List** s'ouvre.

2. Cochez les cases pertinentes du volet **Filter by Specimen Status** pour filtrer la liste des échantillons affichée.

Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **Specimen List** », page 80, pour plus d'instructions.

3. Dans la liste des échantillons, sélectionnez les échantillons à modifier et cliquez sur le bouton **Edit...**

La boîte de dialogue **Edit Multiple Specimens** s'ouvre.

4. Modifiez les paramètres concernés.

Reportez-vous à « Utilisation des boîtes de dialogue **Edit Specimen et Edit Multiple Specimens** (Modifier plusieurs échantillons) », page 57, pour plus d'instructions.

5. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Edit Multiple Specimens** se ferme.

6. Cliquez sur **OK** pour fermer la fenêtre **Specimen List**.

7.16.3 Modification d'un ou de plusieurs échantillons dans la boîte de dialogue **Edit Unbound Specimen**

Si vous utilisez la boîte de dialogue **Edit Unbound Specimen** pour modifier des échantillons, vous pouvez modifier les champs **Patient ID**, **Date Collected** et **Comment**:

1. Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez le ou les ID d'échantillon pertinents dans le volet **Specimens not bound to an assay protocol**, puis cliquez sur le bouton **Edit...**

La boîte de dialogue **Edit Unbound Specimen** s'ouvre.

2. Modifiez les paramètres concernés.
3. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Edit Unbound Specimen** se ferme.

7.16.4 Modification d'un seul échantillon dans la boîte de dialogue **New/Edit Specimens**

Ouvrez la boîte de dialogue **New/Edit Specimens** à partir de la fenêtre **Create/Edit Layout** ou de la fenêtre **Specimen List**. Pour accéder à la fenêtre **Create/Edit Layout**, reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **Create/Edit Layout** (Créer/Modifier l'agencement) », page 41, afin d'obtenir des instructions supplémentaires. Pour accéder à la fenêtre **Specimen List**, reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **Specimen List** », page 80, afin d'obtenir des instructions supplémentaires.

Le tableau suivant décrit les champs qui peuvent être modifiés pour un seul échantillon dans la boîte de dialogue **New/Edit Specimens**. Si un échantillon ne remplit pas les conditions de modification dans la boîte de dialogue **New/Edit Specimens**, un message d'erreur s'affiche.

Type de protocole de dosage	État de l'échantillon	Champs modifiables
Sans objet	Unbound	Aucun
Consensuel	Unassigned	Specimen
Consensuel	Unmeasured ou Measured	Aucun
Consensuel	Retest	Aucun
Non consensuel	Unassigned	Specimen et Cutoff Type:
Non consensuel	Unmeasured ou Measured	Aucun
Consensuel ou non consensuel	Invalid ou Unclear	Aucun

1. Cliquez sur l'onglet **Single ID** du volet **Add specimens**.
2. Entrez l'ID d'échantillon dans le champ de dialogue **Specimen ID:**.

Remarques :

- La longueur maximum pour un ID d'échantillon est de 30 caractères.
- Vous pouvez utiliser un lecteur de code-barres portable pour saisir l'ID d'échantillon. Le lecteur de code-barres doit être programmé pour inclure un retour en vue d'une saisie continue.

3. Sélectionnez le type d'échantillon dans la liste déroulante **Specimen**.
4. Pour un protocole de dosage non consensuel, sélectionnez le type de seuil dans la liste déroulante **Cutoff Type:**.

Remarque : La liste déroulante **Cutoff Type** est grisée si vous modifiez un échantillon ayant l'état « unassigned » pour un protocole de dosage consensuel ou si vous modifiez un échantillon ayant l'état « unbound ».

5. Cliquez sur le bouton <-- **Add**.

L'échantillon apparaît dans la liste. Vous pouvez modifier des échantillons supplémentaires en reprenant ces étapes.

6. Si vous avez accédé à la boîte de dialogue **New/Edit Specimens** à partir de la fenêtre **Create/Edit Layout**, sélectionnez le bouton radio pertinent dans le volet **When OK is pressed, add new specimens to:**.
7. Cliquez sur **OK**.

Si vous avez sélectionné le bouton radio **Specimens list and plate layout**, la boîte de dialogue **Replicates** s'ouvre. Sélectionnez le bouton radio correspondant au nombre voulu de répliqués et cliquez sur **OK**.

7.16.5 Modification de plusieurs échantillons dans la boîte de dialogue **New/Edit Specimens**

Ouvrez la boîte de dialogue **New/Edit Specimens** à partir de la fenêtre **Create/Edit Layout** ou de la fenêtre **Specimen List**. Pour accéder à la fenêtre **Create/Edit Layout**, reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **Create/Edit Layout** (Créer/Modifier l'agencement) », page 41, afin d'obtenir des instructions supplémentaires. Pour accéder à la fenêtre **Specimen List**, reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **Specimen List** », page 80, afin d'obtenir des instructions supplémentaires.

Le tableau suivant décrit les champs qui peuvent être modifiés pour plusieurs échantillons dans la boîte de dialogue **New/Edit Specimens**. Si un échantillon ne remplit pas les conditions de modification dans la boîte de dialogue **New/Edit Specimens**, un message d'erreur s'affiche.

Type de protocole de dosage	État de l'échantillon	Champs modifiables
Sans objet	Unbound	Aucun
Consensuel	Unassigned	Specimen
Consensuel	Unmeasured ou Measured	Aucun
Consensuel	Retest	Aucun
Non consensuel	Unassigned	Specimen et Cutoff Type:

Type de protocole de dosage	État de l'échantillon	Champs modifiables
Non consensuel	Unmeasured ou Measured	Aucun
Consensuel ou non consensuel	Invalid ou Unclear	Aucun

1. Cliquez sur l'onglet **Series of IDs** du volet **Add specimens**.
2. Dans le champ de dialogue **Root:**, saisissez le nom de la racine qui se trouve au début de chaque ID d'échantillon dans la série.
3. Dans le champ de dialogue **Start No.:**, saisissez le numéro de début de la série.
4. Dans le champ de dialogue **End No.:**, saisissez le numéro de fin de la série.
5. Sélectionnez le type d'échantillon dans la liste déroulante **Specimen**.

Remarque : Cette fonction n'est pas disponible si vous modifiez un échantillon avec l'état « unbound ».

6. Pour un protocole de dosage non consensuel, sélectionnez le type de seuil dans la liste déroulante **Cutoff Type:**.

Remarque : La liste déroulante **Cutoff Type:** est grisée si vous modifiez un échantillon ayant l'état « unassigned » pour un protocole de dosage consensuel ou si vous modifiez un échantillon ayant l'état « unbound ».

7. Cliquez sur le bouton <-- **Add**.

Les échantillons apparaissent dans la liste. Vous pouvez modifier des échantillons supplémentaires en reprenant ces étapes.

Si vous avez accédé à la boîte de dialogue **New/Edit Specimens** à partir de la fenêtre **Create/Edit Layout**, sélectionnez le bouton radio pertinent dans le volet **When OK is pressed, add new specimens to:**.

8. Cliquez sur **OK**.

Si vous avez sélectionné le bouton radio **Specimens list and plate layout**, la boîte de dialogue **Replicates** s'ouvre. Sélectionnez le bouton radio correspondant au nombre voulu de répliqués et cliquez sur **OK**.

7.17 Impression ou enregistrement de la liste des échantillons

1. Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez un ID de protocole de dosage dans le volet **IVD Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **Specimens....**

La fenêtre **Specimen List** s'ouvre.

2. Cochez les cases pertinentes du volet **Filter by Specimen Status** pour filtrer la liste des échantillons affichée.

Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **Specimen List** », page 80, pour plus d'instructions.

3. Cliquez sur le bouton **Print List...**

La fenêtre **QIAGEN Report Viewer** affiche la liste. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **QIAGEN Report Viewer** », page 114, pour plus d'instructions.

7.17.1 Impression de la liste des échantillons non attribués

Vous pouvez imprimer la liste des échantillons non attribués associés à un protocole de dosage. Cette liste peut contenir des échantillons non attribués primaires (échantillons qui n'ont pas été testés), de retest (échantillons nécessitant des tests supplémentaires pour l'obtention d'un résultat final) ou primaires et de retest.

1. Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez un ID de protocole de dosage dans le volet **IVD Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **Worklist Export...**

La boîte de dialogue **Worklist Export** s'ouvre.

2. Dans les champs de dialogue **Start Date** et **End Date**:, saisissez la période pertinente.
3. Sélectionnez le bouton radio **Primary Only, by entry date** (Primaires uniquement, par date de saisie), **Retest Only, by measured date** (Retest uniquement, par date de mesure) ou **Primary and Retest Combined** (Primaires et retest associés) pour définir les échantillons à inclure.
4. Cliquez sur le bouton **Print**.

La fenêtre **QIAGEN Report Viewer** affiche la liste. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **QIAGEN Report Viewer** », page 114, pour plus d'instructions.

7.18 Exportation des échantillons non attribués

Vous pouvez exporter les échantillons non attribués associés à un protocole de dosage vers un fichier *.xml. Le fichier exporté peut contenir des échantillons non attribués primaires (échantillons qui n'ont pas été testés), de retest (échantillons nécessitant des tests supplémentaires pour l'obtention d'un résultat final) ou primaires et de retest.

1. Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez un ID de protocole de dosage dans le volet **IVD Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **Worklist Export...**

La boîte de dialogue **Worklist Export** s'ouvre.

2. Dans les champs de dialogue **Start Date:** et **End Date:**, saisissez la période pertinente.
3. Sélectionnez le bouton radio **Primary Only, by entry date, Retest Only, by measured date** ou **Primary and Retest Combined** pour définir les échantillons à inclure dans le fichier.
4. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Save File As** s'ouvre.

5. Dans l'arborescence des répertoires, accédez à l'emplacement d'enregistrement du fichier.
6. Modifiez le nom du fichier dans le champ de dialogue **File Name:**, s'il y a lieu.

Remarque : Le format du nom de fichier par défaut associe le protocole de dosage et la plage de dates indiquée.

7. Cliquez sur le bouton **Save**.

Le fichier est enregistré et une boîte de dialogue s'ouvre. Elle affiche des informations sur le nombre d'échantillons exportés.

8. Cliquez sur **OK**.

7.19 Suppression d'échantillons

Vous pouvez supprimer un échantillon ayant l'état « unbound », « unassigned » ou « unmeasured ». Le logiciel du système *digene* HC2 interdit aux utilisateurs de supprimer les échantillons dont l'état est « measured » ou les échantillons créés dans le cadre de l'algorithme de retest.

7.19.1 Suppression d'un échantillon non lié

La suppression des échantillons non liés ne supprime pas les échantillons non attribués qui ont été créés sur la base de ces échantillons non liés.

1. Dans l'onglet **Assay Protocols**, mettez en surbrillance l'ID d'échantillon pertinent dans le volet **Specimens not bound to an assay protocol**, puis cliquez sur le bouton **Delete**.

Remarque : Pour supprimer plusieurs ID d'échantillon, mettez-les en surbrillance dans la liste et cliquez sur le bouton **Delete**.

Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la suppression du ou des échantillons.

2. Sélectionnez la réponse pertinente pour confirmer la suppression du ou des échantillons.
La boîte de dialogue se ferme et les échantillons sont supprimés de la liste.

7.19.2 Suppression d'un échantillon dans la fenêtre **Specimen List**

1. Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez un ID de protocole de dosage dans le volet **IVD Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **Specimens....**

La fenêtre **Specimen List** s'ouvre.

2. Cochez les cases pertinentes du volet **Filter by Specimen Status** pour filtrer la liste des échantillons affichée.

Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **Specimen List** », page 80, pour plus d'instructions.

3. Dans la liste des échantillons, sélectionnez l'ID d'échantillon à supprimer et cliquez sur le bouton **Delete**.

Remarque : Pour supprimer plusieurs échantillons, mettez les ID d'échantillon concernés en surbrillance dans la liste et cliquez sur le bouton **Delete**.

Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la suppression du ou des échantillons.

4. Dans la boîte de dialogue qui s'ouvre, sélectionnez la réponse pertinente pour confirmer la suppression du ou des échantillons.

La boîte de dialogue **Delete Specimen?** (Supprimer l'échantillon ?) s'ouvre.

5. Saisissez un commentaire (facultatif) et cliquez sur **OK**.

Remarque : Le commentaire et toutes les informations relatives à l'échantillon sont supprimés et ne peuvent ni être récupérés ni être visualisés.

La boîte de dialogue se ferme et les échantillons sont supprimés de la liste.

6. Cliquez sur **OK** pour fermer la fenêtre **Specimen List**.

7.19.3 Suppression d'un échantillon dans la fenêtre **Create/Edit Layout**

Pour accéder à la fenêtre **Create/Edit Layout**, reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **Create/Edit Layout** (Créer/Modifier l'agencement) », page 41, afin d'obtenir des instructions supplémentaires.

1. Dans la fenêtre **Create/Edit Layout**, sélectionnez l'ID d'échantillon concerné dans le volet **Unassigned specimens**.

Remarque : Pour supprimer plusieurs échantillons, mettez en surbrillance les ID d'échantillon pertinents dans la liste.

2. Cliquez sur le bouton **Delete**.

Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la suppression du ou des échantillons.

3. Cliquez sur la réponse pertinente pour confirmer la suppression du ou des échantillons.

La boîte de dialogue se ferme et les échantillons sont supprimés de la liste.

4. Cliquez sur le bouton **Save** pour fermer la fenêtre **Create/Edit Layout**.

7.20 Gestion des patients

Les informations du patient sont gérées en fonction de l'ID de patient. Les résultats du patient sont utilisés pour établir des rapports sur les tendances, s'il y a lieu. Vous pouvez associer un nombre illimité de commentaires à un ID de patient. Les commentaires sont stockés par date. La gestion des patients est effectuée dans l'onglet **Patients**. Reportez-vous à « Utilisation de l'onglet **Patients** », page 85, pour obtenir des informations supplémentaires.

7.20.1 Création d'un patient à partir d'une commande de test émanant du LIS

Le logiciel du système *digene* HC2 peut recevoir des commandes de tests émanant du LIS pour des échantillons. Les informations relatives au patient peuvent être transmises avec la commande de test. Ces informations sont associées à l'ID d'échantillon. Les informations relatives au patient ne peuvent pas être transmises indépendamment d'un échantillon. Reportez-vous à « Création d'un échantillon à partir d'une commande de test émanant du LIS », page 146, pour obtenir des informations supplémentaires.

Si un patient est associé à un échantillon pour une commande de test, le logiciel du système *digene* HC2 vérifie que l'ID de patient n'existe pas déjà dans le logiciel du système *digene* HC2. Si ce patient existe, les informations envoyées dans la commande de test remplacent les informations actuellement associées au patient, à l'exception de l'ID de patient. Si un champ particulier n'est pas inclus dans la commande de test, les informations associées au patient ne

sont pas modifiées. Si un des champs contient des guillemets (""), les informations associées au patient sont supprimées.

Si le patient n'existe pas, un patient est créé dans le logiciel du système *digene* HC2, avec les informations envoyées dans la commande de test.

Une fois les informations du patient mises à jour ou créées, le patient est automatiquement associé à l'échantillon pertinent inclus dans la commande de test.

7.20.2 Création d'un patient

1. Dans l'onglet **Patients**, cliquez sur le bouton **New...**

La boîte de dialogue **Patient ID Entry** s'ouvre.

2. Entrez l'ID de patient dans le champ de dialogue **Enter new Patient ID:** (Saisir un nouvel identifiant utilisateur:) et cliquez sur **OK**.

Remarque : La longueur de l'ID de patient ne doit pas excéder 20 caractères.

La boîte de dialogue **Edit Patient** s'ouvre.

3. Saisissez les informations pertinentes pour les paramètres dans les champs de dialogue.

Remarque : Les champs de dialogue **First name:**, **Last name:** et **Physician Name** (Nom du médecin) sont limités à 20 caractères. La longueur du champ de dialogue **Medications** (Médicaments) ne doit pas excéder 100 caractères.

4. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Edit Patient** se ferme et l'ID de patient est affiché dans la liste de l'onglet **Patients**.

7.20.3 Visualisation des informations relatives au patient

La boîte de dialogue **Specimens** accessible à partir de l'onglet **Patients** permet de consulter les échantillons associés à un patient. Pour consulter les informations relatives à un patient, cliquez sur le bouton **Specimens...**, consultez les informations, puis cliquez sur **OK** pour fermer la boîte de dialogue **Specimens**.

7.20.4 Modification des informations relatives au patient

1. Dans l'onglet **Patients**, sélectionnez l'ID de patient pertinent dans la liste et cliquez sur le bouton **Edit...**

La boîte de dialogue **Edit Patient** s'ouvre.

2. Modifiez les paramètres pertinents dans les champs de dialogue.
3. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Edit Patient** se ferme et les informations du patient sont mises à jour.

7.20.5 Création d'un commentaire sur le patient

1. Dans l'onglet **Patients**, sélectionnez l'ID de patient pertinent dans la liste et cliquez sur le bouton **Comments...**

La boîte de dialogue **Patient Comments** s'ouvre.

2. Cliquez sur le bouton **New...**

La boîte de dialogue **Edit Patient Comment** (Modifier un commentaire sur le patient) s'ouvre.

3. Dans le champ de dialogue **Date**, saisissez la date pertinente pour le commentaire.
4. Dans le champ de dialogue **Comment**, saisissez le commentaire.

Remarque : La longueur du commentaire ne peut pas excéder 100 caractères.

5. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Edit Patient Comment** se ferme. Le commentaire est affiché dans la liste, dans la boîte de dialogue **Patient Comment**.

6. Cliquez sur le bouton **Close**.

La boîte de dialogue **Patient Comments** se ferme.

7.20.6 Modification d'un commentaire sur le patient

1. Dans l'onglet **Patients**, sélectionnez l'ID de patient pertinent dans la liste et cliquez sur le bouton **Comments...**

La boîte de dialogue **Patient Comments** s'ouvre.

2. Sélectionnez la date pertinente du commentaire dans la liste et cliquez sur le bouton **Edit...**

La boîte de dialogue **Edit Patient Comment** s'ouvre.

3. Modifiez les paramètres du commentaire.

Remarque : La longueur du commentaire ne peut pas excéder 100 caractères.

4. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Edit Patient Comment** se ferme. Le commentaire est mis à jour dans la liste, dans la boîte de dialogue **Patient Comment**.

5. Cliquez sur le bouton **Close**.

La boîte de dialogue **Patient Comments** se ferme.

7.20.7 Suppression d'un commentaire sur le patient

1. Dans l'onglet **Patients**, sélectionnez l'ID de patient pertinent dans la liste et cliquez sur le bouton **Comments...**

La boîte de dialogue **Patient Comments** s'ouvre.

2. Sélectionnez la date pertinente du commentaire dans la liste et cliquez sur le bouton **Delete**.

Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la suppression du commentaire.

3. Cliquez sur **Yes**.

La boîte de dialogue se ferme. Le commentaire est supprimé de la liste, dans la boîte de dialogue **Patient Comment**.

4. Cliquez sur le bouton **Close**.

La boîte de dialogue **Patient Comments** se ferme.

7.20.8 Suppression d'un ID de patient

La suppression d'un ID de patient n'influe pas sur les résultats des échantillons associés à cet ID.

1. Dans l'onglet **Patients**, sélectionnez l'ID de patient pertinent dans la liste et cliquez sur le bouton **Delete**.

Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la suppression du commentaire.

2. Cliquez sur **Yes**.

La boîte de dialogue se ferme et l'ID de patient est supprimé de la liste dans l'onglet **Patients**.

7.21 Gestion des lots de kits

Chaque kit de test est doté d'un numéro de lot qui fait office d'identifiant unique et assure la traçabilité du kit de test. Le lot d'un kit et une date d'expiration doivent être associés à une plaque pour qu'elle puisse être mesurée.

Le logiciel du système *digene* HC2 affiche une boîte de dialogue d'avertissement si le lot du kit a expiré. Une boîte de dialogue d'avertissement est également affichée si le lot d'un kit ajouté à une plaque arrive à expiration 2 jours plus tard. Malgré l'affichage de l'avertissement, l'utilisateur peut décider de mesurer la plaque avec le lot du kit arrivé à expiration.

Les lots de kits sont gérés dans la boîte de dialogue **Kit Lot Number Entry**. Vous pouvez accéder à la boîte de dialogue **Kit Lot Number Entry** des manières suivantes :

- En sélectionnant un ID de protocole de dosage dans le volet **IVD Assay Protocols** de l'onglet **Assay Protocols** et en cliquant sur le bouton **Kit Lots...**
- En utilisant la boîte de dialogue **Header Information** qui apparaît lorsqu'un protocole de dosage est associé à une plaque et en cliquant sur le bouton **Kit Lots...** Pour accéder à la boîte de dialogue **Header Information**, reportez-vous à « Utilisation de la boîte de dialogue **Header Information** (Informations d'en-tête) », page 49, afin d'obtenir des instructions supplémentaires.

7.21.1 Création du lot d'un kit

1. Dans la boîte de dialogue **Kit Lot Number Entry**, cliquez sur le bouton **New....**

La boîte de dialogue **Create Kit Lot** (Créer le lot du kit) s'ouvre.

2. Saisissez le numéro de lot du nouveau kit dans le champ de dialogue **Kit Lot Number:**.

Remarque : Le champ de dialogue **Kit Lot Number:** ne doit pas contenir plus de 10 caractères.

3. Saisissez la date d'expiration du nouveau kit dans le champ de dialogue **Expiration Date:**.

Remarque : Le format du champ **Expiration Date** est MM/JJ/AAAA. Le logiciel du système *digene* HC2 définit la date d'expiration du lot d'un kit à 00:00 (minuit) le jour qui suit la date de saisie. Par exemple, le lot d'un kit comportant le 03/29/2007 comme date d'expiration arrivera à échéance à 00:00 (minuit) le 03/30/2007.

4. Cliquez sur **OK**.

Le nouveau lot du kit est affiché dans la liste.

5. Cliquez sur le bouton **Close**.

7.21.2 Modification des paramètres du lot du kit

Une fois créées, les informations relatives au lot d'un kit ne peuvent plus être modifiées. Pour modifier les paramètres du lot d'un kit, supprimez ce lot et ajoutez le lot du kit doté des paramètres adéquats.

7.21.3 Suppression du lot d'un kit

La suppression du lot d'un kit retire le numéro de lot du kit de la liste des lots de kits associés à un protocole de dosage. Une fois supprimé, le lot du kit ne peut pas être ajouté à une plaque. Toutefois, cela n'a aucun impact sur les plaques précédemment créées qui contiennent le numéro de lot du kit supprimé. Le numéro de lot du kit supprimé est conservé dans les informations de la plaque.

Pour retirer le lot d'un kit supprimé d'une plaque précédemment créée, cliquez sur le bouton **Edit Header...** dans la fenêtre **Create/Edit Layout** et sélectionnez le lot d'un autre kit dans la liste déroulante **Kit Lot Number**. Reportez-vous à « Utilisation de la boîte de dialogue **Header Information** (Informations d'en-tête) », page 49, pour plus d'instructions.

1. Dans la boîte de dialogue **Kit Lot Number Entry**, sélectionnez le numéro de lot du kit à supprimer et cliquez sur le bouton **Delete**.

Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la suppression du lot du kit.

2. Cliquez sur la réponse pertinente pour confirmer la suppression du lot du kit.

La boîte de dialogue se ferme et le lot du kit est supprimé de la liste.

3. Cliquez sur le bouton **Close**.

7.21.4 Impression ou enregistrement des informations sur les lots de kits

Dans la boîte de dialogue **Kit Lot Number Entry**, cliquez sur le bouton **Print List...** La fenêtre **QIAGEN Report Viewer** s'ouvre. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **QIAGEN Report Viewer** », page 114, pour plus d'instructions.

7.22 Gestion des contrôles de qualité

Un contrôle de qualité est systématiquement associé à un protocole de dosage. L'ID de contrôle de qualité doit être unique pour le protocole de dosage associé. Toutefois, des protocoles de dosage différents peuvent utiliser les mêmes ID de contrôle de qualité.

Les protocoles de dosage du système *digene* HC2 contiennent des contrôles de qualité obligatoires qui ne peuvent pas être supprimés. Les seuls paramètres des contrôles de qualité obligatoires que vous pouvez modifier sont le numéro de lot et la date d'expiration.

Vous pouvez créer des contrôles de qualité facultatifs pour un protocole de dosage du système *digene* HC2. Les contrôles de qualité facultatifs peuvent être modifiés ou supprimés.

Les paramètres du protocole de dosage indiquent le nombre de contrôles de qualité requis sur la plaque pour qu'elle puisse être mesurée. Dans la boîte de dialogue **View IVD Assay Protocol**, le champ de dialogue **No. of required QCs** affiche le nombre de contrôles de qualité obligatoires pour le protocole de dosage. La case **Automatically set for use in validation when added to a plate layout** doit être cochée en regard d'un nombre de contrôles de qualité équivalent au nombre de contrôles de qualité obligatoires. Reportez-vous à « Visualisation des informations des protocoles de dosage », page 139, pour plus d'instructions.

Les contrôles de qualité ont une date d'expiration et le logiciel du système *digene* HC2 affiche une boîte de dialogue d'avertissement si le contrôle de qualité est arrivé à expiration. Une boîte de dialogue d'avertissement est également affichée si un contrôle de qualité ajouté à une plaque arrive à expiration 2 jours plus tard. Malgré l'affichage de l'avertissement, l'utilisateur peut décider de mesurer la plaque avec des contrôles de qualité arrivés à expiration.

Les contrôles de qualité sont gérés depuis la boîte de dialogue **Quality Control List**. Reportez-vous à « Utilisation de la boîte de dialogue **Quality Control List** », page 77, pour obtenir des informations supplémentaires.

7.22.1 Création d'un contrôle de qualité facultatif

1. Dans la boîte de dialogue **Quality Control List**, cliquez sur le bouton **New....**

La boîte de dialogue **QC ID Entry** s'ouvre.

2. Saisissez un ID de contrôle de qualité unique dans le champ **Enter new QC ID:** (Saisir un nouvel ID de CQ).

Remarque : La longueur maximale autorisée est de 20 caractères.

3. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Create Quality Control** (Créer un contrôle de qualité) s'ouvre.

4. Saisissez les paramètres souhaités dans les champs de dialogue **Lot Number:** (Numéro de lot), **Minimum RLU/CO:** (RLU/CO minimum), **Maximum RLU/CO:** (RLU/CO maximum) et **Maximum %CV:** (% CV maximum).

Remarque : Le champ **Lot Number:** ne doit pas contenir plus de 10 caractères.

5. Sélectionnez la date d'expiration dans la liste déroulante du champ **Expiration Date:**.

Remarque : Le format du champ **Expiration Date:** est MM/JJ/AAAA.

6. Pour inclure le contrôle de qualité dans une validation de dosage lorsqu'il est ajouté à la plaque, cochez la case **Automatically set for use in validation when added to a plate layout**.

Remarque : Lorsque la case **Automatically set for use in validation when added to a plate layout** est cochée, la lettre **V** est affichée pour le contrôle de qualité dans la cellule de la grille d'agencement des plaques lorsqu'il est ajouté à une plaque.

7. Cliquez sur **OK**.

Le contrôle de qualité créé apparaît dans la liste de la boîte de dialogue **Quality Control List**.

8. Cliquez sur le bouton **Close** pour quitter la boîte de dialogue **Quality Control List**.

7.22.2 Modification d'un contrôle de qualité obligatoire

La modification des paramètres d'un contrôle de qualité n'est pas répercutée sur les paramètres des contrôles de qualité précédemment associés à une plaque.

Pour appliquer les modifications apportées à un contrôle de qualité aux contrôles de qualité précédemment associés à une plaque, cliquez sur le bouton **Update QCs...** dans le volet **Quality Controls** de la fenêtre **Create/Edit Layout** pour la plaque. Cliquez sur le bouton pertinent pour confirmer la mise à jour.

1. Dans la boîte de dialogue **Quality Control List**, sélectionnez l'ID de contrôle de qualité à modifier, puis cliquez sur le bouton **Edit...** Vous pouvez aussi double-cliquer sur l'ID de contrôle de qualité.

Une boîte de dialogue indique que les modifications apportées au contrôle de qualité n'auront aucun impact sur les contrôles de qualité déjà associés à une plaque.

2. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Edit Quality Control** s'ouvre.

3. Modifiez les paramètres du contrôle de qualité et cliquez sur **OK**.

Remarque : Vous pouvez modifier seulement les champs de dialogue **Lot Number:** et **Expiration Date:** pour les contrôles de qualité requis pour un protocole de dosage du système *digene* HC2.

4. Cliquez sur le bouton **Close** pour quitter la boîte de dialogue **Quality Control List**.

7.22.3 Modification d'un contrôle de qualité facultatif

La modification des paramètres d'un contrôle de qualité n'est pas répercutée sur les paramètres des contrôles de qualité précédemment associés à une plaque. Pour appliquer les modifications apportées à un contrôle de qualité aux contrôles de qualité précédemment associés à une plaque, cliquez sur le bouton **Update QCs...** dans le volet **Quality Controls** de la fenêtre

Create/Edit Layout pour la plaque. Cliquez sur le bouton pertinent pour confirmer la mise à jour.

1. Dans la boîte de dialogue **Quality Control List**, sélectionnez l'ID de contrôle de qualité à modifier, puis cliquez sur le bouton **Edit....** Vous pouvez aussi double-cliquer sur l'ID de contrôle de qualité.

Une boîte de dialogue indique que les modifications apportées au contrôle de qualité n'auront aucun impact sur les contrôles de qualité déjà associés à une plaque.

2. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Edit Quality Control** s'ouvre.

3. Modifiez les paramètres du contrôle de qualité et cliquez sur **OK**.
4. Cliquez sur le bouton **Close** pour quitter la boîte de dialogue **Quality Control List**.

7.22.4 Suppression d'un contrôle de qualité facultatif

La suppression d'un contrôle de qualité entraîne son retrait de la liste des contrôles de qualité associés à un protocole de dosage. Une fois supprimé, le contrôle de qualité ne peut pas être ajouté à une plaque. Toutefois, cela n'a aucun impact sur les plaques précédemment créées qui contiennent le contrôle de qualité supprimé. Le contrôle de qualité supprimé est conservé sur la grille d'agencement des plaques, même si vous cliquez sur le bouton **Update QCs....**

Pour retirer un contrôle de qualité supprimé d'une plaque précédemment créée, sélectionnez le contrôle de qualité dans la grille d'agencement des plaques et cliquez sur le bouton **Remove**.

Les contrôles de qualité requis par un protocole de dosage du système *digene* HC2 ne peuvent pas être supprimés.

1. Dans la boîte de dialogue **Quality Control List**, sélectionnez un ID de contrôle de qualité.
2. Cliquez sur le bouton **Delete**.

Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la suppression du contrôle de qualité.

Remarque : Si le contrôle de qualité est requis par un protocole de dosage du système *digene* HC2, une boîte de dialogue s'ouvre et indique que le contrôle de qualité ne peut pas être supprimé.

3. Cliquez sur **Yes**.

Le contrôle de qualité est retiré de la liste dans la boîte de dialogue **Quality Control List**.

4. Cliquez sur le bouton **Close**.

7.22.5 Impression ou enregistrement de la liste des contrôles de qualité

Dans la boîte de dialogue **Quality Control List**, cliquez sur le bouton **Print List...** La fenêtre **QIAGEN Report Viewer** s'ouvre. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **QIAGEN Report Viewer** », page 114, pour plus d'instructions.

7.23 Qu'est-ce qu'une plaque

Un test *digene* HC2 DNA nécessite deux plaques pour réaliser le dosage. La première plaque, la plaque d'hybridation, contient les échantillons et est utilisée pour l'étape d'hybridation du dosage. Pendant l'hybridation, les échantillons contenant l'ADN cible s'hybrident avec une sonde d'ARN de HPV spécifique. Tous les échantillons sont alors transférés de la plaque d'hybridation vers la seconde plaque, la plaque de capture. Les hybrides ARN-ADN sont capturés à la surface des puits de la microplaque de capture, qui sont revêtus d'anticorps spécifiques aux hybrides ARN-ADN. Le dosage se poursuit dans la plaque de capture par la mesure d'une valeur en RLU par un instrument DML. L'intensité de la lumière émise indique la présence ou l'absence d'ADN cible dans l'échantillon.

Pour mesurer une plaque avec le logiciel du système *digene* HC2, vous devez créer une plaque dans le logiciel, qui correspond aux plaques physiques utilisées pendant les tests. Dans le logiciel du système *digene* HC2, une plaque correspond à la combinaison de l'ID de plaque d'hybridation et de l'ID de plaque de capture. Un ID de plaque d'hybridation est créé en premier lieu, puis un ID de plaque de capture est associé à la plaque d'hybridation. Les ID de plaque d'hybridation et de plaque de capture doivent avoir été associés pour que la mesure de plaque puisse avoir lieu.

Important : Créez systématiquement un ID de plaque d'hybridation et l'agencement des plaques associé dans le logiciel du système *digene* HC2 avant de démarrer les tests manuels ou automatisés par RCS.

Vous pouvez créer une plaque d'hybridation sur la base d'un fichier de sortie provenant d'un instrument de pré-analyse ou manuellement. Si vous créez une plaque d'IVD, vous pouvez ajouter uniquement des protocoles de dosage IVD à cette plaque. Reportez-vous à « Création d'une plaque d'hybridation à partir d'un instrument de pré-analyse », page 172, ou à « Création manuelle d'une plaque d'hybridation », page 176, pour plus d'instructions.

Vous pouvez associer manuellement les ID de plaque d'hybridation et de plaque de capture. Si le lecteur de code-barres RCS et les scripts RCS associés sont installés sur le RCS, l'ID de capture de plaque est associé automatiquement à la plaque d'hybridation créée dans le logiciel du système

digene HC2 lorsque les tests automatisés par RCS sont terminés. Reportez-vous à « Association d'une plaque de capture à une plaque d'hybridation », page 182, pour plus d'instructions.

Une plaque présente l'un des trois états suivants :

État de la plaque	Description
Unmeasured	La plaque d'hybridation a été créée et elle peut être modifiée, s'il y a lieu.
Measured	La plaque de capture a été mesurée et les résultats peuvent être consultés.
Accepted	Les résultats de la plaque ont été reconnus comme « rapportables » par un utilisateur agréé.

7.24 Création d'une plaque d'hybridation à partir d'un instrument de pré-analyse

La création d'une plaque d'hybridation à partir d'un fichier de sortie issu d'un instrument de pré-analyse autorise le transfert électronique de données à partir d'un instrument de pré-analyse vers le logiciel du système *digene* HC2. La plaque est automatiquement créée dans le logiciel du système *digene* HC2, avec un ID de plaque d'hybridation unique et un ID d'échantillon unique.

Si un ID d'échantillon ou un ID de plaque d'hybridation commence ou se termine par un espace, le logiciel du système *digene* HC2 supprime les espaces de l'ID d'échantillon. Le logiciel du système *digene* HC2 n'avertit pas l'utilisateur si l'ID d'échantillon a été tronqué.

Pendant l'importation du fichier de sortie, le logiciel du système *digene* HC2 invitera à modifier l'ID de plaque d'hybridation ou à annuler la création de la plaque dans les cas suivants :

- L'ID de plaque d'hybridation est déjà utilisé dans le logiciel du système *digene* HC2.
Remarque : Les ID de plaque d'hybridation dans le logiciel du système *digene* HC2 ne sont pas sensibles à la casse.
- L'ID de plaque d'hybridation contient plus de 20 caractères.
- L'ID de plaque d'hybridation contient des caractères non valides.
- L'ID de plaque d'hybridation commence par un tiret.

Si vous modifiez l'ID de plaque d'hybridation, l'ID de plaque d'hybridation issu du fichier de sortie est affiché dans l'en-tête du rapport sur les dosages pour la plaque.

Pendant l'importation du fichier de sortie, le logiciel du système *digene* HC2 invitera à modifier l'ID d'échantillon ou à annuler la création de la plaque dans les cas suivants :

- L'ID d'échantillon est déjà utilisé dans le logiciel du système *digene* HC2 et est associé au protocole de dosage pertinent.
Remarque : Les ID d'échantillon dans le logiciel du système *digene* HC2 ne sont pas sensibles à la casse.
- L'ID d'échantillon contient plus de 30 caractères.
- L'ID d'échantillon contient des caractères non valides.
- L'ID d'échantillon commence par un tiret.

Si vous modifiez l'ID d'échantillon, l'ID d'échantillon issu du fichier de sortie est affiché sous la forme d'un commentaire dans la colonne et dans les rapports d'historique de l'échantillon.

Examinez le fichier de sortie de l'instrument de pré-analyse afin de détecter d'éventuelles erreurs avant de créer une plaque.

1. Dans le logiciel de l'instrument de pré-analyse, enregistrez le fichier de sortie sur un périphérique USB.

Reportez-vous au manuel d'utilisation de l'instrument de pré-analyse concerné pour obtenir des instructions sur l'enregistrement du fichier de sortie.

Important : L'extension du fichier doit être *.zip ou *.xml.

2. Insérez le périphérique USB dans le port USB de l'ordinateur du système HC2.
3. Dans l'onglet **Plates**, cliquez sur le bouton **Plate Import...**
Une boîte de dialogue des répertoires s'ouvre.
4. Localisez dans les répertoires le fichier de sortie provenant de l'instrument de pré-analyse que vous souhaitez importer et cliquez sur le bouton **Open**.
La boîte de dialogue **Select Assay Protocol** s'ouvre.
5. Sélectionnez le type de protocole de dosage concerné dans le volet **Protocol Filter**.
Les protocoles de dosage disponibles s'affichent dans la boîte de dialogue **Assay Protocol**.
6. Dans la boîte de dialogue **Assay Protocol**, sélectionnez le protocole de dosage concerné.
Les types d'échantillons disponibles sont affichés dans la boîte de dialogue **Sample Type** (Type d'échantillon).
7. Dans la boîte de dialogue **Sample Type**, sélectionnez le type d'échantillon concerné.
8. Cliquez sur **OK**.
La boîte de dialogue **Header Information** s'affiche. Reportez-vous à « Utilisation de la boîte de dialogue **Header Information** (Informations d'en-tête) », page 49, pour obtenir des informations supplémentaires.
9. S'il y a lieu, modifiez les informations dans la boîte de dialogue **Header Information** et cliquez sur **OK**.

Si l'ID de plaque d'hybridation ou un ID d'échantillon n'est pas compatible avec le logiciel du système *digene* HC2, une boîte de dialogue vous invite à saisir un autre nom de plaque d'hybridation ou d'échantillon. Saisissez les nouvelles informations, le cas échéant.

Si la plaque a été créée sans erreur, l'ID de plaque d'hybridation est affiché dans le volet **Unmeasured Hybridization Plates** de l'onglet **Plates**.

Si la plaque d'hybridation a été créée, mais qu'elle contient des échantillons équivoques ou non valides, la boîte de dialogue **Import Complete** (Importation terminée) s'affiche, avec les informations pertinentes en rapport avec la création de la plaque. L'ID de plaque d'hybridation s'affiche dans le volet **Unmeasured Hybridization Plates** de l'onglet **Plates**.

Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un échantillon équivoque ou non valide », page 174, pour plus d'instructions.

Si la création de la plaque d'hybridation a échoué en raison d'une erreur, la boîte de dialogue **Import Complete** s'affiche avec le message **Plate Aborted** (Plaque abandonnée). Reportez-vous à « Échec de la création d'une plaque d'hybridation à partir d'un instrument de pré-analyse », page 247, pour plus d'instructions.

7.24.1 Qu'est-ce qu'un contrôle de qualité sur une plaque créée à partir d'un instrument de pré-analyse

Si un ID d'échantillon correspond à un ID de contrôle de qualité tel que défini dans le logiciel du système *digene* HC2 pendant la création d'une plaque d'hybridation à partir d'un instrument de pré-analyse, le contrôle de qualité est reconnu et associé en tant que contrôle de qualité sur la plaque.

Si la case **Automatically set for use in validation when added to a plate layout** est cochée et que le contrôle de qualité soit équivoque ou non valide, les résultats des échantillons sur la plaque sont non valides. C'est également le cas si le contrôle de qualité ne correspond pas aux paramètres définis pour le contrôle de qualité : les résultats de la plaque et de l'échantillon sont non valides.

Si la case **Automatically set for use in validation when added to a plate layout** n'est pas cochée et que le contrôle de qualité soit équivoque ou non valide, l'état du contrôle de qualité n'a aucun impact sur les résultats des échantillons sur la plaque. La plaque peut être valide si les paramètres du protocole de dosage sont satisfaits. C'est également le cas si le contrôle de qualité ne correspond pas aux paramètres définis pour le contrôle de qualité : cela n'a aucun impact sur les résultats de la plaque et de l'échantillon.

7.24.2 Qu'est-ce qu'un échantillon équivoque ou non valide

Les échantillons importés depuis un fichier de sortie provenant d'un instrument de pré-analyse peuvent avoir des résultats dont l'état est « unclear » ou « invalid ». L'état du résultat est associé au moment de l'importation dans le logiciel du système *digene* HC2. L'état « unclear » ou « invalid » des résultats est généré si une erreur est survenue pendant la préparation de l'échantillon. Pour plus d'informations sur la cause de l'erreur, reportez-vous au fichier de sortie de l'instrument de pré-analyse.

Si vous mesurez un échantillon équivoque, le résultat est une valeur en RLU dont l'état est « unclear ». Si vous mesurez un échantillon non valide, l'état du résultat est « invalid » et aucune

valeur en RLU n'est obtenue. Vous pouvez effacer l'état « unclear » ou « invalid » d'un échantillon pour ajouter cet échantillon à une autre plaque. Vous ne pouvez pas effacer l'état après que la plaque contenant l'échantillon a été validée. Reportez-vous à « Suppression de l'état d'un échantillon », page 212, pour plus d'instructions.

7.25 Modification d'une plaque d'hybridation créée à partir d'un instrument de pré-analyse

Si vous créez une plaque d'hybridation à partir d'un fichier de sortie, l'emplacement des étalons, des contrôles de qualité et des échantillons ne peut pas être modifié sur la plaque.

Vous pouvez ajouter manuellement des protocoles de dosage, des échantillons et des contrôles de qualité supplémentaires aux cellules vides dans la grille d'agencement d'une plaque créée à partir d'un instrument de pré-analyse. Reportez-vous à « Ajout d'un protocole de dosage à une plaque », page 177, à « Ajout d'un échantillon à une plaque », page 179, ou à « Ajout d'un contrôle de qualité à une plaque », page 178, pour plus d'instructions.

7.25.1 Modification des contrôles de qualité sur une plaque créée à partir d'un instrument de pré-analyse

À l'exception des contrôles de qualité requis par les protocoles de dosage du système *digene* HC2, vous pouvez retirer les contrôles de qualité d'une plaque en cliquant sur le bouton **Remove** du volet **Actions on plate**. Sélectionnez la réponse pertinente dans la boîte de dialogue qui s'ouvre pour confirmer le retrait du contrôle de qualité. La grille d'agencement des plaques affiche l'ID du contrôle de qualité et **Removed** (Retiré) dans la cellule libérée. La cellule libérée ne sera pas prise en compte lors de la mesure de la plaque. Vous ne pouvez pas ajouter un autre ID de contrôle de qualité ou ID d'échantillon dans la cellule libérée.

Si vous retirez un contrôle de qualité de la grille d'agencement des plaques, vous pouvez le remettre au même emplacement dans la grille. Sélectionnez le contrôle de qualité retiré concerné et cliquez sur le bouton **Restore** dans le volet **Actions on plate**. Le contrôle de qualité est rétabli dans la grille d'agencement des plaques et est mesuré lors de la mesure de la plaque.

7.25.2 Modification des échantillons sur une plaque créée à partir d'un instrument de pré-analyse

Vous pouvez modifier les échantillons sur la grille d'agencement des plaques. Reportez-vous à « Modification d'un seul échantillon dans la boîte de dialogue **Edit Specimen** », page 152, pour plus d'instructions.

Pour retirer un échantillon d'une plaque, sélectionnez-le dans la grille d'agencement des plaques et cliquez sur le bouton **Remove** dans le volet **Actions on plate**. Sélectionnez la réponse pertinente dans la boîte de dialogue qui s'ouvre pour confirmer le retrait de l'échantillon. Une fois retiré de la grille d'agencement des plaques, l'échantillon est ajouté à la liste dans le volet **Unassigned specimens**. La grille d'agencement des plaques affiche l'ID d'échantillon et **Removed** dans la cellule libérée. La cellule libérée ne sera pas prise en compte lors de la mesure de la plaque. Vous ne pouvez pas ajouter un autre ID d'échantillon ou ID de contrôle de qualité dans la cellule libérée.

Si vous retirez un échantillon de la grille d'agencement des plaques, vous pouvez le remettre au même emplacement dans la grille. Sélectionnez l'échantillon retiré concerné dans la grille d'agencement des plaques ou dans le volet **Unassigned specimens** et cliquez sur le bouton **Restore** dans le volet **Actions on plate**. L'échantillon est rétabli dans la grille d'agencement des plaques et est mesuré lors de la mesure de la plaque.

7.26 Création manuelle d'une plaque d'hybridation

Pour créer manuellement une plaque d'hybridation, vous devez créer un ID de plaque d'hybridation. Une fois l'ID de plaque d'hybridation créé, les protocoles de dosage, les lots de kits, les contrôles de qualité et les échantillons sont ajoutés à la grille d'agencement des plaques. Une fois ajoutés à la grille d'agencement des plaques, les protocoles de dosage, les lots de kits et les contrôles de qualité sont enregistrés et conservent la configuration qu'ils avaient au moment où ils ont été ajoutés à la grille, même si les informations correspondantes sont modifiées ultérieurement.

Vous créez et gérez les plaques dans la fenêtre **Create/Edit Layout**. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **Create/Edit Layout** (Créer/Modifier l'agencement) », page 41, pour obtenir des informations supplémentaires.

7.26.1 Création d'un ID de plaque d'hybridation

Un ID de plaque d'hybridation est l'identifiant unique d'une plaque d'hybridation dans le logiciel du système *digene* HC2. Les ID de plaque d'hybridation ne doivent pas comporter plus de 20 caractères et doivent être constitués de caractères alphanumériques et de traits de soulignement ainsi que d'espaces et de tirets, sauf en début et en fin d'ID. Un ID de plaque d'hybridation ne doit pas commencer par un espace ou un tiret.

1. Dans l'onglet **Plates**, cliquez sur le bouton **New IVD...**

La boîte de dialogue **Plate ID Entry** (Saisie de l'identifiant de la plaque) s'ouvre et affiche la liste des ID de plaque d'hybridation précédemment créés, y compris pour les plaques validées.

2. Saisissez un nouvel ID de plaque d'hybridation unique dans le champ de dialogue **Enter new Plate ID:** (Saisir un nouvel ID de plaque).

Remarques :

- Les ID de plaque d'hybridation ne doivent pas comporter plus de 20 caractères et doivent être constitués de caractères alphanumériques et de traits de soulignement ainsi que d'espaces et de tirets, sauf en début et en fin d'ID.
- Le champ **Enter new Plate ID:** ne doit pas contenir plus de 20 caractères.
- Vous pouvez utiliser un lecteur de code-barres portable pour saisir l'ID de plaque d'hybridation.

3. Cliquez sur **OK**.

Le logiciel du système *digene* HC2 crée l'ID de plaque d'hybridation, définit la date de création et ouvre la fenêtre **Create/Edit Layout**.

7.26.2 Ajout d'un protocole de dosage à une plaque

Vous devez associer un protocole de dosage à une plaque pour réaliser des tests. Pour plus d'informations sur les protocoles de dosage, reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un protocole de dosage », page 138.

Lorsqu'un protocole de dosage du système *digene* HC2 est ajouté à une plaque, les étalons et les contrôles de qualité requis pour valider le test sont automatiquement ajoutés à la grille d'agencement des plaques et ne peuvent pas être modifiés. Les étalons et les contrôles de qualité du premier protocole de dosage ajouté à la plaque occupent toujours la première colonne de la plaque.

Vous pouvez ajouter plusieurs protocoles de dosage à une plaque tant que la grille d'agencement des plaques comporte suffisamment de cellules.

1. Dans la fenêtre **Create/Edit Layout** de la plaque concernée, cliquez sur le bouton **Add New Assay...** du volet **Assays on layout**.

La boîte de dialogue **Select Assay Protocol** s'ouvre et affiche les protocoles de dosage disponibles. Pour trier la liste des protocoles de dosage, cliquez sur un en-tête de colonne.

2. Sélectionnez l'ID de protocole de dosage pertinent et cliquez sur **OK**. Vous pouvez aussi double-cliquer sur l'ID de protocole de dosage pour sélectionner le protocole de dosage.

La boîte de dialogue **Header Information** s'ouvre. Reportez-vous à « Utilisation de la boîte de dialogue **Header Information** (Informations d'en-tête) », page 49, pour obtenir des informations supplémentaires.

3. Dans le champ de dialogue **Room Temperature**, entrez la température ambiante actuelle dans le laboratoire et sélectionnez le bouton radio correspondant à l'unité de température pertinente.

Remarques :

- Vous pouvez mettre à jour la température ambiante avant de mesurer la plaque afin de refléter la température pendant l'étape d'amplification du signal du test.
- S'il y a lieu, le logiciel du système *digene* HC2 convertit la température indiquée dans l'unité de mesure pertinente définie par les paramètres du protocole de dosage.

4. Dans la liste déroulante **Kit Lot Number**, sélectionnez le lot du kit concerné.

Si le lot du kit ne figure pas dans la liste déroulante, cliquez sur le bouton **Kit Lots...** La boîte de dialogue **Kit Lot Number Entry** s'ouvre. Elle permet d'ajouter le lot du kit concerné. Reportez-vous à « Gestion des lots de kits », page 164, pour plus d'instructions.

5. Dans la boîte de dialogue **Comment**, entrez les informations relatives à la plaque.

Remarque : La longueur maximum pour un commentaire est de 100 caractères.

6. Cliquez sur **OK**.

Les étalons et les contrôles de qualité définis dans le protocole de dosage sont ajoutés à la grille d'agencement des plaques. Tous les échantillons non attribués et les contrôles de qualité associés au protocole de dosage s'affichent dans la fenêtre **Create/Edit Layout**.

Remarque : Si le protocole de dosage n'est pas le premier ajouté à la plaque, la position des étalons et des contrôles de qualité est déterminée par la case **Add/Reallocate assay on new column**.

7.26.3 Ajout d'un contrôle de qualité à une plaque

Tous les contrôles de qualité associés à un protocole de dosage sont affichés dans le volet **Quality controls** de la fenêtre **Create/Edit Layout**. Vous pouvez ajouter à la plaque les contrôles de qualité figurant dans cette liste si des cellules vides sont disponibles.

Lorsque 2 répliqués d'un contrôle de qualité sont ajoutés à une plaque, ces répliqués sont liés. Si les paramètres du contrôle de qualité précisent que celui-ci doit être pris en compte dans la validation du dosage, les deux répliqués du contrôle de qualité doivent satisfaire les paramètres du protocole de dosage pour que le dosage soit valide.

Vous pouvez créer et modifier des contrôles de qualité en utilisant le bouton **Manage QCs...**
Reportez-vous à « Gestion des contrôles de qualité », page 166, pour plus d'instructions.

1. Dans la fenêtre **Create/Edit Layout**, sélectionnez un ID de contrôle de qualité dans le volet **Quality controls**.
Remarque : Pour ajouter plusieurs contrôles de qualité, mettez en surbrillance les ID correspondants dans la liste.
2. Dans le sous-volet **Replicates**, sélectionnez le bouton radio correspondant au nombre de répliqués du ou des contrôles de qualité à ajouter à la plaque.
3. Cliquez sur le bouton **Add** pour ajouter le ou les contrôles de qualité sélectionnés après la dernière cellule occupée dans la grille d'agencement des plaques. Une autre solution consiste à sélectionner une cellule dans la grille d'agencement des plaques et à cliquer sur le bouton **Add At** pour ajouter le ou les contrôles de qualité dans l'emplacement de cellule sélectionné.

Remarques :

- Si vous utilisez le bouton **Add At** pour ajouter plusieurs contrôles de qualité à une plaque, le logiciel du système *digene* HC2 inverse l'ordre des contrôles de qualité répertoriés dans le volet **Quality controls**.
- Si vous sélectionnez une cellule occupée sur la grille d'agencement des plaques, l'échantillon ou le contrôle de qualité facultatif qui occupait cette cellule et toutes les cellules occupées suivantes sont décalés sur la plaque. L'échantillon ajouté à la plaque occupe la cellule ainsi libérée. Si ce déplacement entraîne le décalage de cellules au-delà d'une colonne, ces cellules sont décalées en haut de la colonne sur la droite.
- Si le nombre d'échantillons sélectionnés est supérieur au nombre de cellules disponibles dans la grille d'agencement des plaques, une boîte de dialogue s'ouvre. Cliquez sur **OK**. Les cellules disponibles dans la grille d'agencement des plaques sont alors occupées et les échantillons en excès sont conservés dans le volet **Unassigned specimens**.

La grille d'agencement des plaques affiche les contrôles de qualité ajoutés.

7.26.4 Ajout d'un échantillon à une plaque

Vous pouvez uniquement ajouter à une plaque des échantillons ayant l'état « unassigned ». Les échantillons non attribués associés au protocole de dosage concerné sont affichés dans le volet **Unassigned specimens** de la fenêtre **Create/Edit Layout**.

Utilisez la liste déroulante **Sort By** pour trier les échantillons affichés dans le volet **Unassigned specimens** dans l'ordre **Alphanumeric** ou **Entry order**.

Les échantillons non liés ne sont pas affichés dans le volet **Unassigned specimens**. Les échantillons non liés doivent être copiés dans le protocole de dosage. Reportez-vous à « Copie d'échantillons non liés dans un protocole de dosage », page 150, pour plus d'instructions.

1. Dans le volet **Unassigned specimens**, sélectionnez l'ID d'échantillon à ajouter.

Remarques :

- Pour ajouter plusieurs échantillons, mettez en surbrillance les ID correspondants dans la liste.
 - Si un ID d'échantillon ne figure pas dans la liste du volet **Unassigned specimens**, cliquez sur le bouton **New Specimens...** pour ajouter cet ID. Reportez-vous à « Création d'échantillons », page 146, pour plus d'instructions.
 - Vous pouvez ajouter des échantillons à une plaque pendant la modification d'un échantillon. Reportez-vous à « Modification d'un seul échantillon dans la boîte de dialogue **New/Edit Specimens** », page 154, ou à « Modification de plusieurs échantillons dans la boîte de dialogue **New/Edit Specimens** », page 156, pour plus d'instructions.
2. Dans le sous-volet **Replicates**, sélectionnez le bouton radio correspondant à **1** ou **2** répliqués du ou des échantillons.
3. Ajoutez l'échantillon à la plaque par l'une des méthodes suivantes :
- Cliquez sur le bouton **Add** pour ajouter le ou les échantillons sélectionnés après la dernière cellule occupée dans la grille d'agencement des plaques.
 - Double-cliquez sur l'échantillon dans le volet **Unassigned specimens** pour ajouter le ou les échantillons sélectionnés après la dernière cellule occupée sur la grille d'agencement des plaques.
 - Sélectionnez une cellule dans la grille d'agencement des plaques et cliquez sur le bouton **Add At** pour ajouter le ou les échantillons dans l'emplacement de cellule sélectionné.
- Les échantillons sont insérés dans la grille d'agencement des plaques.

Remarques :

- Si vous sélectionnez une cellule occupée sur la grille d'agencement des plaques, l'échantillon ou le contrôle de qualité facultatif qui occupait cette cellule et toutes les cellules occupées suivantes sont décalés sur la plaque. L'échantillon ajouté à la plaque occupe la cellule ainsi libérée. Si ce déplacement entraîne le décalage de cellules au-delà d'une colonne, ces cellules sont décalées en haut de la colonne sur la droite.
- Si le nombre d'échantillons sélectionnés est supérieur au nombre de cellules disponibles dans la grille d'agencement des plaques, une boîte de dialogue s'ouvre. Cliquez sur **OK**. Les cellules disponibles dans la grille d'agencement des plaques sont alors occupées et les échantillons en excès sont conservés dans le volet **Unassigned specimens**.
- Si l'échantillon non attribué est un échantillon de retest initialement créé sur une plaque d'hybridation à partir d'un système de pré-analyse, les boutons **Add** et **Add At** sont grisés

lorsque vous sélectionnez cet échantillon. Double-cliquez sur l'ID d'échantillon dans le volet **Unassigned specimens** pour ajouter l'échantillon à la plaque.

4. Cliquez sur le bouton **Save** pour fermer la fenêtre **Create/Edit Layout**.

7.27 Modification de la plaque

Vous pouvez modifier l'emplacement des protocoles de dosage, des échantillons et des contrôles de qualité sur la plaque. Vous créez et gérez les plaques dans la fenêtre **Create/Edit Layout**. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **Create/Edit Layout** (Créer/Modifier l'agencement) », page 41, pour obtenir des informations supplémentaires.

La fonction de réaffectation retire toutes les cellules vides de la grille d'agencement des plaques. Pour consolider la plaque, cliquez sur le bouton **Reallocate** dans le volet **Action on plate** de la fenêtre **Create/Edit Layout**.

La case **Add/Reallocate assay on new column** permet d'affiner la fonction de réaffectation. Décochez cette case pour ajouter un nouveau dosage après la dernière cellule occupée sur la grille d'agencement des plaques, même si elle ne se trouve pas au début d'une nouvelle colonne.

Si vous créez une plaque d'hybridation à partir d'un fichier de sortie, l'emplacement des étalons, des contrôles de qualité et des échantillons ne peut pas être modifié sur la plaque. Reportez-vous à « Modification d'une plaque d'hybridation créée à partir d'un instrument de pré-analyse », page 175, pour plus d'instructions.

7.27.1 Déplacement d'un protocole de dosage sur la grille d'agencement des plaques

Vous pouvez déplacer toutes les cellules associées à un protocole de dosage en cliquant sur la cellule qui contient un étalon ou un contrôle de qualité obligatoire et en faisant glisser cette cellule vers une autre cellule de la grille d'agencement des plaques. Si vous sélectionnez une cellule contenant un étalon ou un contrôle de qualité obligatoire, toutes les cellules associées au protocole de dosage sont entourées en rouge. Lorsque vous faites glisser les cellules associées à un protocole de dosage, l'emplacement de destination des cellules déplacées est affiché en bleu dans la grille d'agencement des plaques. Même si vous ne sélectionnez pas la première cellule du protocole de dosage, la première cellule bleue correspond à l'emplacement de la première cellule associée au protocole de dosage. Une fois l'emplacement souhaité affiché, relâchez le bouton de la souris pour déplacer les cellules vers cet emplacement.

Les cellules associées à un protocole de dosage ne peuvent pas être déplacées au-delà d'un autre protocole de dosage. Même si toutes les cellules associées à un protocole de dosage peuvent entrer dans l'espace restant, les cellules ne peuvent pas être déplacées vers les cellules vides situées au-delà d'un autre protocole de dosage.

7.27.2 Déplacement d'un échantillon ou d'un contrôle de qualité sur la grille d'agencement des plaques

Vous pouvez déplacer un échantillon ou un contrôle de qualité facultatif ajouté à la grille d'agencement des plaques en cliquant sur la cellule concernée et en la faisant glisser vers une autre cellule sur la grille d'agencement des plaques. La cellule sélectionnée est entourée de rouge. Pendant que vous faites glisser la cellule, l'emplacement de destination est affiché en bleu. Une fois l'emplacement souhaité pour l'échantillon affiché, relâchez le bouton de la souris pour déplacer la cellule vers cet emplacement.

Si vous déplacez une cellule vers une cellule occupée par un autre échantillon ou contrôle de qualité facultatif, l'échantillon ou le contrôle de qualité facultatif qui occupait cette cellule et toutes les cellules occupées suivantes sont décalés sur la plaque. La cellule déplacée occupe la cellule ainsi libérée. Si ce déplacement entraîne le décalage de cellules au-delà d'une colonne, ces cellules sont décalées en haut de la colonne sur la droite. Si aucune cellule n'est disponible pour les cellules déplacées, une boîte de dialogue s'ouvre et signale ce problème. Le déplacement est annulé.

Les paires de répliquats d'un échantillon ou d'un contrôle de qualité facultatif occupent toujours des positions consécutives sur une plaque et ne peuvent pas être scindées. Le déplacement de l'une des cellules d'une paire de répliquats déplace les deux cellules. Si vous tentez de scinder une paire de répliquats, une boîte de dialogue s'ouvre et signale ce problème. Le déplacement est annulé.

Un échantillon ou un contrôle de qualité facultatif ne peut pas être déplacé au-delà d'un autre protocole de dosage. Si vous essayez de déplacer un échantillon ou un contrôle de qualité facultatif au-delà d'un autre protocole de dosage, une boîte de dialogue s'ouvre et signale le problème. Le déplacement est annulé.

7.28 Association d'une plaque de capture à une plaque d'hybridation

Pour pouvoir mesurer une plaque, vous devez associer la plaque d'hybridation à une plaque de capture. La plaque n'apparaîtra pas dans l'onglet **Measure** en vue de la mesure de plaque tant qu'un ID de plaque de capture n'est pas associé à la plaque.

7.28.1 Association automatique d'une plaque de capture

Les microplaques d'hybridation et de capture fournies par QIAGEN incluent désormais des codes-barres lisibles par le lecteur de code-barres RCS. Ces codes-barres simplifient la gestion des plaques et rendent inutile l'étiquetage physique des plaques. Le package de mise à niveau du lecteur de code-barres RCS utilise les codes-barres de la plaque pour associer les ID des plaques d'hybridation et des plaques de capture traitées sur le RCS. L'ID de plaque de capture est alors associé automatiquement lorsque l'ID de plaque d'hybridation correspondant est créé dans le logiciel du système *digene* HC2 pour permettre une gestion transparente des plaques et des échantillons. La suite 4.4 du système *digene* HC2 a été conçue pour l'utilisation avec le lecteur de code-barres RCS.

Les microplaques d'hybridation et de capture sont lues de manière automatisée sur le RCS après que le script de test est lancé. Des scripts RCS à jour sont nécessaires pour réaliser les tests avec le lecteur de code-barres RCS ainsi que l'application logicielle du lecteur de code-barres pour associer les ID de plaque. L'application logicielle du lecteur de code-barres installée sur l'ordinateur du système HC2 capture automatiquement les ID de plaque lus par le lecteur de code-barres RCS. Les lectures de code-barres sont conservées sous forme de fichiers de mappage d'importation dans le répertoire indiqué.

Pour pouvoir mesurer une plaque, vous devez associer un ID de plaque de capture à un ID de microplaque d'hybridation. Une fois lancé et pendant son fonctionnement, le logiciel du système *digene* HC2 vérifie si des fichiers de mappage d'importation sont présents dans le répertoire indiqué. Lorsque la plaque d'hybridation est créée, l'ID de plaque de capture pertinent est automatiquement associé à l'ID de plaque d'hybridation. L'ID de plaque d'hybridation stocké dans le logiciel du système *digene* HC2 doit correspondre à l'ID lisible sur la plaque d'hybridation. La création d'une plaque d'hybridation à partir d'un instrument de pré-analyse, combinée au lecteur de code-barres RCS, crée automatiquement un agencement de plaques prêt pour la mesure.

Vous ne pouvez pas modifier les ID de plaque automatiquement associés. Si l'ID de plaque d'hybridation et l'ID de plaque de capture ont été associés automatiquement, le bouton **Associate** de l'onglet **Plates** est grisé.

Seul un représentant de QIAGEN peut installer le package de mise à niveau du lecteur de code-barres RCS. N'essayez pas d'installer les composants matériels, les scripts RCS ou l'application logicielle. Pour obtenir une assistance, contactez les services techniques de QIAGEN.

7.28.2 Association manuelle d'un ID de plaque de capture

Important : Vérifiez que les informations relatives à l'ID de plaque de capture saisies sont correctes lorsque vous associez manuellement un ID de plaque de capture. Une fois que l'ID de plaque de capture est associé à un ID de plaque d'hybridation, vous ne pouvez plus modifier l'ID de plaque de capture.

1. Dans l'onglet **Plates**, sélectionnez l'ID de plaque d'hybridation pertinent dans la liste du volet **Unmeasured Hybridization Plates**.

2. Cliquez sur le bouton **Associate** dans le volet **Unmeasured Hybridization Plates**.

La boîte de dialogue **Plate Association** (Association d'une plaque) s'ouvre.

3. Saisissez l'ID de plaque de capture dans le champ **Capture Plate** par l'une des méthodes suivantes :

- Saisissez l'ID de plaque de capture au clavier.
- Sélectionnez l'ID de plaque de capture dans la liste déroulante.
- Utilisez un lecteur de code-barres pour entrer l'ID de plaque de capture.

4. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Plate Association** se ferme et l'ID de plaque de capture apparaît dans le sous-volet du volet **Unmeasured Hybridization Plates**. Vous pouvez alors mesurer la plaque.

7.29 Impression d'une plaque

Dans la fenêtre **Create/Edit Layout**, cliquez sur le bouton **Print...** La fenêtre **QIAGEN Report Viewer** s'ouvre. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **QIAGEN Report Viewer** », page 114, pour plus d'instructions.

7.30 Suppression d'une plaque

Vous pouvez uniquement supprimer les plaques d'hybridation non mesurées. Lorsqu'une plaque est supprimée, les échantillons associés prennent l'état « unassigned ».

1. Dans l'onglet **Plates**, sélectionnez l'ID de plaque d'hybridation pertinent dans la liste du volet **Unmeasured Hybridization Plates**.

2. Cliquez sur le bouton **Delete** dans le volet **Unmeasured Hybridization Plates**.

Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la suppression de la plaque.

3. Cliquez sur le bouton pertinent pour supprimer la plaque.

Important : L'agencement des plaques est définitivement supprimé.

La boîte de dialogue se ferme et la plaque est retirée du volet **Unmeasured Hybridization Plates**.

7.31 Mesure d'une plaque

Une mesure de plaque est lancée lorsqu'une plaque est créée, que les étalons, contrôles de qualité et échantillons pertinents sont ajoutés à la plaque et que les ID de plaque d'hybridation et de plaque de capture sont associés. La mesure d'une plaque est réalisée en utilisant l'onglet **Measure**. Reportez-vous à « Utilisation de l'onglet **Measure** (Mesure) », page 60, pour plus d'instructions.

Le logiciel du système *digene* HC2 affiche une boîte de dialogue d'avertissement si les contrôles de qualité ou le lot du kit associés à une plaque sont arrivés à expiration périmés ou s'ils arrivent à expiration dans les 2 jours. Malgré l'affichage de la boîte de dialogue d'avertissement, l'utilisateur peut décider de mesurer la plaque avec du matériel arrivé à expiration.

La température ambiante qui a été saisie dans la boîte de dialogue **Header Information** lors de la création de la plaque est comparée à la plage de température indiquée dans les paramètres du protocole de dosage. Si la température saisie est hors spécifications, une boîte de dialogue s'affiche et la variation de température est affichée dans le rapport sur les dosages. Le paramètre de température n'a pas de caractère obligatoire pour la validation du dosage.

La mesure de la plaque n'aura lieu qu'une fois que l'agencement des plaques remplira les exigences suivantes :

- Au moins un protocole de dosage est associé à la plaque.
- Le lot d'un kit a été associé à la plaque.
- Les contrôles de qualité obligatoires définis dans les paramètres du protocole de dosage ont été ajoutés à la plaque.
- Au moins un échantillon a été ajouté à la plaque pour chaque protocole de dosage.
- L'ID de plaque de capture a été associé à l'ID de plaque d'hybridation.

1. Dans l'onglet **Measure**, sélectionnez l'ID de plaque de capture pertinent dans le volet **Capture Plates**.

La grille d'agencement des plaques pour la plaque sélectionnée s'affiche dans le volet **Plate Measurement**.

Remarque : Vous pouvez sélectionner plusieurs plaques de capture à mesurer en mettant leur ID en surbrillance. La grille d'agencement des plaques pour la première plaque de capture en surbrillance dans le volet **Capture Plates** s'affiche dans le volet **Plate Measurement**.

2. S'il y a lieu, retirez un échantillon de la mesure en sélectionnant la cellule dans la grille d'agencement des plaques et en cliquant sur le bouton **Remove**.

Une boîte de dialogue vous invite à confirmer le retrait. Cliquez sur le bouton pertinent pour retirer l'échantillon. L'échantillon est retiré de la plaque et une case grise vide s'affiche dans la cellule.

Remarque : Pour retirer plusieurs échantillons, mettez en surbrillance plusieurs cellules dans la grille d'agencement des plaques et cliquez sur le bouton **Remove**. Une boîte de dialogue vous invite à confirmer le retrait de chaque échantillon.

3. S'il y a lieu, changez l'état d'un échantillon en « quantity not sufficient » en sélectionnant la cellule dans la grille d'agencement des plaques et en cliquant sur le bouton **Set QNS**.

Une boîte de dialogue vous invite à confirmer le changement d'état. Cliquez sur le bouton pertinent pour modifier l'état de l'échantillon. L'échantillon est retiré de la plaque et une case bleue vide s'affiche dans la cellule.

Remarque : Vous pouvez définir l'état de plusieurs échantillons comme « quantity not sufficient » en sélectionnant plusieurs cellules dans la grille d'agencement des plaques et en cliquant sur le bouton **Set QNS**. Une boîte de dialogue vous invite à confirmer le changement d'état de chaque échantillon.

Important : La modification de l'état d'un échantillon en « quantity not sufficient » ne peut pas être annulée.

4. Cliquez sur le bouton **Measure...** dans le volet **Capture Plates**.

Une autre solution consiste à lire le code-barres de la plaque de capture avec un lecteur de code-barres portable. L'ID de la plaque de capture lue s'affiche temporairement dans le champ de dialogue du volet **Plates**.

Si l'une des exigences de mesure de la plaque n'est pas remplie, une boîte de dialogue s'affiche. Vous ne pouvez pas mesurer la plaque tant que toutes les exigences ne sont pas satisfaites.

Si un test mécanique de l'instrument DML est requis, le logiciel du système *digene* HC2 vous invite à le réaliser. Cliquez sur le bouton pertinent pour lancer la lecture. Reportez-vous à « Réalisation d'un test mécanique », page 134, pour plus d'instructions.

Si vous utilisez un DML 2000 et qu'un relevé de référence du bruit de fond (100) est requis pour l'instrument DML, une boîte de dialogue s'ouvre pour réaliser le relevé. Cliquez sur le bouton pertinent pour lancer la lecture. Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un relevé de référence du bruit de fond (100) », page 135, pour plus d'instructions.

La boîte de dialogue **Insert Plate for Measurement** s'ouvre.

5. Insérez la microplaque de capture dans l'instrument DML correspondant à l'ID de plaque de capture affiché dans la boîte de dialogue **Insert Plate for Measurement**.

Reportez-vous au manuel d'utilisation de l'instrument DML concerné pour obtenir des instructions supplémentaires sur le fonctionnement de l'instrument.

6. Si nécessaire, saisissez le numéro de série du RCS dans la boîte de dialogue **Insert Plate for Measurement**.

Remarque : Le paramètre de saisie du numéro de série du RCS est modifié dans l'onglet **Utilities/Settings**. Reportez-vous à « Utilisation de l'onglet **Utilities/Settings** (Utilitaires/Paramètres) », page 92, pour plus d'instructions.

7. Cliquez sur **OK**.

Le système *digene* HC2 affiche une boîte de dialogue si un élément est arrivé à expiration et si aucun lot du kit n'est associé à la plaque. Cliquez sur le bouton pertinent pour fermer la boîte de dialogue.

La boîte de dialogue **Header Information** s'ouvre.

8. Vérifiez que les informations affichées sont correctes. Reportez-vous à « Utilisation de la boîte de dialogue **Header Information** (Informations d'en-tête) », page 49, pour plus d'instructions.

9. Cliquez sur **OK**.

Si l'instrument DML est un DML 2000, le logiciel du système *digene* HC2 réalise un relevé du bruit de fond de la plaque (10). Si un message d'erreur s'affiche pendant le relevé, reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un relevé du bruit de fond de la plaque (10) », page 137, afin d'obtenir des instructions supplémentaires.

La mesure de la plaque commence et chaque puits de la microplaque de capture qui contient un étalon, un contrôle de qualité ou un échantillon est mesuré. L'état de la plaque devient « measured » et l'ID de plaque de capture est affiché dans le volet **Measured Capture Plates** de l'onglet **Plates**.

Si vous mesurez plusieurs plaques, le logiciel du système *digene* HC2 vous invite à insérer la plaque de capture suivante dans l'instrument DML. Reprenez les instructions pertinentes pour mesurer les plaques de capture supplémentaires.

7.31.1 Annulation de la mesure de la plaque

La mesure de la plaque peut être annulée à tout moment. Lorsqu'une mesure de plaque est annulée, aucun résultat n'est stocké pour la plaque et l'état de la plaque est « unmeasured ». Une fois annulée, une mesure de plaque ne peut pas être poursuivie et la mesure de la plaque doit être reprise au début.

Pour annuler une mesure de plaque, cliquez sur le bouton **Stop** dans l'onglet **Measure**. Une boîte de dialogue vous invite à confirmer l'annulation de la mesure de plaque. Cliquez sur le bouton pertinent pour annuler la mesure de la plaque.

7.32 Mesure d'une plaque sous forme de données brutes

Les mesures de plaque réalisées avec la fonction données brutes ne sont pas associées à un protocole de dosage et seules les valeurs en RLU sont rapportées. Tous les puits de la microplaque de capture sont mesurés en données brutes. Vous pouvez mesurer une plaque de capture avec la fonction données brutes pour résoudre les problèmes d'uniformité du bruit de fond.

Important : Une fois qu'une mesure en données brutes est terminée, vous pouvez visualiser les résultats. Les données associées à la mesure de plaque en données brutes ne sont ni enregistrées ni conservées par le logiciel du système *digene* HC2. Les données sont perdues dès que vous cliquez sur une autre plaque de capture. Veillez à imprimer ou à enregistrer le rapport, car vous ne pourrez pas récupérer les données.

1. Insérez la microplaque de capture dans l'instrument DML.

Reportez-vous au manuel d'utilisation de l'instrument DML concerné pour obtenir des instructions supplémentaires sur le fonctionnement de l'instrument.

2. Cliquez sur le bouton **Raw Data** dans le volet **Capture Plates**.

Si un test mécanique de l'instrument DML est requis, le logiciel du système *digene* HC2 vous invite à le réaliser. Cliquez sur le bouton pertinent pour lancer la lecture. Reportez-vous à « Réalisation d'un test mécanique », page 134, pour plus d'instructions.

Si vous utilisez un DML 2000 et qu'un relevé de référence du bruit de fond (100) est requis pour l'instrument DML, une boîte de dialogue s'ouvre pour réaliser le relevé. Cliquez sur le bouton pertinent pour lancer la lecture. Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un relevé de référence du bruit de fond (100) », page 135, pour plus d'instructions.

Si l'instrument DML est un DML 2000, le logiciel du système *digene* HC2 réalise une vérification du bruit de fond de la plaque (10). Si un message d'erreur s'affiche pendant la mesure, reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un relevé du bruit de fond de la plaque (10) », page 137. Si un message d'erreur indique que le bruit de fond mesuré est hors de la plage admise, contactez les services techniques de QIAGEN.

La mesure de la plaque commence et chaque puits de la microplaque de capture est mesuré.

3. Cliquez sur le bouton **Print...** dans le volet **Plate Measurement**. La fenêtre **QIAGEN Report Viewer** s'ouvre. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **QIAGEN Report Viewer** », page 114, pour plus d'instructions.

Important : Veillez à imprimer ou à enregistrer les données, selon le cas, car le logiciel du système *digene* HC2 ne conserve pas les données d'une mesure de plaque en données brutes. Une fois que la fenêtre **QIAGEN Report Viewer** est fermée et qu'une autre plaque de capture est mesurée, les données sont perdues.

7.33 Génération de rapports de test

Après avoir mesuré une plaque, vous pouvez générer des rapports pour visualiser les données de validation du dosage et les résultats du test. Un rapport complet, sur les données brutes, sur les plaques, sur les colonnes ou sur les dosages peut être généré.

Le rapport complet inclut le rapport sur les plaques et le rapport sur les dosages. Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un rapport sur les plaques », page 193, et à « Qu'est-ce qu'un rapport sur les dosages » page 200, pour obtenir des descriptions supplémentaires.

Tous les rapports incluent les informations suivantes :

- Les informations d'en-tête du laboratoire, dont le nom du laboratoire et son adresse
Pour obtenir des instructions pour modifier les informations d'en-tête du laboratoire, reportez-vous à « Modification des informations du laboratoire », page 125.
- La version du logiciel du système *digene* HC2 utilisée pour mesurer la plaque
- Le numéro de série de l'instrument DML utilisé pour mesurer la plaque
- Le numéro de série du RCS utilisé pour réaliser le test, s'il y a lieu
- La mention **IVD** en regard du logo QIAGEN, indiquant que les résultats ont été obtenus en utilisant un protocole de dosage IVD validé

Si la plaque a été validée, les informations suivantes s'affichent dans les rapports sur les plaques et sur les dosages :

- Nom et ID de l'utilisateur qui a validé la plaque
- Date de validation de la plaque
- Heure de validation de la plaque

Le rapport sur les données brutes n'affiche pas les informations relatives à la validation de la plaque, car aucun résultat n'est affiché dans le rapport. Le rapport sur les colonnes n'affiche pas les informations relatives à la validation de la plaque, car le rapport peut être modifié à tout moment afin d'ajouter ou de retirer un patient.

Remarque : Si plusieurs ID d'échantillon sur une plaque utilisent la longueur maximale, il est possible qu'un rapport imprimé n'affiche pas toutes les informations. Cela n'a aucun impact sur l'affichage des informations sur l'ordinateur du système HC2 ou sur les données enregistrées dans le logiciel du système *digene* HC2.

1. Dans l'onglet **Plates**, sélectionnez un ID de plaque de capture dans le volet **Measured Capture Plates** ou dans le volet **Accepted Capture Plates**.
2. Cliquez sur le bouton radio correspondant au rapport souhaité et cliquez sur le bouton **Show** dans le volet concerné.

La fenêtre **QIAGEN Report Viewer** affiche le rapport. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **QIAGEN Report Viewer** », page 114, pour plus d'instructions.

Si un rapport complet a été généré, cliquez sur les onglets pour visualiser les différents rapports.

3. Cliquez sur le bouton **Close** pour retourner dans l'onglet **Plates**.

7.33.1 Qu'est-ce qu'un rapport sur les données brutes de la plaque

Le rapport sur les données brutes de la plaque affiche les ID d'échantillon et les valeurs en RLU. Ce rapport ne mentionne pas les résultats des échantillons.

Exemple de rapport sur les données brutes :

Emerald City Green Labs
1909 Yellow Brick Road
Munchkinland, Oz 68986

Capture Plate ID: Plate01C
Hybridization Plate ID: Plate01H

Status: Measured
Measured: 3/19/2015 1:58:59 PM

	Test Name		Area		Operator		Kit Lot #		Validated By		Edited	
	High Risk HPV		AT.F2		CooperA		kit014		QIAGEN		Yes	
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
A	NC	00024										
ID												
RLU	25	150										
Status												
B	Outlier	00025										
ID	NC											
RLU	39	800										
Status												
C	NC	00028										
ID												
RLU	18	742										
Status												
D	HRC	00027										
ID												
RLU	289	58										
Status												
E	HRC	00028										
ID												
RLU	245	247										
Status												
F	HRC	00029										
ID												
RLU	247	255										
Status												
G	QC1-LR - V											
ID												
RLU	49											
Status												
H	QC2-HR - V											
ID												
RLU	1978											
Status												



HC2 System Software v.3.4
Luminometer Serial #: 2000 RCS Serial #:

Le tableau suivant décrit les champs de l'en-tête du rapport sur les données brutes.

Champ	Description
Capture Plate ID:	ID de plaque de capture dans le logiciel du système <i>digene</i> HC2
Hybridization Plate ID:	ID de plaque d'hybridation dans le logiciel du système <i>digene</i> HC2
Status:	État de la plaque Measured ou Accepted
Measured:	Date et heure de mesure de la plaque
Test name (Nom du test)	ID de protocole de dosage
Area (Zone)	Emplacements de la plaque occupés par chaque protocole de dosage
Operator	ID utilisateur connecté au logiciel du système <i>digene</i> HC2 pendant la mesure d'une plaque
Kit lot # (N° de lot du kit)	Numéro de lot du kit
Validated by (Validé par)	Valideur du protocole de dosage
Edited (Modifié)	Yes ou No indique si les données ont été saisies manuellement

Le tableau suivant décrit les champs des emplacements de puits du rapport sur les données brutes.

Champ	Description
ID	ID d'étalon, ID de contrôle de qualité ou ID d'échantillon testé dans le puits correspondant
RLU	Résultats en RLU pour l'étalon, le contrôle de qualité ou l'échantillon testé dans le puits de microplaque

Champ	Description
Outlier (Aberration)	Affiché dans tout puits contenant un étalon désigné comme une aberration

7.33.2 Qu'est-ce qu'un rapport sur les plaques

Le rapport sur les plaques affiche des informations sous la forme d'une grille d'agencement des plaques. Générez un rapport sur les plaques lorsque vous souhaitez obtenir un rapport plus succinct présentant les résultats.

Les informations affichées dans un rapport sur les plaques dépendent des critères suivants :

- Si le dosage est valide, les résultats de chaque échantillon sont affichés.
- Si le dosage n'est pas valide, seuls les résultats en RLU sont affichés pour chaque échantillon.
- Si l'échantillon a l'état « unclear », seuls les résultats en RLU sont affichés.
- Si l'échantillon a l'état « invalid », seul l'ID d'échantillon est affiché.

Exemple de rapport sur les plaques :

Emerald City Green Labs
1909 Yellow Brick Road
Munchkinland, Oz 68986

Capture Plate ID: Plate01C
Hybridization Plate ID: Plate01H

Status: Measured
Measured: 3/19/2015 1:58:59 PM

	Test Name	Area		Operator		Kit Lot #		Validated By		Edited			
		High Risk HPV	A1.F2	CooperA	CooperA	kit014	kit014	QIAGEN	QIAGEN	Yes	Yes		
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
A	ID RLU Status	NC 25	99924 150										
B	ID RLU Status	Outlier NC 39	99925 800										
C	ID RLU Status	NC 18	99926 742										
D	ID RLU Status	HRC 289	99927 56										
E	ID RLU Status	HRC 245	99928 247										
F	ID RLU Status	HRC 247	99929 258										
G	ID RLU Status	QC1-LR - V 49											
H	ID RLU Status	QC2-HR - V 1978											



HC2 System Software v.3.4
Luminometer Serial #: 2000 RCS Serial #:

Le tableau suivant décrit les champs de l'en-tête du rapport sur les plaques.

Champ	Description
Capture Plate ID	ID de plaque de capture dans le logiciel du système <i>digene</i> HC2
Hybridization Plate ID	ID de plaque d'hybridation dans le logiciel du système <i>digene</i> HC2
Status	État de la plaque Measured ou Accepted
Measured:	Date et heure de mesure de la plaque
Test name	ID de protocole de dosage
Area	Emplacements de la plaque occupés par chaque protocole de dosage
Operator	ID utilisateur connecté au logiciel du système <i>digene</i> HC2 pendant la mesure d'une plaque
Kit lot #	Numéro de lot du kit
Valid Run (Cycle valide)	Yes signifie que le dosage est valide, No qu'il est non valide
Validated by	Valideur du protocole de dosage
Pos Cal Average (Moyenne des étalons positifs)	Moyenne des étalons positifs pour le protocole de dosage multipliée par le CAF Remarque : Pour les protocoles de dosage du système <i>digene</i> HC2 utilisant le RCS, le CAF est de 0,8. Pour tous les autres protocoles de dosage du système <i>digene</i> HC2 validés par QIAGEN, le CAF est de 1,0.
Edited	Yes ou No indique si les données ont été saisies manuellement

Le tableau suivant décrit les champs des emplacements de puits du rapport sur les plaques.

Champ	Description
ID	ID d'étalon, ID de contrôle de qualité ou ID d'échantillon testé dans le puits correspondant
RLU	Résultats en RLU pour l'étalon, le contrôle de qualité ou l'échantillon testé dans le puits de microplaque
Ratio	Résultat du ratio de la RLU sur le seuil pour le dosage du contrôle de qualité ou de l'échantillon testé dans le puits correspondant
Result (Résultat)	Résultat et état du résultat pour le contrôle de qualité ou l'échantillon testé dans le puits correspondant Si ** est ajouté à la fin du résultat, le résultat est préliminaire et l'échantillon doit subir des tests complémentaires pour donner un résultat final ; pour obtenir des instructions supplémentaires, reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un algorithme de retest », page 144
Outlier	Affiché dans tout puits contenant un étalon désigné comme une aberration

7.33.3 Qu'est-ce qu'un rapport sur les colonnes

Le rapport sur les colonnes fournit des informations sur une plaque sous forme de colonnes.

Exemple de rapport sur les colonnes :


Emerald City Green Labs
1909 Yellow Brick Road
Munchkinland, Oz 68986

Capture Plate ID: Plate01C Status: Measured Measured: 3/19/2015 1:58:59 PM
Hybridization Plate ID: Plate01H

Test Name	Area	Operator	Kit Lot #	Valid Run	Validated By	Pos Cal Avg	Edited
High Risk HPV 5.0	A1.F2	CooperA	kit014	Yes	QIAGEN	260.33	Yes

Loc. Cnt	Specimen ID	Retest ID	Result	Result Status	Type	Cutoff	Patient ID	RLU	Mean RLU	% CV	RLU/CO	F/C
A1	NC							25	21	23.02	0.08	
B1	NC							39	21	23.02	0.08	Y
C1	NC							18	21	23.02	0.08	
D1	HRC							289	260	9.54	1.00	
E1	HRC							245	260	9.54	1.00	
F1	HRC							247	260	9.54	1.00	
G1	QC1-LR (qclr)		Valid					49			0.18	
H1	QC2-HR (qchr)		Valid					1978			7.59	
A2 1	ddd24		--	Final	PreservCyt	1*		150			0.57	
B2 2	ddd25		High Risk	Final	PreservCyt	1*		800			3.07	
C2 3	ddd26		High Risk	Final	PreservCyt	1*		742			2.85	
D2 4	ddd27		--	Final	PreservCyt	1*		56			0.21	
E2 5	ddd28		--	Final	PreservCyt	1*		247			0.94	
F2 6	ddd29		--	Final	PreservCyt	1*		255			0.97	

Specimen ID	Type	Flags / Comments
NC	Validation	Outlier



IVD HC2 System Software v.3.4
Luminometer Serial #: 2000 RCS Serial #:

Le tableau suivant décrit les champs de l'en-tête du rapport sur les colonnes.

Champ	Description
Capture Plate ID:	ID de plaque de capture dans le logiciel du système <i>digene</i> HC2
Hybridization Plate ID:	ID de plaque d'hybridation dans le logiciel du système <i>digene</i> HC2
Imported Plate ID: (ID de plaque importée)	ID de plaque issu du fichier de sortie Remarque : Ce champ n'est affiché que si l'ID de plaque est modifié pendant la création de la plaque à partir du fichier de sortie.

Champ	Description
Status:	État de la plaque Measured ou Accepted
Measured:	Date et heure de mesure de la plaque
Test name	ID de protocole de dosage
Area	Emplacements de la plaque occupés par chaque protocole de dosage
Operator	ID utilisateur connecté au logiciel du système <i>digene</i> HC2 pendant la mesure d'une plaque
Kit lot #	Numéro de lot du kit
Valid Run	Yes signifie que le dosage est valide, No qu'il est non valide
Validated by	Valideur du protocole de dosage
Pos Cal Average	Moyenne des étalons positifs pour le protocole de dosage multipliée par le CAF Remarque : Pour les protocoles de dosage du système <i>digene</i> HC2 utilisant le RCS, le CAF est de 0,8. Pour tous les autres protocoles de dosage du système <i>digene</i> HC2 validés par QIAGEN, le CAF est de 1,0.
Edited	Yes ou No indique si les données ont été saisies manuellement

Le tableau suivant décrit les champs de la section des résultats du rapport sur les colonnes.

Champ	Description
Loc. (Emplacement)	Emplacement du puits de microplaque
Cnt (Nombre)	Nombre d'échantillons
Specimen ID	ID d'étalon, ID de contrôle de qualité ou ID d'échantillon testé
Retest ID	Affiche l'état de l'algorithme de retest ; le champ est vide si l'échantillon ne fait pas l'objet d'un nouveau test. 1 indique le premier retest (ou le deuxième dosage) de l'échantillon ; 2 indique le second retest (ou le troisième dosage) de l'échantillon Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un algorithme de retest », page 144, pour plus d'instructions.
Result	Résultat et état du résultat pour le contrôle de qualité ou l'échantillon testé dans le puits correspondant Si ** est ajouté à la fin du résultat, le résultat est préliminaire et l'échantillon doit subir des tests complémentaires pour donner un résultat final ; pour obtenir des instructions supplémentaires, reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un algorithme de retest », page 144
Result Status (État du résultat)	État des résultats de test de l'échantillon
Type	Type de l'échantillon
Cutoff (Seuil)	Type de seuil de l'échantillon
Patient ID	ID de patient associé à l'échantillon
RLU	Résultats en RLU pour l'étalon, le contrôle de qualité ou l'échantillon testé dans le puits de microplaque
Mean RLU (RLU moyenne)	Moyenne des résultats en RLU pour les répliqués

Champ	Description
% CV	CV des résultats pour les répliqués
RLU/CO	Ratio de la RLU pour l'échantillon testé dans le puits de microplaque sur la RLU du seuil de test Lorsque des répliqués sont testés, la valeur affichée est la moyenne des ratios si les répliqués ont le même état de résultat. La valeur est affichée pour chaque résultat si l'état des répliqués est « split result ».
F/C (B/C)	Indique si une balise ou un commentaire est associé à l'étalon, au contrôle de qualité ou à l'échantillon ; la valeur est vide, ce qui signifie qu'il n'y a aucun commentaire, ou Y, avec le commentaire affiché dans la section correspondante du rapport.

Si des commentaires sont associés aux étalons, aux contrôles de qualité ou aux échantillons, ces informations sont affichées dans un autre ensemble de colonnes, situé sous la dernière ligne des données de résultat.

Le tableau suivant décrit les champs de la section de commentaires du rapport sur les colonnes.

Champ	Description
Specimen ID	ID d'étalon, ID de contrôle de qualité ou ID d'échantillon testé
Type	Type de commentaire associé à l'étalon, au contrôle de qualité ou à l'échantillon
Flags/Comments (Balises/Commentaires)	Commentaire associé à l'étalon, au contrôle de qualité ou à l'échantillon

7.33.4 Qu'est-ce qu'un rapport sur les dosages

Le rapport sur les dosages affiche des informations sur la validation des dosages sous un format tabulaire.

Exemple de rapport sur les dosages :

Emerald City Green Labs
 1909 Yellow Brick Road
 Muncinlandz, Oz 68986

HC2 Protocol: High Risk HPV v5.0 **Capture Plate ID: Plate01C** **Assay is: Valid**

Date / Time: 4/16/2015 1:59:43 PM Operator: CooperA
 Kit Lot #: kit014 Expiration Date: 4/16/2016
 Capture Plate ID: Plate01C Room Temp: 25° C
 Hybridization Plate ID: Plate01H Status: Measured
 Edited: Yes
 Validated By: QIAGEN
 Comments:

Assay Verification Summary

RLU Ranges	Protocol Parameters		Assay Values		Initial	Final	Status
	Discard	Outliers	Yes	Mean	NC	27.33	21.50
	NC	10-250	...	Mean HRC	227.00	267.00	Pass
	HRC	20-25 C°	Temperature			25° C	Pass
Max %CV	NC	25%	NC %CV	39.12	23.02	Pass	
	HRC	15%	HRC %CV	32.02	11.65	Pass	
Ratio	Pos/NC	2.0-15.0	Pos/NC		12.41	Pass	
Correction Factors	STM	1.00	Warnings:				
	PreservCyt	1.00					

Calibrator Replicates

Calibrator	RLU	Valid Reps	Calibrator	RLU	Valid Reps
NC	25	25	HRC	289	289
NC	39		HRC	245	245
NC	18	18	HRC	147	

Cutoff / Calculations

Specimen	Primary		Secondary		Tertiary	
	Positive	Negative	Positive	Negative	Positive	Negative
STM	>=267.00	<267.00	>=267.00	<267.00	>=267.00	<267.00
PreservCyt	>=867.50	<267.00	>=267.00	<267.00	>=267.00	<267.00

Specimen Summary

Total # Specimens:	6	Positive Count	2
--------------------	---	----------------	---

Ratios of Quality Controls

Quality Control	Kit Lot	Exp. Date	Range	Max %CV	%CV	RLU	Ratio	Status	Set for Validation
QC1-LR	qchr	8/4/2023	0.00-0.99	25	0.00	49	0.18	Valid	Yes
QC2-HR	qchr	8/4/2022	2.00-8.00	25	0.00	1978	7.40	Valid	Yes



HC2 System Software v.3.4
 Luminometer Serial #:
 RCS Serial #:

Le tableau suivant décrit les champs de l'en-tête du rapport sur les dosages.

Champ	Description
HC2 Protocol (Protocole HC2)	ID du protocole de dosage et numéro de version
Capture Plate ID	ID de plaque de capture dans le logiciel du système <i>digene</i> HC2
Assay is: (Le dosage est)	État de la validation du dosage
Date/Time: (Date/heure)	Date et heure de mesure de la plaque
Kit lot #:	Numéro de lot du kit
Capture Plate ID:	ID de plaque de capture dans le logiciel du système <i>digene</i> HC2
Hybridization Plate ID:	ID de plaque d'hybridation dans le logiciel du système <i>digene</i> HC2
Imported Plate ID:	ID de plaque issu du fichier de sortie Remarque : Ce champ n'est affiché que si l'ID de plaque est modifié pendant la création de la plaque à partir du fichier de sortie.
Edited:	Yes ou No indique si les données ont été saisies manuellement
Validated by	Valideur du protocole de dosage
Comments:	Affiche les commentaires saisis dans la boîte de dialogue Header Information pour la plaque Reportez-vous à « Utilisation de la boîte de dialogue Header Information (Informations d'en-tête) », page 49, pour plus d'instructions.
Operator	ID utilisateur connecté au logiciel du système <i>digene</i> HC2 pendant la mesure d'une plaque

Champ	Description
Expiration Date:	Date d'expiration du kit
Room temperature:	Température ambiante au moment de la mesure de la plaque La température ambiante est précisée par l'utilisateur.
Status:	État de la plaque Measured ou Accepted

Le volet **Assay Verification Summary** (Récapitulatif de vérification du dosage) du rapport sur les dosages est divisé en deux sous-volets d'information. Le sous-volet **Protocol Parameters** (Paramètres du protocole), dans la partie gauche du volet **Assay Verification Summary**, décrit les paramètres du protocole de dosage. Le sous-volet **Assay Values** (Valeurs du dosage), dans la partie droite du volet **Assay Verification Summary**, décrit les résultats du dosage.

Le tableau suivant décrit les champs du sous-volet **Protocol Parameters** du volet **Assay Verification Summary**.

Champ	Description
Discard Outliers (Rejeter les aberrations)	Indique si les aberrations peuvent être éliminées des résultats de test Remarque : Cela ne signifie pas que les aberrations ont réellement été éliminées des résultats de test dans le rapport.
RLU Ranges (Plages en RLU)	Définit les paramètres de RLU et de température des étalons associés au protocole de dosage
Max %CV	Définit les paramètres de CV des étalons associés au protocole de dosage
Ratio	Définit le paramètre de ratio associé au protocole de dosage ; le ratio est la RLU moyenne des étalons positifs divisée par la RLU moyenne des étalons négatifs
Correction Factors	Indique le facteur de correction pour chaque type d'échantillon associé au protocole de dosage.

Le tableau suivant décrit les champs du sous-volet **Assay Values** du volet **Assay Verification Summary**.

Champ	Description
Assay Values	Colonne contenant les paramètres du protocole de dosage requis pour la validation du dosage
Initial	Colonne contenant les résultats, y compris les aberrations
Final	Colonne contenant les résultats, après exclusion des aberrations
Status	Colonne contenant l'état des résultats, Pass (Réussite) ou Fail (Échec), en fonction des informations présentées dans le sous-volet Protocol Parameters
Warnings: (Avertissements)	Messages d'avertissement affichés dans ce champ, s'il y a lieu Remarque : La valeur du champ Warnings: ne doit pas dépasser 255 caractères.

Le volet **Calibrator Replicates** (Réplicats d'étalons) du rapport sur les dosages présente des informations sur les étalons associés au protocole de dosage.

Le tableau suivant décrit les champs du volet **Calibrator Replicates**.

Champ	Description
Calibrator ID (ID d'étalon)	Colonne contenant l'ID d'étalon
RLU	Colonne contenant les résultats en RLU pour l'étalon indiqué
Valid Reps (Réplicats valides)	Colonne contenant les résultats en RLU si l'étalon indiqué a été utilisé pour calculer la moyenne de l'étalon ; si elle est vide, les résultats en RLU ont été rejetés

Le tableau suivant décrit les champs du volet **Cutoff/Calculations** (Seuil/Calculs) du dosage.

Champ	Description
Specimen	Colonne affichant les types d'échantillons associés au protocole de dosage

Champ	Description
Primary	Colonne contenant les valeurs positives et négatives en RLU pour le facteur de seuil primaire
Secondary	Colonne contenant les valeurs positives et négatives en RLU pour le facteur de seuil secondaire
Tertiary	Colonne contenant les valeurs positives et négatives en RLU pour le facteur de seuil tertiaire

Le tableau suivant décrit les champs du volet **Specimen Summary** (Récapitulatif de l'échantillon) du rapport sur les dosages.

Champ	Description
Total # Specimens: (Nbre total d'échantillons)	Indique le nombre total d'échantillons testés
Positive Count (Nombre de positifs)	Indique le nombre total d'échantillons dont la RLU est supérieure au seuil pour le dosage*

* Le nombre de positifs ne dépend pas de l'état des résultats de l'échantillon. Ce nombre inclut les échantillons équivoques et non valides ayant dépassé le seuil du dosage qui n'ont pas l'état de résultat « final ».

Le tableau suivant décrit les colonnes du volet **Ratios of Quality Controls** (Ratios des contrôles de qualité).

Colonne	Description
Quality control	Colonne contenant les ID de contrôle de qualité testés
Kit Lot (Lot du kit)	Colonne contenant le lot du kit associé au contrôle de qualité indiqué
Exp.Date d'expiration)	(Date) Colonne contenant les dates d'expiration des contrôles de qualité indiqués
Range (Plage)	Colonne contenant la plage RLU/CO des contrôles de qualité indiqués, telle que définie par les paramètres du protocole de dosage

Colonne	Description
Max %CV	Colonne contenant le CV maximum spécifié pour les contrôles de qualité indiqués, tel que défini par les paramètres du protocole de dosage
%CV	Colonne contenant le résultat du CV des contrôles de qualité indiqués
RLU	Colonne contenant le résultat en RLU des contrôles de qualité indiqués
Ratio	Colonne contenant le résultat du ratio RLU du contrôle de qualité sur le seuil pour le dosage
Status	Colonne contenant l'état du résultat des contrôles de qualité indiqués
Set for validation (Défini pour validation)	Colonne indiquant si le contrôle de qualité est défini pour être utilisé dans la validation du dosage lorsqu'il est ajouté à la plaque, comme défini par les paramètres du contrôle de qualité ; la valeur est Yes ou No Pour modifier les paramètres d'un contrôle de qualité facultatif, reportez-vous à « Modification d'un contrôle de qualité facultatif », page 168, afin d'obtenir des instructions supplémentaires.

7.34 Génération de rapports sur les échantillons

Après avoir mesuré un échantillon, vous pouvez générer les rapports pour des échantillons distincts. Les rapports disponibles pour les échantillons sont les rapports sur les échantillons individuels et les rapports d'historique des échantillons. Les rapports sur les échantillons sont accessibles dans l'onglet **Assay Protocols**.

1. Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez un ID de protocole de dosage dans le volet **IVD Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **Specimens...**

La fenêtre **Specimen List** s'ouvre.

2. Cochez les cases pertinentes du volet **Filter by Specimen Status** pour filtrer la liste des échantillons affichée.

Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **Specimen List** », page 80, pour plus d'instructions.

3. Dans la liste des échantillons, sélectionnez l'ID d'échantillon pertinent pour le rapport.
4. Pour visualiser le rapport sur les échantillons individuels, cliquez sur le bouton **View ISR**. Pour visualiser le rapport sur l'historique d'échantillon, cliquez sur le bouton **History**.
La fenêtre **QIAGEN Report Viewer** s'ouvre. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **QIAGEN Report Viewer** », page 114, pour plus d'instructions.
5. Cliquez sur **Close** pour revenir à la fenêtre **Specimen List**.

7.34.1 Qu'est-ce qu'un rapport sur les échantillons individuels

Le rapport sur les échantillons individuels n'est disponible que pour les échantillons qui ont été validés. Reportez-vous à « Validation des résultats », page 215, pour obtenir des instructions supplémentaires.

Le rapport sur les échantillons individuels comprend les informations suivantes :

- Les informations d'en-tête du laboratoire, dont le nom du laboratoire et son adresse
Pour obtenir des instructions pour modifier les informations d'en-tête du laboratoire, reportez-vous à « Modification des informations du laboratoire », page 125.
- La version du logiciel du système *digene* HC2 utilisée pour mesurer la plaque
- Le numéro de série de l'instrument DML utilisé pour mesurer la plaque
- Le numéro de série du RCS utilisé pour réaliser le test, s'il y a lieu
- La mention **IVD** en regard du logo QIAGEN, indiquant que les résultats ont été obtenus en utilisant un protocole de dosage IVD validé

Exemple de rapport sur les échantillons individuels :

Date Reported: 3/19/2015 2:06:07 PM

Emerald City Green Labs
1909 Yellow Brick Road
Munchkinlandz, Oz 68986

Physician: _____ Doctor

Patient Information:

Patient ID	Patient	DOB	Sex
PAT-001	Patience,Constant	3/9/1999	Female

Specimen ID:

ddd25

Results:

Protocol ID	Specimen ID	Edited	Measured	Result	Status
High Risk HPV	ddd25	Yes	3/19/2015	High Risk	Final



Le tableau suivant décrit les champs du rapport sur les échantillons individuels.

Champ	Description
Physician: (Médecin)	Médecin du patient Remarque : Cette information est affichée uniquement si elle a été saisie dans le logiciel du système <i>digene</i> HC2.
Patient Information: (Informations sur le patient)	Informations relatives au patient Remarque : Cette information est affichée uniquement si elle a été saisie dans le logiciel du système <i>digene</i> HC2.
Specimen ID:	ID de l'échantillon testé
Results: (Résultats)	Volet affichant les résultats de l'échantillon testé

Champ	Description
Protocol ID (ID de protocole)	Colonne affichant les protocoles de dosage utilisés pour l'échantillon testé
Specimen ID	Colonne affichant l'ID des échantillons testés
Edited	Yes ou No indique si les données ont été saisies manuellement
Measured	Colonne affichant la date de détermination des résultats de test pour l'échantillon testé
Result	Colonne affichant les résultats de test pour l'échantillon testé
Status	Colonne affichant l'état des résultats de test pour l'échantillon testé

7.34.2 Qu'est-ce qu'un rapport sur l'historique de l'échantillon

Le rapport sur l'historique de l'échantillon affiche l'historique d'un échantillon lors de la génération du rapport.

Le rapport sur l'historique de l'échantillon comprend les informations suivantes :

- Les informations d'en-tête du laboratoire, dont le nom du laboratoire et son adresse
Pour obtenir des instructions pour modifier les informations d'en-tête du laboratoire, reportez-vous à « Modification des informations du laboratoire », page 125.
- La version du logiciel du système *digene* HC2 utilisée pour mesurer la plaque
- Le numéro de série de l'instrument DML utilisé pour mesurer la plaque
- La mention **IVD** en regard du logo QIAGEN, indiquant que les résultats ont été obtenus en utilisant un protocole de dosage IVD validé

L'en-tête du rapport sur l'historique de l'échantillon précise l'ID de protocole de dosage et l'ID d'échantillon. Les commentaires sont affichés sous l'ID d'échantillon. S'il y a lieu, le rapport comporte des commentaires sur les actions ou les modifications d'état suivantes :

- L'échantillon est importé depuis un fichier
- L'ID d'échantillon ou l'ID de plaque est modifié lors de la création d'une plaque à partir d'un fichier de sortie d'un instrument de pré-analyse

- L'échantillon a un état « unclear » ou « invalid » associé aux commentaires du fichier de sortie
- L'état « unclear » ou « invalid » des résultats est effacé
- L'échantillon est modifié
- L'échantillon est défini sur « re-measure » ou « QNS »
- Un retest est créé pour un échantillon avec l'état de résultat « preliminary »
- La plaque contenant l'échantillon est validée
- La plaque contenant l'échantillon est transmise


Exemple de rapport sur l'historique de l'échantillon :

Printed on: 3/19/2015 2:33:47 PM

Specimen History Report for High Risk HPV Specimen ddd25.

Emerald City Green Labs
1909 Yellow Brick Road
Munchkinland, Oz 68986

No.	Tested Assay Protocol	Specimen ID	Retest ID	Edited	Time of Event	User	Result	Status	Ratio	RLU
1	High Risk HPV	ddd25			3/19/2015 2:05:00 PM	CooperA				
	..Comment:	Plate Accepted								
2	High Risk HPV	ddd25			3/19/2015 2:04:10 PM	Digene	High Risk			
	..Comment:	Patient set to PAT-001.								
3	High Risk HPV	ddd25		Yes	3/19/2015 1:58:59 PM	Digene	High Risk	Final	3.07	800

 IVD
 HC2 System Software v.3.4
Luminometer Serial #: 2000

Le tableau suivant décrit les champs du rapport sur l'historique de l'échantillon.

Champ	Description
No. (N°)	Colonne affichant la liste séquentielle, commençant par le plus récent, des tests ou des actions utilisateur réalisés pour l'échantillon concerné
Tested Assay Protocol (Protocole de dosage testé)	Colonne affichant l'ID de protocole de dosage utilisé pour tester l'échantillon concerné
Specimen ID	Colonne affichant l'ID du ou des échantillons concernés

Champ	Description
Retest ID	Affiche l'état de l'algorithme de retest ; le champ est vide si l'échantillon ne fait pas l'objet d'un nouveau test. 1 indique le premier retest (ou le deuxième dosage) de l'échantillon ; 2 indique le second retest (ou le troisième dosage) de l'échantillon Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un algorithme de retest », page 144, pour plus d'instructions.
Edited	Yes ou No indique si les données ont été saisies manuellement
Time of Event (Heure de l'événement)	Colonne affichant la date et l'heure de l'action pour l'échantillon concerné
User	Colonne affichant l'ID utilisateur qui était connecté au moment où l'action a eu lieu pour l'échantillon concerné
Result	Colonne affichant le résultat pour l'échantillon concerné
Status	Colonne affichant l'état des résultats, Preliminary ou Final , pour l'échantillon concerné
Ratio	Colonne affichant le résultat du ratio (RLU/CO) pour l'échantillon concerné
RLU	Colonne contenant les résultats en RLU pour l'échantillon indiqué

7.35 Qu'est-ce qu'un résultat de test

Une plaque est validée sur la base des paramètres du protocole de dosage. Les plaques de capture valides et non valides sont affichées dans le volet **Measured Capture Plates** de l'onglet **Plates**. Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un protocole de dosage », page 138, pour obtenir des informations supplémentaires.

Une plaque de capture dont la mesure a réussi a l'état « measured ». Selon les paramètres du protocole de dosage, les échantillons reçoivent un résultat et un état de résultat. Le type et les

paramètres du protocole de dosage déterminent le résultat et l'état de résultat associés aux échantillons.

Important : Pour obtenir une explication des résultats d'échantillon possibles, reportez-vous au mode d'emploi pertinent fourni avec le kit de test.

Si le dosage est non valide, les échantillons ont l'état « invalid » et le logiciel du système *digene* HC2 ne rapporte pas les résultats des échantillons. Si un dosage est non valide parce que le CV des étalons est hors plage, le seuil du dosage ne peut pas être déterminé. Les résultats des contrôles de qualité figurant sur la plaque sont rapportés comme **0.00**.

7.35.1 Visualisation des résultats de validation du dosage

Les résultats de la mesure de plaque peuvent être consultés par le biais des différents rapports générés par le logiciel du système *digene* HC2. Le rapport sur les dosages affiche des informations sur la validation des dosages sous un format tabulaire. Reportez-vous à « Génération de rapports de test », page 190, pour plus d'instructions.

7.35.2 Qu'est-ce qu'un résultat fractionné

Si un échantillon est testé en double sur une plaque, les deux répliqués peuvent avoir des résultats différents. Le logiciel du système *digene* HC2 gère les résultats fractionnés en fonction des critères décrits dans le tableau suivant.

Type de protocole de dosage	Paramètre « Results Final »	État des résultats fractionnés
Consensuel	No	Un ID de retest est créé pour l'échantillon et les deux répliqués ont l'état de résultat « preliminary ». Le résultat final de l'échantillon est déterminé sur la base du troisième test de l'échantillon, défini par l'algorithme de retest.
Consensuel	Yes	Le résultat de l'échantillon est fractionné, avec l'état de résultat « final ».
Non consensuel	Sans objet	Le résultat de l'échantillon est fractionné, avec l'état de résultat

Type de protocole de dosage	Paramètre « Results Final »	État des résultats fractionnés
		« final ».

7.35.3 Suppression de l'état d'un échantillon

Si un échantillon a un état de résultat « unclear » ou « invalid » sur la base du fichier de sortie d'un instrument de pré-analyse, l'état des résultats de l'échantillon doit être effacé avant toute nouvelle tentative de mesure de l'échantillon. Le fait d'effacer l'état des résultats d'un échantillon modifie l'état de l'échantillon en « unmeasured », avec un état des résultats de « no result » (aucun résultat).

Vous pouvez effacer l'état de résultat « unclear » ou « invalid » uniquement avant que la plaque contenant l'échantillon ait été validée. Par ailleurs, un échantillon doté d'un état de résultat « unclear » ou « invalid » ne peut pas être défini sur « QNS ».

Si vous n'effacez pas l'état de résultat de l'échantillon, le système *digene* HC2 n'autorise pas l'importation du même ID d'échantillon ni son utilisation dans une plaque. Le système *digene* HC2 considère l'ID d'échantillon comme un double et demande à l'utilisateur de le modifier.

L'action de suppression de l'échantillon est conservée dans l'historique de l'échantillon.

1. Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez un ID de protocole de dosage dans le volet **IVD Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **Specimens....**

La fenêtre **Specimen List** s'ouvre.

2. Dans le volet **Filter by Specimen Status**, décochez toutes les cases dans la deuxième colonne, sauf la case **Processing Errors**.

La liste affiche uniquement les échantillons dont l'état est « unclear » ou « invalid ».

3. Sélectionnez l'ID d'échantillon pertinent et cliquez sur le bouton **Clear Import**.

Remarque : Pour effacer l'état de plusieurs échantillons, mettez en surbrillance les ID correspondant dans la liste et cliquez sur le bouton **Clear Import**.

Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la suppression de l'état de chaque échantillon.

4. Cliquez sur le bouton pertinent pour effacer l'état de l'échantillon.

L'état de l'échantillon devient « unassigned » et l'échantillon est affiché dans la liste des échantillons non attribués du protocole de dosage.

5. Cliquez sur **OK** pour fermer la fenêtre **Specimen List**.

7.35.4 Nouvelle mesure d'une plaque

Vous pouvez effacer les résultats d'une plaque mesurée si elle n'a pas été validée. La désignation d'une plaque en vue d'une nouvelle mesure modifie l'état de la plaque en « unmeasured ». L'état des échantillons sur la plaque passe de « measured » à « unassigned ». Les résultats de la mesure effacée et l'action de modification de l'état des échantillons sont conservés dans le rapport sur l'historique de l'échantillon. Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un rapport sur l'historique de l'échantillon », page 208, pour obtenir des informations supplémentaires. Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent utiliser cette fonction.

1. Dans l'onglet **Plates**, sélectionnez une plaque mesurée dans le volet **Measured Capture Plates**.

2. Cliquez sur le bouton **Re-measure**.

Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la demande de nouvelle mesure de la plaque.

3. Cliquez sur le bouton pertinent pour remesurer la plaque.

La plaque est retirée du volet **Measured Capture Plates** et s'affiche dans le volet **Unmeasured Hybridization Plates**. L'état « unmeasured » est attribué aux échantillons.

7.35.5 Nouvelle mesure d'un échantillon

Vous pouvez effacer les résultats d'un échantillon mesuré si la plaque qui contenait l'échantillon n'a pas été validée. La désignation d'un échantillon en vue d'une nouvelle mesure modifie l'état de l'échantillon de « measured » à « unassigned ». Les résultats de la mesure effacée et l'action de modification de l'état de l'échantillon sont conservés dans le rapport sur l'historique de l'échantillon. Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un rapport sur l'historique de l'échantillon », page 208, pour obtenir des informations supplémentaires.

Seuls les utilisateurs dotés du niveau d'accès superviseur peuvent utiliser cette fonction.

1. Dans l'onglet **Assay Protocols**, sélectionnez un ID de protocole de dosage dans le volet **IVD Assay Protocols** et cliquez sur le bouton **Specimens....**

La fenêtre **Specimen List** s'ouvre.

2. Sélectionnez l'ID d'échantillon à remesurer et cliquez sur le bouton **Re-measure**.

Remarque : Pour remesurer plusieurs échantillons, mettez les ID d'échantillon concernés en surbrillance dans la liste et cliquez sur le bouton **Re-measure**.

Une boîte de dialogue s'ouvre et affiche une mise en garde concernant la suppression des résultats associés à l'échantillon.

3. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Set specimen for Remeasure?** (Définir l'échantillon pour la remesure ?) s'ouvre.

4. Saisissez un commentaire dans la boîte de dialogue, si vous le souhaitez.

Remarque : Le commentaire saisi est inclus dans le rapport sur l'historique de l'échantillon.

5. Cliquez sur **OK**.

L'état de l'échantillon devient « unassigned ».

6. Cliquez sur **OK** pour fermer la fenêtre **Specimen List**.

7.36 Validation des résultats

La validation des résultats signifie qu'un utilisateur autorisé a déterminé que les résultats associés à une plaque sont satisfaisants et peuvent être rapportés en tant que résultats de test. Le niveau d'accès requis pour valider une plaque dépend de la case **Allow only Supervisor level acceptance of results** (Autoriser uniquement la validation des résultats au niveau Superviseur) de l'onglet **Utilities/Settings**. Si un utilisateur ne dispose pas du niveau d'accès requis, une boîte de dialogue s'ouvre et l'avertit qu'il ne peut pas valider les résultats. Reportez-vous à « Détermination du niveau d'accès requis pour valider les résultats », page 124, pour plus d'instructions.

Seuls les résultats des plaques de capture mesurées peuvent être validés. Avant de valider les résultats, l'utilisateur doit examiner les différents rapports disponibles pour déterminer si les résultats sont acceptables. Reportez-vous à « Génération de rapports de test », page 190, pour obtenir des informations supplémentaires.

Lorsqu'une plaque non valide est validée, les échantillons figurant sur la plaque sont retirés et ne sont pas affichés dans les rapports. L'état des échantillons retirés devient « unassigned ».

Lorsqu'un utilisateur valide des résultats, sa signature électronique est jointe à la plaque. Les rapports sur la plaque et sur les dosages affichent la signature électronique de l'utilisateur. Reportez-vous à « Qu'est-ce qu'un rapport sur les plaques », page 193, et à « Qu'est-ce qu'un rapport sur les dosages » page 200, pour plus d'instructions.

Un utilisateur différent de celui qui est connecté au logiciel du système *digene* HC2 peut valider les résultats en cochant la case **Sign as Guest** (Signer en tant qu'hôte), comme décrit ci-dessous.

Une fois les résultats du test validés, ils ne peuvent plus être modifiés et ils sont automatiquement ajoutés à la base de données pour l'établissement de tendances. Seuls les résultats validés peuvent être exportés.

1. Dans l'onglet **Plates**, sélectionnez un ID de plaque de capture dans le volet **Measured Capture Plates** et cliquez sur le bouton **Accept Results**.

La boîte de dialogue **eSignature** (Signature électronique) s'ouvre.

2. Si l'utilisateur actuel valide les résultats, saisissez le mot de passe **eSign** pertinent dans le champ de dialogue **eSign Password**.

Si un autre utilisateur doit valider les résultats, cochez la case **Sign as Guest**. Les champs de dialogue **Guest Login**: (Nom de connexion de l'hôte) et **Login Password**: (Mot de passe de

connexion) apparaissent. Saisissez l'ID utilisateur et le mot de passe eSign de l'utilisateur concerné.

3. S'il y a lieu, cochez la case **Change Password** pour l'utilisateur actuel afin de modifier le mot de passe eSign associé lors de la validation des résultats.

Les champs de dialogue **Old eSign Password:** (Ancien mot de passe eSign), **New eSign Password:** (Nouveau mot de passe eSign) et **Confirm Password:** apparaissent. Saisissez les informations pertinentes.

4. Cliquez sur **OK**.

Une boîte de dialogue vous invite à confirmer la validation des résultats.

5. Cliquez sur **Yes** pour valider les résultats.

Si la plaque contient un dosage non valide, une boîte de dialogue s'ouvre et indique que les échantillons associés au dosage non valide seront retournés dans la liste des échantillons non attribués.

L'ID de plaque de capture s'affiche dans le volet **Accepted Capture Plates**, les données associées à la plaque sont ajoutées à la base de données des tendances et les données peuvent être exportées vers un LIS ou vers un fichier.

7.37 Génération de rapports sur les tendances

Le logiciel du système *digene* HC2 tient à jour une base de données permettant de générer des rapports sur les tendances. Un rapport sur les tendances peut être généré pour les contrôles de qualité, les étalons, les échantillons ou les patients. Si vous utilisez un DML 2000, un rapport sur les tendances peut être généré pour les relevés de mesures du bruit de fond. Si des modifications sont apportées aux informations concernées, la base de données est mise à jour automatiquement.

Tous les rapports sur les tendances incluent les informations suivantes :

- Les informations d'en-tête du laboratoire, dont le nom du laboratoire et son adresse
Pour obtenir des instructions pour modifier les informations d'en-tête du laboratoire, reportez-vous à « Modification des informations du laboratoire », page 125.
- La version du logiciel du système *digene* HC2 utilisée pour mesurer la plaque
- Le numéro de série de l'instrument DML actuellement sélectionné dans le logiciel du système *digene* HC2
- La mention **IVD** en regard du logo **QIAGEN**, indiquant que les résultats ont été obtenus en utilisant un protocole de dosage IVD validé

1. Dans l'onglet **Trends**, cliquez sur le bouton radio pertinent du volet **Protocol Filter**.

2. Dans les champs de dialogue **Start Date** et **End Date** du volet **Trend Range**, saisissez la période pertinente pour le rapport sur les tendances.

3. Dans le volet **Trend Data**, cliquez sur le bouton radio correspondant au type de rapport souhaité.

Si vous générez un rapport sur les tendances pour les mesures du bruit de fond, sélectionnez l'instrument DML concerné dans la liste déroulante du volet **Serial Number for Trend**.

Remarque : Les rapports sur les tendances pour les relevés du bruit de fond de la plaque ne peuvent être générés que sur les instruments DML 2000.

Si des données de tendances existent pour le type de rapport sélectionné, les ID pour lesquels des données sont disponibles apparaissent dans la liste.

4. Sélectionnez l'ID pertinent dans la liste et cliquez sur le bouton **Trend...**

La fenêtre **QIAGEN Report Viewer** affiche le rapport. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **QIAGEN Report Viewer** », page 114, pour plus d'instructions.

7.37.1 Qu'est-ce qu'un rapport sur les tendances du patient

Le rapport sur les tendances du patient inclut tous les échantillons testés qui sont associés à un patient. Pour qu'un rapport sur les tendances soit disponible, plusieurs résultats de test d'échantillons doivent avoir été validés pour un patient. Le rapport inclut un graphique du ratio pour chaque résultat d'échantillon. Des symboles différents désignent des types d'échantillons différents sur le graphique, s'il y a lieu.

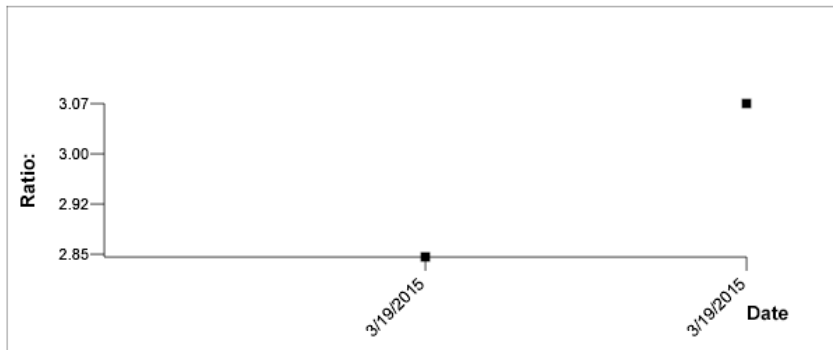
Exemple de rapport d'établissement des tendances d'un patient :

Emerald City Green Labs
1909 Yellow Brick Road
Munchkinlandz, Oz 68986

High Risk HPV Patient Trending

Patient Name: Constant Patience **Physician's Name:** Doctor
Patient ID: PAT-001
Date of Birth: 3/9/1999 **Age:** 16 **Sex:** Female

Draw Date	Ratio	Comments	Specimen ID	Measure Date	Specimen Type
3/19/2015	2.85		ddd26	3/19/2015	PreservCyt
3/19/2015	3.07		ddd25	3/19/2015	PreservCyt



Medications:

Additional Data:

Date	Notes
------	-------



HC2 System Software v.3.4
Luminometer Serial #:
RCS Serial #:

Le tableau suivant décrit les champs du rapport sur les tendances du patient.

Champ	Description
Patient Name: (Nom du patient)	Nom du patient
Physician's Name: (Nom du médecin)	Nom du médecin
Patient ID:	ID associé au patient dans le logiciel du système <i>digene</i> HC2
Date of Birth: (Date de naissance)	Date de naissance du patient
Age: (Âge)	Âge du patient
Sex: (Sexe)	Sexe du patient
Draw Date (Date de prélèvement)	Colonne affichant la date de prélèvement de l'échantillon
Ratio	Colonne affichant le résultat du ratio (RLU/CO) pour l'échantillon
Comments	Colonne affichant les commentaires relatifs à l'échantillon
Specimen ID	Colonne contenant l'ID d'échantillon
Measure Date (Date de la mesure)	Colonne affichant la date à laquelle la plaque de capture contenant l'échantillon a été mesurée
Specimen Type (Type d'échantillon)	Colonne affichant le type de l'échantillon
Medications:	Champ de dialogue affichant les médicaments associés au patient

Champ	Description
Additional Data: (Données supplémentaires)	Champ de dialogue affichant les commentaires associés au patient

7.37.2 Qu'est-ce qu'un rapport sur l'établissement des tendances des contrôles de qualité

Le rapport sur les tendances du contrôle de qualité inclut tous les résultats pour un numéro de lot précis d'un contrôle de qualité. Le rapport inclut un graphique du ratio pour chaque résultat de contrôle de qualité. Des symboles différents désignent des lots de kits de tests différents sur le graphique, s'il y a lieu.

Exemple de rapport sur l'établissement des tendances des contrôles de qualité :

Emerald City Green Labs
1909 Yellow Brick Road
Munchkinlandz, Oz 68986

Quality Control Trending

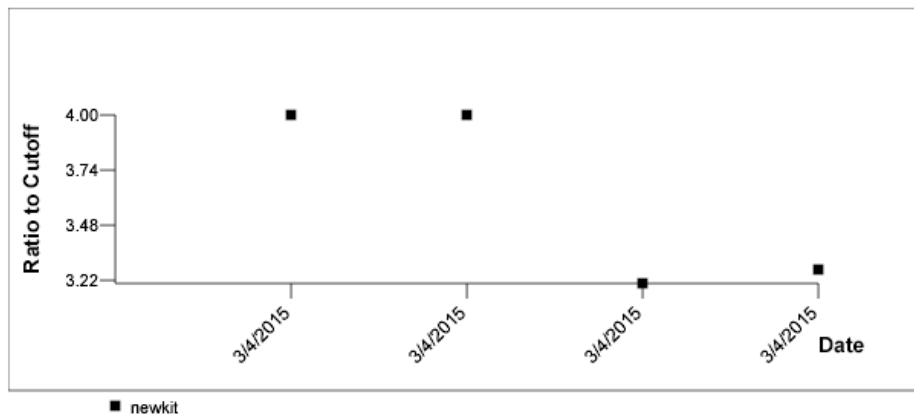
Quality Control: CT+

Lot #: qcctplus

Exp Date: 8/4/2016 11:59:59 PM

Upper Bounds 20.00
Lower Bounds 1.00

Assay Date	Ratio	Kit lot
3/4/2015	4.00	newkit
3/4/2015	4.00	newkit
3/4/2015	3.22	newkit
3/4/2015	3.28	newkit





HC2 System Software v.3.4
Luminometer Serial #:
RCS Serial #:

Le tableau suivant décrit les champs du rapport sur les tendances du contrôle de qualité.

Champ	Description
Quality Control:	ID de contrôle de qualité défini dans les paramètres du protocole de dosage
Lot #: (N° de lot)	Numéro de lot du contrôle de qualité
Exp Date: (Date d'expiration)	Date d'expiration du contrôle de qualité
Upper Bounds (Limites supérieures)	Limite supérieure du résultat du ratio (RLU/CO) du contrôle de qualité, telle que définie dans les paramètres du contrôle de qualité
Lower Bounds (Limites inférieures)	Limite inférieure du résultat du ratio (RLU/CO) du contrôle de qualité, telle que définie dans les paramètres du contrôle de qualité
Assay Date: (Date du dosage)	Colonne affichant la date à laquelle la plaque de capture contenant le contrôle de qualité a été mesurée
Ratio	Colonne affichant le résultat du ratio (RLU/CO) pour le contrôle de qualité
Kit lot	Colonne affichant le numéro de lot du kit de test

7.37.3 Qu'est-ce qu'un rapport sur l'établissement des tendances des étalons par lot du kit

Le rapport sur les tendances de l'étalon par lot du kit inclut un graphique des résultats du ratio (RLU/CO) pour les étalons d'un protocole de dosage. Des symboles différents désignent des lots de kits différents sur le graphique, s'il y a lieu.

Exemple de rapport sur l'établissement des tendances des étalons par lot du kit :

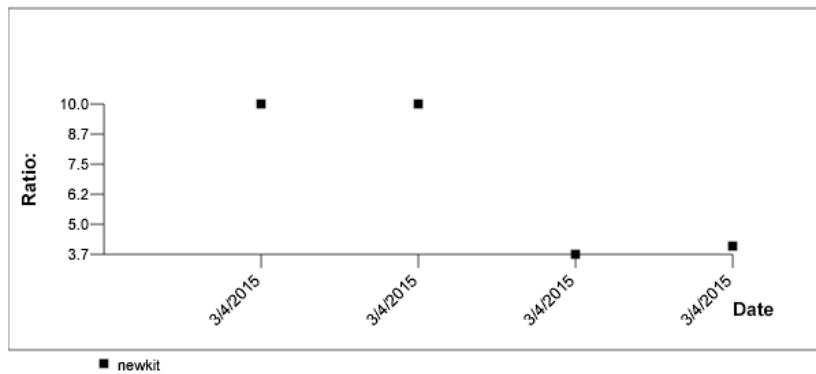
Calibrator Trending By Kit Lot - PC CTGC / NC

Emerald City Green Labs
1909 Yellow Brick Road
Munchkinlandz, Oz 68986

Protocol: CTGC

Upper Bounds 20.0
Lower Bounds 2.0

Assay Date	Kit lot	Ratio By Kit Lot - PC CTGC / NC
3/4/2015	newkit	10.00
3/4/2015	newkit	10.00
3/4/2015	newkit	3.71
3/4/2015	newkit	4.05



HC2 System Software v.3.4
Luminometer Serial #:
RCS Serial #:

Le tableau suivant décrit les champs du rapport sur les tendances de l'étalon par lot du kit.

Champ	Description
Protocol:	Protocole de dosage auquel les étalons sont associés
Upper Bounds	Limite supérieure du résultat du ratio (RLU/CO) des étalons, telle que définie dans les paramètres du contrôle de qualité
Lower Bounds	Limite inférieure du résultat du ratio (RLU/CO) des étalons, telle que définie dans les paramètres du contrôle de qualité
Assay Date:	Colonne affichant la date à laquelle la plaque de capture contenant les étalons a été mesurée
Kit lot	Colonne affichant le numéro de lot du kit de test
Ratio By Kit Lot – HRC/NC (Ratio par lot du kit - HRC/NC)	Colonne affichant le résultat du ratio (RLU/CO) des étalons

Le tableau suivant décrit les champs du rapport sur les tendances des étalons par utilisateur.

Champ	Description
Protocol	Protocole de dosage auquel les étalons sont associés
Upper Bounds	Limite supérieure du résultat du ratio (RLU/CO) des étalons, telle que définie dans les paramètres du contrôle de qualité
Lower Bounds	Limite inférieure du résultat du ratio (RLU/CO) des étalons, telle que définie dans les paramètres du contrôle de qualité
Assay Date	Colonne affichant la date à laquelle la plaque de capture contenant les étalons a été mesurée
User	Colonne affichant l'utilisateur connecté lorsque la plaque de capture a été mesurée
Ratio By Kit Lot – HRC/NC	Colonne affichant le résultat du ratio (RLU/CO) des étalons

7.37.5 Qu'est-ce qu'un rapport sur les tendances de l'échantillon

Le rapport sur les tendances de l'échantillon inclut tous les résultats pour un échantillon. Pour qu'un rapport sur les tendances de l'échantillon soit disponible, plusieurs résultats de test doivent avoir été validés pour un échantillon.

Les échantillons ayant des résultats équivoques ou non valides ne sont pas inclus dans le rapport sur les tendances de l'échantillon.

Exemple de rapport d'établissement des tendances de l'échantillon :

Printed on: 3/19/2015 2:52:11 PM

Specimen Trends (ddd25)

Emerald City Green Labs
1909 Yellow Brick Road
Munchkinlandz, Oz 68986

Assay Protocol	Draw Date	Patient ID	Hyb. ID	Specimen Type	Cutoff Type	Measure Date	Primary Conc / Ratio	Secondary Conc	Result	Comments
High Risk HPV	3/19/2015	PAT-001	Plate01H	PreservCyt	Primary	3/19/2015	3.07		High Risk/ Final	
Low Risk HPV	3/19/2015	PAT-001	Plate02H	PreservCyt	Primary	3/19/2015	2.5		Low Risk/ Final	



HC2 System Software v.3.4
Luminometer Serial #: 2000

Le tableau suivant décrit les colonnes du rapport sur les tendances de l'échantillon.

Colonne	Description
Assay Protocol	Colonne affichant le protocole de dosage utilisé pour tester l'échantillon
Draw Date	Colonne affichant la date de prélèvement de l'échantillon
Patient ID	Colonne affichant l'ID de patient associé à l'échantillon
Hyb. ID (ID hyb.)	Colonne affichant l'ID de plaque d'hybridation associé à l'échantillon
Specimen Type	Colonne affichant le type d'échantillon associé à l'échantillon

Colonne	Description
Cutoff Type	Colonne affichant le type de seuil utilisé pour déterminer le résultat
Measure Date	Colonne affichant la date à laquelle la plaque de capture contenant l'échantillon a été mesurée
Primary Conc/Ratio (Conc. primaire/ratio)	Colonne affichant le résultat du ratio (RLU/CO) pour l'échantillon
Secondary Conc (Conc. secondaire)	Cette colonne ne contient aucune information pertinente pour les protocoles de dosage qualitatif et reste vide
Result	Colonne affichant les résultats pour l'échantillon
Comments	Colonne affichant les commentaires associés à l'échantillon

7.37.6 Qu'est-ce qu'un rapport sur les tendances de la valeur de référence du bruit de fond (100)

Le rapport sur les tendances de la valeur de référence du bruit de fond (100) concerne uniquement le DML 2000.

Ce rapport inclut un graphique des résultats en RLU moyen, minimum et maximum pour chaque relevé de référence du bruit de fond (100) effectué sur l'instrument DML indiqué.

Le rapport sur les tendances de la valeur de référence du bruit de fond (100) doit être examiné régulièrement. L'établissement des tendances doit être cohérent avec la ligne moyenne, indiquant une variation minimale vers le haut ou vers le bas. Surveillez toute tendance constante vers le haut ou vers le bas et contactez les services techniques de QIAGEN pour obtenir de l'aide.

Exemple du rapport sur les tendances de valeur de référence de bruit de fond (100) :

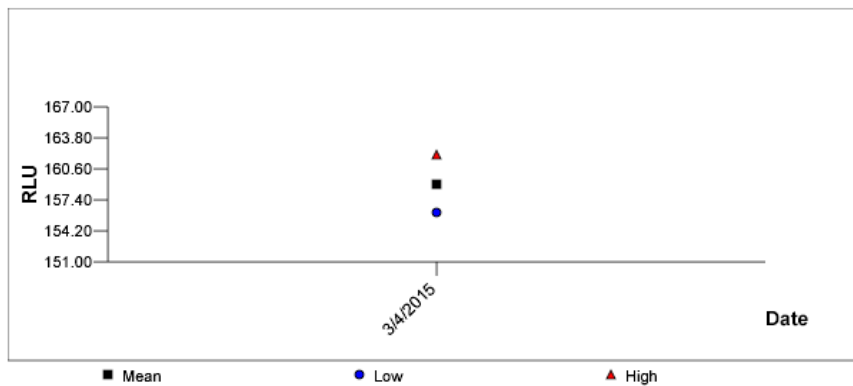
Emerald City Green Labs
1909 Yellow Brick Road
Munchkinlandz, Oz 68986

Printed on: 3/19/2015 2:57:56 PM

2000 Background Baseline (100) Trend Report from 3/18/2014 to 3/19/2015

Background Measurements

Date	Average	Range	Min	Max
3/4/2015	159	6	156	162



HC2 System Software v.3.4
Instrument Serial #: 2000

Le tableau suivant décrit les colonnes du rapport sur les tendances de la valeur de référence du bruit de fond (100).

Colonne	Description
Date	Colonne affichant la date du relevé de référence du bruit de fond (100) réalisé pour l'instrument DML indiqué
Average (Moyenne)	Colonne affichant le résultat en RLU moyen du relevé de référence du bruit de fond (100) réalisé pour l'instrument DML indiqué
Range	Colonne affichant la plage du relevé de référence du bruit de fond (100) réalisé pour l'instrument DML indiqué
Min	Colonne affichant la valeur en RLU minimum du relevé de référence du bruit de fond (100) réalisé pour l'instrument DML indiqué
Max	Colonne affichant la valeur en RLU maximum du relevé de référence du bruit de fond (100) réalisé pour l'instrument DML indiqué

7.37.7 Qu'est-ce qu'un rapport sur les tendances du bruit de fond de la plaque (10)

Le rapport sur les tendances du bruit de fond de la plaque (10) concerne uniquement le DML 2000.

Ce rapport inclut un graphique des résultats en RLU moyen, minimum et maximum pour chaque relevé du bruit de fond de la plaque (10) effectué sur l'instrument DML indiqué.

Le rapport sur les tendances du bruit de fond de la plaque (10) doit être examiné régulièrement. L'établissement des tendances doit être cohérent avec la ligne moyenne, indiquant une variation minimale vers le haut ou vers le bas. Surveillez toute tendance constante vers le haut ou vers le bas et contactez les services techniques de QIAGEN pour obtenir de l'aide.

Exemple de rapport sur les tendances du bruit de fond de la plaque (10) :

Emerald City Green Labs
 1909 Yellow Brick Road
 Munchkinlandz, Oz 68986

Printed on: 3/19/2015 2:59:10 PM

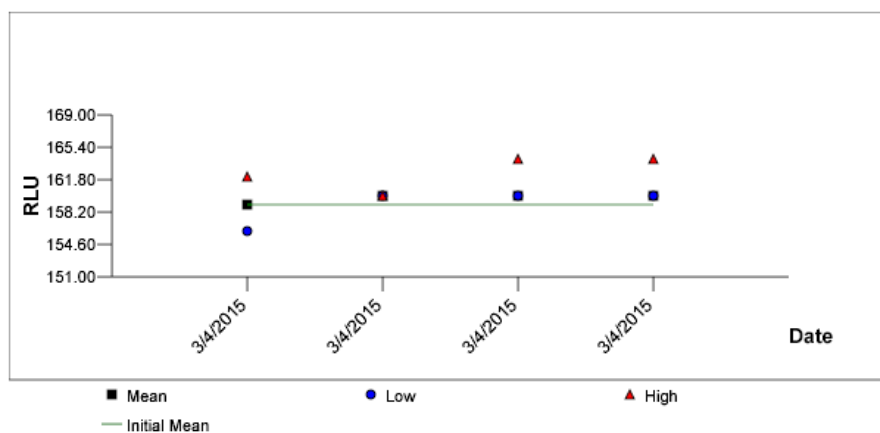
2000 Plate Background (10) Measurements from 3/18/2014 to 3/19/2015

Current Background Baseline

Date	Average	Range	Min	Max
3/4/2015	159	6	156	162

Plate Background Measurements

Date	Average	Range	Min	Max
3/4/2015	160	0	160	160
3/4/2015	160	4	160	164
3/4/2015	160	4	160	164



Le tableau suivant décrit les colonnes affichées dans la section **Current Background Baseline** (Bruit de fond de référence actuel) du rapport sur les tendances du bruit de fond de la plaque (10).

Colonne	Description
Date	Colonne affichant la date du dernier relevé du bruit de fond de la plaque (10) réalisé pour l'instrument DML indiqué
Average	Colonne affichant le résultat en RLU moyen du dernier relevé du bruit de fond de la plaque (10) réalisé pour l'instrument DML indiqué

Colonne	Description
Range	Colonne affichant la plage du dernier relevé du bruit de fond de la plaque (10) réalisé pour l'instrument DML indiqué
Min	Colonne affichant le résultat en RLU minimum du dernier relevé du bruit de fond de la plaque (10) réalisé pour l'instrument DML indiqué
Max	Colonne affichant le résultat en RLU maximum du dernier relevé du bruit de fond de la plaque (10) réalisé pour l'instrument DML indiqué

Le tableau suivant décrit les colonnes affichées dans la section **Plate Background Measurements** (Mesures du bruit de fond de la plaque) du rapport sur les tendances du bruit de fond de la plaque (10).

Colonne	Description
Date	Colonne affichant la date du dernier relevé du bruit de fond de la plaque (10) réalisé pour l'instrument DML indiqué
Average	Colonne affichant le résultat en RLU moyen du dernier relevé du bruit de fond de la plaque (10) réalisé pour l'instrument DML indiqué
Range	Colonne affichant la plage du dernier relevé du bruit de fond de la plaque (10) réalisé pour l'instrument DML indiqué
Min	Colonne affichant le résultat en RLU minimum du dernier relevé du bruit de fond de la plaque (10) réalisé pour l'instrument DML indiqué
Max	Colonne affichant le résultat en RLU maximum du dernier relevé du bruit de fond de la plaque (10) réalisé pour l'instrument DML indiqué

7.38 Sauvegarde des données

QIAGEN recommande de conserver en permanence une sauvegarde externe des données pour reconstruire les fichiers, données ou programmes perdus ou altérés. QIAGEN n'est pas

responsable de la perte des données. La totalité du disque dur doit être concernée par la sauvegarde.

7.39 Exportation de données

Les données associées aux plaques validées peuvent être exportées depuis le logiciel du système *digene* HC2 vers un LIS ou un fichier texte. Avant d'exporter une plaque, vous devez configurer le logiciel du système *digene* HC2 pour l'exportation de données. Reportez-vous à « Gestion des paramètres d'exportation des données », page 128, pour plus d'instructions.

L'exportation de données vers un LIS nécessite d'établir une connexion avec un ordinateur LIS hôte et d'exporter les données. Vous pouvez effectuer jusqu'à 3 tentatives pour vous connecter à l'ordinateur LIS hôte avant que l'exportation des données échoue. Vous pouvez exporter une plaque plusieurs fois.

La colonne **LIS Transmit** (Transmission LIS) du volet **Accepted Capture Plates** dans l'onglet **Plates** affiche l'état d'exportation de chaque plaque de capture. Pendant l'exportation de données, seul l'ID de plaque de capture est transmis, et pas l'ID de plaque d'hybridation. Les échantillons dont les résultats ont été transmis portent la mention **Transmitted** (Transmis) dans la colonne **Export State** (État de l'exportation) de la fenêtre **Specimen List**.

L'exportation des données des dosages non valides dépend de l'état de la case à cocher **Transmit Calibrator and Quality Control Data for Failed Assays**. Reportez-vous à « Définition de l'exportation éventuelle des résultats de l'étalon et du contrôle de qualité pour les dosages ayant échoué », page 131, pour obtenir des informations supplémentaires.

Lors de l'exportation vers un fichier, les fichiers exportés sont enregistrés dans le répertoire **C:\Users\Public\QIAGEN\HC2 System Software\data\lis**. L'utilisateur doit enregistrer les fichiers dans un autre répertoire ou sur un périphérique de stockage amovible pour conserver les fichiers exportés. Les fichiers exportés sont automatiquement supprimés au prochain démarrage du logiciel du système *digene* HC2. Toutefois, les données d'échantillon et de plaque sont conservées dans le logiciel du système *digene* HC2 jusqu'à ce qu'un archivage soit réalisé.

Important : Les fichiers exportés doivent être copiés dans un autre répertoire du disque dur ou sur un périphérique de stockage amovible, car les fichiers seront supprimés au prochain démarrage du logiciel du système *digene* HC2.

Une fois les données archivées, l'archive qui contient les données doit être chargée pour que celles-ci puissent être exportées. Reportez-vous à « Visualisation d'une archive », page 234, pour plus d'instructions.

Si le logiciel du système *digene* HC2 est fermé avant la fin de la transmission des données, l'exportation des données échoue. Reportez-vous à « Erreurs lors de l'exportation des données », page 245, pour plus d'instructions.

1. Dans l'onglet **Plates**, sélectionnez l'ID de plaque de capture à exporter dans le volet **Accepted Capture Plates**.

Remarques :

- Pour filtrer la liste affichée dans le volet **Accepted Capture Plates**, sélectionnez un en-tête de colonne ou sélectionnez soit le bouton radio **Not Transmitted** (Non transmis) soit le bouton radio **All** dans le sous-volet **Filter**.
- Vous pouvez exporter plusieurs plaques de capture en les mettant en surbrillance.

2. Cliquez sur le bouton **Export**.

Remarques :

- Lors de l'enregistrement dans un fichier, les données exportées sont enregistrées dans un fichier dont le nom est basé sur l'ID de plaque d'hybridation, et non sur celui de la plaque de capture.
- Pendant l'exportation des données, vous pouvez exécuter d'autres fonctions, telles que la création d'une plaque, la mesure d'une plaque ou la visualisation d'un rapport.

3. Si l'exportation des données échoue, reportez-vous à « Erreurs lors de l'exportation des données », page 245, pour plus d'instructions.

7.40 Création d'une archive

La création d'une archive retire les plaques validées des données actuelles affichées dans le logiciel du système *digene* HC2. Lors de la création d'une archive, toutes les plaques validées sont copiées dans l'archive et les plaques ne nécessitant aucune action supplémentaire sont retirées des données actuelles. Si vous souhaitez exporter ultérieurement une plaque qui a été archivée, visualisez l'archive, puis exportez la plaque. Pour visualiser une archive, reportez-vous à « Visualisation d'une archive », page 234, afin d'obtenir des instructions supplémentaires.

Vous ne pouvez pas retirer une plaque des données actuelles si elle contient un échantillon doté de résultats préliminaires liés à l'algorithme de retest. La conservation de la plaque permet de rendre disponible l'historique complet d'un échantillon jusqu'à l'obtention des résultats finaux.

Lorsque vous créez une archive, vous pouvez soit conserver les données en cours d'archivage dans la base de données des tendances actuelle, soit créer une nouvelle base de données des tendances. Si vous créez une nouvelle base de données des tendances, les données figurant dans la base de données des tendances actuelle sont déplacées vers l'archive et une nouvelle base de données vide est créée.

AVERTISSEMENT Résultats de test incorrects

ENT



Ne réalisez pas d'archivage pendant un cycle RCS. Cela pourrait ralentir le RCS et avoir un impact sur le déroulement des étapes du test.

1. Sauvegardez les données sur le disque dur de l'ordinateur du système HC2.
2. Fermez toutes les autres applications susceptibles d'être ouvertes sur l'ordinateur du système HC2.
3. Dans l'onglet **Utilities/Settings**, cliquez sur le bouton **Archive Data...** du volet **Archiving**.
La boîte de dialogue **Archive Data** s'ouvre.
4. Sélectionnez l'emplacement pertinent de stockage de l'archive.
5. Dans le volet **Trend Database** (Base de données des tendances), sélectionnez le bouton radio **Retain Current Database** (Conserver la base de données actuelle) ou **Create New Trend Database** (Créer une nouvelle base de données des tendances).
6. Dans le champ de dialogue **Archive Description** (Description de l'archive), entrez une brève description de l'archive.
Recommandation : La description doit reprendre les dates de collecte des données.
7. Cliquez sur **OK**.

Les données sont archivées. Vous pouvez accéder à l'archive dans l'onglet **Utilities/Settings**. Si vous ne trouvez pas l'archive en utilisant le bouton **View Archive Data...**, vous pouvez récupérer l'archive. Reportez-vous à « Récupération d'une archive », page 235, pour obtenir des informations supplémentaires.

7.40.1 Visualisation d'une archive

La visualisation d'une archive restaure temporairement toutes les données de l'archive sélectionnée et exclut les données actuelles du logiciel du système *digene* HC2. Vous ne pouvez pas créer de nouvelles données pendant que vous consultez une archive. Les rapports générés lors de la visualisation d'une archive incluent uniquement les données qui en sont issues. Tous les boutons et fonctions du logiciel permettant de modifier les données sont désactivés. Pendant la

visualisation d'une archive, vous pouvez exporter une plaque. Reportez-vous à « Exportation de données », page 232, pour plus d'instructions.

Si vous quittez le logiciel du système *digene* HC2 pendant la visualisation d'une archive, une boîte de dialogue s'ouvre au démarrage suivant du logiciel du système *digene* HC2 pour informer l'utilisateur qu'une archive est en cours de visualisation. Les données actuelles doivent être restaurées pour rétablir les pleines fonctionnalités du logiciel du système *digene* HC2.

Vérifiez que les paramètres de création de l'archive sont correctement définis. Reportez-vous à « Gestion des paramètres d'archivage », page 125, pour plus d'instructions.

1. Dans l'onglet **Utilities/Settings**, cliquez sur le bouton **View Archive Data...** du volet **Archiving**.

La boîte de dialogue **View Archive Data** s'ouvre et affiche la liste des archives antérieures. Les colonnes **Date** et **Time** (Heure) indiquent à quel moment l'archivage a eu lieu. La colonne **Comments** contient les informations saisies par l'utilisateur pendant le processus d'archivage.

2. Dans la liste située sous le champ de dialogue **Select the Archive drive:** (Sélectionner le disque d'archivage), sélectionnez l'emplacement approprié de l'archive.
3. Dans la liste située sous le champ de dialogue **Select the Archive to view:** (Sélectionner l'archive à visualiser), sélectionnez l'archive à visualiser.
4. Cliquez sur **OK**. Vous pouvez aussi double-cliquer sur l'archive pertinente.
Une boîte de dialogue s'ouvre et indique qu'une archive est en cours de visualisation et que les modifications des données ne seront pas enregistrées.
5. Cliquez sur **OK**.
6. Visualisez l'archive.
7. Lorsque vous avez terminé de visualiser l'archive, cliquez sur le bouton **Restore Current Data** dans l'onglet **Utilities/Settings**.

La boîte de dialogue **Restore Current Data** s'ouvre.

8. Cliquez sur **OK** pour restaurer les données en cours.

L'archive est remise dans son emplacement d'origine, les données en cours sont restaurées et les pleines fonctionnalités du logiciel du système *digene* HC2 sont rétablies.

7.40.2 Récupération d'une archive

Si une archive n'est pas disponible, elle n'est peut-être pas stockée dans le répertoire accessible par le logiciel du système *digene* HC2. Pour visualiser l'archive, vous devez la déplacer dans le

répertoire adéquat. La procédure suivante décrit comment copier l'archive dans le répertoire accessible par le logiciel du système *digene* HC2.

1. Ouvrez le programme Explorateur Windows et accédez au dossier contenant l'archive.
Remarque : Le format du nom de l'archive est « AAAA_MM_JJ_HH_SS ».
2. Cliquez avec le bouton droit de la souris sur l'archive, puis sélectionnez **Copy** (Copier) dans le menu qui s'affiche.
3. Dans le programme Explorateur Windows, accédez au répertoire **C:\Users\Public\QIAGEN**.
4. Cliquez avec le bouton droit de la souris sur le dossier **HC2 System Software** et sélectionnez **Paste** (Coller) dans le menu qui s'affiche.
5. Ouvrez le dossier **HC2 System Software** et vérifiez que l'archive concernée a bien été copiée.
6. Quittez le logiciel du système *digene* HC2.
7. Connectez-vous au logiciel du système *digene* HC2.

L'archive doit maintenant être disponible dans la boîte de dialogue **View Archive Data**.

Reportez-vous à « Visualisation d'une archive », page 234, pour plus d'instructions.

7.40.3 Transfert d'une archive vers un périphérique de stockage USB

Vous pouvez transférer une archive vers un périphérique de stockage USB. Cette fonction n'est possible qu'après enregistrement de l'archive sur le disque dur local. Reportez-vous à « Création d'une archive », page 233, pour plus d'instructions.

1. Insérez un périphérique USB dans un port USB de l'ordinateur du système HC2.
2. Dans le programme Explorateur Windows, accédez au répertoire **C:\Users\Public\QIAGEN\HC2 System Software**, qui contient l'archive.
Remarques :
 - Le format du nom du dossier d'archive est « AAAA_MM_JJ_HH_MM_SS ».
 - Si le dossier d'archive ne se trouve pas dans le répertoire indiqué, l'archive a peut-être été enregistrée directement sur le disque C:\. Accédez au disque C:\ pour chercher l'archive concernée.
3. Cliquez avec le bouton droit de la souris sur l'archive concernée, puis sélectionnez **Copy** dans le menu qui s'affiche.
4. Dans le programme Explorateur Windows, accédez au périphérique de stockage USB.
5. Cliquez avec le bouton droit de la souris sur le dossier du périphérique de stockage et sélectionnez **Paste** dans le menu qui s'affiche.

6. Ouvrez le dossier du périphérique de stockage USB et vérifiez que l'archive concernée a bien été copiée.

7.41 Visualisation du journal d'audit

Le logiciel du système *digene* HC2 comporte un journal d'audit de certains événements qui permet le suivi des modifications et facilite la résolution des problèmes. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **Audit Log** », page 99, pour plus d'instructions.

Lorsque vous créez une archive, le journal d'audit est également archivé. Pour visualiser un journal d'audit archivé, ouvrez l'archive, puis le journal d'audit. Pour visualiser une archive, reportez-vous à « Visualisation d'une archive », page 234, afin d'obtenir des instructions supplémentaires.

1. Dans l'onglet **Utilities/Settings**, cliquez sur le bouton **Audit Log** du volet **Audit Log**.
La fenêtre **Audit Log** s'ouvre.
2. Dans les champs de dialogue **Start Date:** et **End Date** du volet **Date Range**, saisissez la période pertinente pour le journal d'audit.
3. Dans la liste déroulante **User:**, sélectionnez les utilisateurs concernés à inclure dans le journal d'audit.
4. Dans le volet **Element:**, cochez les cases en regard des actions pertinentes à inclure dans le journal d'audit.
5. Si vous recherchez des informations sur un élément particulier, saisissez l'élément concerné dans le champ de dialogue **Item ID:**.
6. Si vous recherchez des informations sur un protocole de dosage particulier, sélectionnez le protocole de dosage concerné dans la liste déroulante **Protocol:**.
7. Cliquez sur le bouton **Apply Filter**.
La liste affichée dans la fenêtre **Audit Log** est mise à jour en fonction des paramètres sélectionnés. Pour imprimer la liste, cliquez sur le bouton **Print List**. La fenêtre **QIAGEN Report Viewer** affiche le journal d'audit. Reportez-vous à « Utilisation de la fenêtre **QIAGEN Report Viewer** », page 114, pour plus d'instructions.
8. Cliquez sur le bouton **Close** pour quitter la fenêtre **Audit Log**.
Le logiciel du système *digene* HC2 retourne à l'onglet **Utilities/Settings**.

8 Maintenance

Pour plus d'informations sur la maintenance de l'ordinateur du système HC2 et de ses périphériques (moniteur, clavier, souris, imprimante et câbles), reportez-vous à la documentation fournie par le fabricant.

Pour plus d'informations sur l'entretien de l'ordinateur du système HC2 et de ses périphériques, contactez les services techniques de QIAGEN.

9 Résolution des principaux problèmes rencontrés

Cette section contient des informations visant à faciliter la résolution des problèmes susceptibles de se produire pendant l'utilisation du logiciel du système *digene* HC2. Pour plus d'informations sur la résolution des problèmes, reportez-vous au manuel d'utilisation de l'instrument DML concerné.

Pour obtenir une aide supplémentaire, veuillez contacter les services techniques de QIAGEN.

9.1 Problèmes et messages d'erreur relatifs aux performances de l'instrument DML

Si le logiciel du système *digene* HC2 ne parvient pas à communiquer avec l'instrument DML, le logiciel du système *digene* HC2 peut malgré tout exécuter toutes les fonctions qui ne nécessitent pas l'utilisation de l'instrument DML.

9.1.1 Messages d'erreur d'initialisation ou de communication entre l'ordinateur du système HC2 et l'instrument DML

Causes possibles :

- Connexion défectueuse des câbles
- Utilisation d'un port série incorrect
- Paramètre de port série incorrect pour l'instrument DML dans le logiciel du système *digene* HC2
- Paramètre **Instrument Type** incorrect pour l'instrument DML dans le logiciel du système *digene* HC2

1. Dans l'onglet **Luminometer Settings**, cliquez sur le bouton **Settings** du volet **Luminometer Actions**.

La boîte de dialogue **Luminometer Settings** s'ouvre.

2. Vérifiez que le champ de dialogue **Instrument Type** affiche le type correct d'instrument DML.

Si un type d'instrument DML incorrect est affiché, vous devez supprimer l'instrument DML, puis ajouter un instrument du type correct. Reportez-vous à « Suppression d'un instrument DML », page 138, et à « Ajout d'un instrument DML » page 132, pour plus d'instructions.

3. Vérifiez que le paramètre **COM Port** est correct.

Si le paramètre **COM Port** est incorrect, sélectionnez le port COM approprié dans la liste déroulante.

4. Cliquez sur **OK**.

La boîte de dialogue **Luminometer Settings** se ferme.

5. Effectuez un test mécanique pour vérifier la communication entre le logiciel du système *digene* HC2 et l'instrument DML. Reportez-vous à « Réalisation d'un test mécanique », page 134, pour plus d'instructions.

Si la communication échoue encore, poursuivez cette procédure.

6. Mettez hors tension tous les composants du système *digene* HC2.

7. Déconnectez et reconnectez chacune des connexions de câbles.

8. Mettez sous tension tous les composants du système *digene* HC2 et assurez-vous que les voyants d'état appropriés indiquent l'état de fonctionnalité correct.

9. Vérifiez que les câbles reliant l'instrument DML et l'ordinateur du système HC2 sont solidement connectés.

Si le luminomètre est un DML 2000, assurez-vous que le paramètre de tension est correct et que les fusibles fonctionnent. Pour obtenir des instructions supplémentaires, reportez-vous au manuel d'utilisation du DML 2000 (*DML 2000 User Manual*).

10. Effectuez un test mécanique pour vérifier la communication entre le logiciel du système *digene* HC2 et l'instrument DML. Reportez-vous à « Réalisation d'un test mécanique », page 134, pour plus d'instructions.

Si la communication échoue encore, contactez les services techniques de QIAGEN.

9.1.2 Message indiquant que la porte est ouverte

Cause possible : La porte d'accès n'est pas complètement fermée.

1. Fermez bien la porte d'accès.
2. Suivez les instructions affichées dans la boîte de dialogue d'erreur.
3. Si l'erreur persiste, contactez les services techniques de QIAGEN.

9.1.3 Cliquetis dans l'instrument DML

Cause possible : Le masque de plaque n'est pas fixé pendant le déplacement du portoir des plaques.

1. Annulez la mesure de la plaque. Reportez-vous à « Annulation de la mesure de la plaque », page 187, pour plus d'instructions.
2. Mettez l'instrument DML hors tension.
3. Ouvrez la porte d'accès.
4. Assurez-vous que la plaque est correctement calée dans le portoir des plaques.

5. Fermez le masque de plaque.
6. Mettez l'instrument DML sous tension.
7. Mesurez la plaque.

Cause possible : Échec de communication.

Reportez-vous à « Messages d'erreur d'initialisation ou de communication entre l'ordinateur du système HC2 et l'instrument DML », page 239, pour plus d'instructions.

Cause possible : La vis de blocage du portoir des plaques n'a pas été retirée du DML 2000.

Pour un DML 2000, vérifiez que la vis de blocage du portoir des plaques a été retirée de l'instrument DML. Pour obtenir des instructions supplémentaires, reportez-vous au manuel d'utilisation du DML 2000 (*DML 2000 User Manual*).

9.1.4 Relevés en RLU très élevés sur la plaque

Cause possible : Une source de lumière externe perturbe la mesure de la plaque.

1. Vérifiez que la porte d'accès est fermée pendant la mesure de la plaque.
2. Assurez-vous que le joint sur la porte d'accès est intact et qu'il n'est pas endommagé.
3. Vérifiez que le portoir des plaques a été soigneusement nettoyé.
4. Effectuez une mesure brute de la plaque, sans plaque sur le portoir des plaques. Reportez-vous à « Mesure d'une plaque sous forme de données brutes », page 189, pour plus d'instructions.

Pour le DML 3000, les valeurs en RLU doivent être inférieures à 6. Pour le DML 2000, elles doivent être inférieures à 12. Si les valeurs en RLU sont plus élevées que prévu, contactez les services techniques de QIAGEN.

9.1.5 Message indiquant que l'iris ne s'est pas ouvert

Cette erreur concerne uniquement le DML 2000.

Si l'iris ne s'ouvre pas pendant le test mécanique, un message d'avertissement s'affiche. L'utilisateur dispose des possibilités suivantes :

- Cliquer sur le bouton **Abort** (Abandonner) pour annuler la mesure de la plaque.
- S'assurer que la porte d'accès est entièrement fermée et cliquer sur le bouton **Retry** (Réessayer) pour tenter à nouveau d'ouvrir l'iris.
- Cliquer sur le bouton **Ignore** (Ignorer) pour ignorer ce test. La plaque n'est pas mesurée.

Si cette erreur persiste, contactez les services techniques de QIAGEN.

9.1.6 Résultats irréguliers pour les puits vides et les échantillons de faible intensité

Cette erreur concerne uniquement le DML 2000.

Cause possible : L'instrument DML n'a pas eu suffisamment de temps pour s'échauffer ou il présente un relevé de référence du bruit de fond (100) élevé.

1. Si le DML 2000 ne reste pas sous tension en permanence, laissez l'instrument DML chauffer pendant au moins une heure avant d'effectuer une mesure de plaque.
2. Effectuez une mesure brute de la plaque, sans plaque sur le portoir des plaques. Reportez-vous à « Mesure d'une plaque sous forme de données brutes », page 189, pour plus d'instructions.

Les valeurs en RLU doivent être inférieures à 12. Si les valeurs en RLU sont plus élevées que prévu, contactez les services techniques de QIAGEN.

3. Effectuez un relevé de référence du bruit de fond (100). Reportez-vous à « Effectuer un relevé de référence du bruit de fond (100) », page 136, pour plus d'instructions.

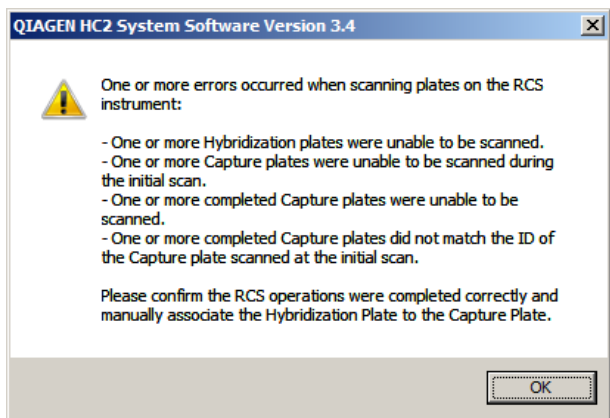
Si la différence entre les résultats en RLU minimum et maximum pour le relevé de référence du bruit de fond (100) est supérieure à 20, contactez les services techniques de QIAGEN.

9.2 Erreurs lors de l'association des ID de plaque de capture à l'aide du lecteur de code-barres RCS

Lors des tests automatisés par RCS utilisant le lecteur de code-barres RCS, la plaque d'hybridation et les plaques de capture sont lues au début du cycle, puis la plaque de capture est à nouveau lue à la fin du cycle. La plaque de capture est lue immédiatement avant la mesure de la plaque afin de vérifier que l'utilisateur n'a pas changé accidentellement de plaque pendant les tests automatisés par RCS. Si une erreur de lecture de code-barres survient pendant les tests automatisés par RCS, le RCS continue à traiter la plaque sans accuser réception de l'erreur. L'utilisateur devra associer manuellement l'ID de plaque de capture dans le logiciel du système *digene* HC2.

Une notification d'erreur générale du lecteur de code-barres sera affichée une seule fois. La notification d'erreur s'affiche soit pendant la création de la plaque d'hybridation, soit pendant l'association manuelle de l'ID de plaque de capture à un ID de plaque d'hybridation. Si la boîte de dialogue de notification d'erreur générale du lecteur de code-barres RCS s'ouvre, une seule erreur ou plusieurs erreurs ont pu survenir pendant le cycle RCS.

La boîte de dialogue suivante s'ouvre si une erreur de lecteur de code-barres RCS survient :



9.2.1 Aucun code-barres n'est lu

Cause possible : Des plaques d'hybridation et de capture dotées de code-barres fournies par QIAGEN ne sont pas utilisées.

Utilisez exclusivement des plaques d'hybridation et de capture fournies par QIAGEN. Si les plaques d'hybridation et de capture utilisées pour les tests automatisés par RCS ne portent pas de code-barres, le RCS réalise l'étape de lecture des codes-barres et poursuit les tests automatisés sans conséquence pour les résultats de tests. L'ID de plaque de capture doit être associé manuellement à l'ID de plaque d'hybridation.

9.2.2 Échec de la lecture initiale de la plaque d'hybridation

Si un ID de plaque d'hybridation n'est pas lu, cette plaque doit être créée manuellement et l'ID de plaque de capture doit être associé manuellement à l'ID de plaque d'hybridation. La notification d'erreur générale du lecteur de code-barres RCS s'affiche lors de l'association manuelle d'un ID de plaque de capture à un ID de plaque d'hybridation.

1. Créez l'ID de plaque d'hybridation manuellement dans le logiciel du système *digene* HC2. Reportez-vous à « Création manuelle d'une plaque d'hybridation », page 176, pour plus d'instructions.
2. Pendant l'association de l'ID de plaque de capture, sélectionnez ou saisissez l'ID de plaque de capture pertinent dans la liste déroulante **Capture Plate** (Plaque de capture).

Remarque : La liste déroulante affiche l'ID de plaque de capture acquis lors du cycle RCS si la lecture de la plaque de capture a réussi. Si les deux lectures de l'ID de plaque de capture

échouent, aucun ID de plaque de capture ne sera disponible et il devra être saisi manuellement.

3. Cliquez sur **OK**.

L'ID de plaque de capture est associé à l'ID de plaque d'hybridation.

9.2.3 Échec de la lecture initiale de la plaque de capture

Si la lecture initiale de l'ID de plaque de capture échoue, vous devez l'associer manuellement à l'ID de plaque d'hybridation. La notification d'erreur du lecteur de code-barres RCS s'affiche soit pendant la création de la plaque d'hybridation (si l'ID de plaque d'hybridation n'existe pas dans le logiciel du système *digene HC2*) soit pendant l'association manuelle de l'ID de plaque de capture à l'ID de plaque d'hybridation.

1. Cliquez sur le bouton **OK** pour fermer la notification d'erreur du lecteur de code-barres RCS.

La boîte de dialogue **Plate Association** s'ouvre.

2. Sélectionnez ou saisissez l'ID de plaque de capture pertinent dans la liste déroulante **Capture Plate**.

Remarque : La liste déroulante affiche l'ID de plaque de capture acquis lors de la lecture finale si la lecture a réussi. Si les deux lectures de l'ID de plaque de capture échouent, aucun ID de plaque de capture ne sera disponible et il devra être saisi manuellement.

3. Cliquez sur **OK**.

L'ID de plaque de capture est associé à l'ID de plaque d'hybridation.

9.2.4 Échec de la lecture finale de la plaque de capture

Si la lecture finale de l'ID de plaque de capture échoue, vous devez l'associer manuellement à l'ID de plaque d'hybridation. La notification d'erreur du lecteur de code-barres RCS s'affiche soit pendant la création de la plaque d'hybridation (si l'ID de plaque d'hybridation n'existe pas dans le logiciel du système *digene HC2*) soit pendant l'association manuelle de l'ID de plaque de capture à l'ID de plaque d'hybridation.

1. Cliquez sur le bouton **OK** pour fermer la notification d'erreur du lecteur de code-barres RCS.

La boîte de dialogue **Plate Association** s'ouvre.

2. Sélectionnez ou saisissez l'ID de plaque de capture pertinent dans la liste déroulante **Capture Plate**.

Remarque : La liste déroulante affiche l'ID de plaque de capture acquis lors de la lecture initiale si la lecture a réussi. Si les deux lectures de l'ID de plaque de capture échouent, aucun ID de plaque de capture ne sera disponible et il devra être saisi manuellement.

3. Cliquez sur **OK**.

L'ID de plaque de capture est associé à l'ID de plaque d'hybridation.

9.2.5 Non-correspondance entre la lecture finale et la lecture initiale de la plaque de capture

Une non-correspondance entre l'ID de plaque de capture initial et l'ID de plaque de capture final survient uniquement si un utilisateur a arrêté un cycle RCS et a sorti la plaque de capture de la position correcte. La notification d'erreur du lecteur de code-barres RCS s'ouvre au moment de la création de la plaque d'hybridation ou pendant l'association de l'ID de plaque de capture à l'ID de plaque d'hybridation.

Important : Appliquez les instructions suivantes uniquement si les ID de plaque concernés sont connus. Si la cause profonde de l'échec du lecteur de code-barres est inconnue, ne poursuivez pas les tests. Pour obtenir une assistance, contactez les services techniques de QIAGEN.

1. Cliquez sur le bouton **OK** pour fermer la notification d'erreur du lecteur de code-barres RCS.

La boîte de dialogue **Plate Association** s'ouvre.

2. Sélectionnez ou saisissez l'ID de plaque de capture pertinent dans la liste déroulante **Capture Plate**.

Remarque : La liste déroulante affiche les ID de plaque de capture acquis lors de la lecture initiale et de la lecture finale.

3. Cliquez sur **OK**.

L'ID de plaque de capture est associé à l'ID de plaque d'hybridation.

9.3 Erreurs lors de l'exportation des données

9.3.1 Erreur lors de la transmission vers le LIS

Cause possible : Erreur de connexion physique entre les composants.

Assurez-vous que l'interface logicielle entre le logiciel du système *digene* HC2 et le LIS est correctement configurée. Reportez-vous à « Gestion des paramètres d'exportation des données », page 128, pour plus d'instructions.

9.3.2 La plaque conserve l'état d'exportation « transmitting »

Cause possible : Le logiciel du système *digene* HC2 a été fermé pendant la transmission des données.

Si le logiciel du système *digene* HC2 est fermé en cours de transmission, une plaque peut conserver l'état d'exportation « transmitting ». Les données ne sont pas réellement en cours de transmission. Réalisez une nouvelle exportation de la plaque. Reportez-vous à « Exportation de données », page 232, pour plus d'instructions.

9.4 Erreurs de bruit de fond de la plaque

Cette erreur concerne uniquement le DML 2000.

Le DML 2000 peut présenter une légère déviation au niveau du bruit interne des instruments susceptible d'affecter le relevé du bruit de fond de la plaque (10) et, avec le temps, de lui faire excéder les spécifications.

Tous les dosages comportent des étalons utilisés pour leur validation. Si les étalons correspondent aux paramètres du protocole de dosage, le dosage est valide et les résultats sont rapportables indépendamment du relevé du bruit de fond de la plaque (10).

L'instrument DML doit faire l'objet d'une surveillance afin de déceler d'éventuelles tendances de déviation et d'autres anomalies, car celles-ci peuvent indiquer des problèmes au niveau de l'instrument DML. Des relevés du bruit de fond de la plaque (10) hors spécifications répétés peuvent indiquer des problèmes sur l'instrument DML. Pour obtenir de l'aide, contactez les services techniques de QIAGEN.

Pour vérifier le bruit de fond de l'instrument DML, effectuez une mesure brute de la plaque, sans plaque dans le portoir des plaques. Reportez-vous à « Mesure d'une plaque sous forme de données brutes », page 189, pour plus d'instructions.

Les valeurs en RLU doivent être aléatoires sur l'ensemble de la plaque et ne pas être groupées dans une seule zone. Pour le DML 3000, les résultats en RLU doivent être inférieurs à 6. Pour le DML 2000, ils doivent être inférieurs à 12. Si les valeurs en RLU sont plus élevées que prévu, contactez les services techniques de QIAGEN.

9.5 Échec de la création d'une plaque d'hybridation à partir d'un instrument de pré-analyse

Si le fichier de sortie de l'instrument de pré-analyse contient une erreur qui empêche la création de la plaque, le logiciel du système *digene* HC2 annule la création de la plaque. La boîte de dialogue **Import Complete** affiche le message **Plate Aborted** et la plaque n'est pas créée dans le logiciel du système *digene* HC2.

Causes possibles :

- Somme de contrôle du fichier manquante, car le fichier de sortie n'est pas correctement signé.
- L'emplacement des échantillons sur la plaque définie dans le fichier de sortie n'est pas valide.
- L'état de l'échantillon défini dans le fichier de sortie n'a pas un état validé pour l'importation dans le logiciel du système *digene* HC2.
- Les paramètres de la plaque, tels que définis dans le fichier de contrôle, ne sont pas reconnus par le logiciel du système *digene* HC2.

Si le logiciel du système *digene* HC2 n'autorise pas la création d'une plaque à partir d'un fichier de sortie, recherchez d'éventuelles erreurs dans le fichier de sortie de l'instrument de pré-analyse. La plaque ne peut pas être créée à partir du fichier de sortie, mais une plaque peut être créée manuellement. Reportez-vous à « Création manuelle d'une plaque d'hybridation », page 176, pour plus d'instructions.

10 Glossaire

Terme	Description
Alphanumérique	Caractères et chiffres de l'alphabet latin.
Dosage	Réalisation d'un test <i>digene</i> HC2 DNA validé conformément aux paramètres du protocole de dosage concerné.
Validation du dosage	Processus de validation, par le logiciel du système <i>digene</i> HC2, d'un dosage, par comparaison des résultats avec les paramètres définis du protocole de dosage. Si tous les paramètres du protocole de dosage sont satisfaits, le dosage est valide et les résultats des échantillons sont déterminés ; si un dosage ne satisfait pas un paramètre du protocole de dosage, le dosage n'est pas valide et aucun résultat n'est rapporté.
Seuil du dosage (CO)	<p>Paramètre calculé pour chaque dosage, qui détermine si un résultat de test est positif ou négatif. Un résultat de test supérieur ou égal au seuil est positif ; un résultat de test inférieur au seuil est négatif.</p> <p>Le seuil est déterminé en multipliant la moyenne des étalons positifs (PC) par le facteur d'ajustement de l'étalonnage (CAF). Dans le logiciel du système <i>digene</i> HC2, le seuil est également défini comme seuil de dosage positif (PCO).</p>
Protocole de dosage	Définit les paramètres et les valeurs pour la mesure, l'analyse et la validation des échantillons. Le protocole de dosage définit les exigences en matière de contrôles de qualité obligatoires, de seuil de dosage et d'algorithme de retest.
Facteur d'ajustement de l'étalonnage (CAF)	<p>Paramètre du protocole de dosage utilisé pour maintenir des caractéristiques de performance uniformes pour le test <i>digene</i> HC2 DNA, sur la base de tests manuels. Le seuil de chaque dosage est déterminé en multipliant la moyenne des étalons positifs (PC) du dosage par le CAF.</p> <p>Le CAF des protocoles de dosage du système <i>digene</i> HC2 est de 0,8 pour les tests automatisés par RCS.</p>
Plaque de capture	Plaque utilisée lors d'un test <i>digene</i> HC2 DNA pour la capture de l'hybride et les étapes suivantes du dosage. La plaque de capture est mesurée avec l'instrument DML afin de générer des résultats de test.

Terme	Description
ATTENTION	Terme signalant des situations risquant d'entraîner des détériorations de l'instrument ou de tout autre matériel.
Chimiluminescence	Production de lumière par réaction chimique.
Protocole de dosage consensuel	Protocole de dosage comprenant toujours des tests constitutifs et utilisant un algorithme de retest à suivi automatique dans le logiciel du système <i>digene</i> HC2.
Facteur de correction	Paramètre du protocole de dosage défini pour chaque type d'échantillon associé à un protocole de dosage. Le facteur de correction est multiplié par le seuil du dosage afin de normaliser le type d'échantillon, s'il y a lieu. Un facteur de correction de 1.000 ne normalise pas le type d'échantillon.
Facteurs de seuil	Paramètre du protocole de dosage définissant les seuils de dosage positif et négatif. Chaque type d'échantillon associé à un protocole de dosage comporte des facteurs de seuil. Si les facteurs de seuil négatif et positif sont différents, la zone située entre eux est la zone de retest/zone équivoque.
Instrument DML	Instrument utilisé pour mesurer la lumière émise par chimiluminescence.
Résultat de test équivoque	Pour un protocole de dosage non consensuel, résultat de test inclus dans la zone de retest/zone équivoque pour le protocole de dosage et le type d'échantillon.
État des résultats « final »	Résultat rapportable en tant que résultat de test.
Plaque d'hybridation	Plaque utilisée lors d'un test <i>digene</i> HC2 pour l'étape d'hybridation du dosage.
Système d'information de laboratoire (LIS)	Système tenu à jour par un laboratoire pour la gestion des informations relatives aux tests d'échantillons.

Terme	Description
Plaque LumiCheck	<p>Outil utilisé pour établir un ensemble de caractéristiques correspondant à un instrument DML particulier. En fonction des caractéristiques établies, la plaque LumiCheck sert à surveiller la stabilité de l'instrument DML.</p> <p>La plaque LumiCheck est utilisée pour avertir de manière précoce d'un risque de défaillance de l'instrument DML et en tant qu'outil de diagnostic en cas d'échec du test <i>digene</i> HC2 DNA.</p>
Protocole de dosage non consensuel	Protocole de dosage ne comportant pas de zone de retest. Tous les résultats sont rapportés comme des résultats finaux.
Rejet des aberrations	<p>Paramètre du protocole de dosage déterminant si une aberration peut être retirée du calcul des résultats de dosage.</p> <p>Si le rejet des aberrations est actif et qu'un paramètre du protocole de dosage n'est pas validé, le résultat en RLU le plus éloigné de la moyenne est exclu et le paramètre du protocole de dosage est calculé. Si le paramètre du protocole de dosage est inclus dans les spécifications, le dosage est valide. Dans le cas contraire, le dosage est non valide.</p>
Fichier de sortie	Fichier au format XML créé par le logiciel d'un instrument de pré-analyse contenant des données sur une plaque. Le fichier de sortie est utilisé par le logiciel du système <i>digene</i> HC2 pour automatiser la création d'une plaque d'hybridation.
Plaque	<p>Dans le logiciel du système <i>digene</i> HC2, ensemble d'échantillons testés de manière groupée correspondant aux plaques à 96 puits physiques utilisées lors des tests.</p> <p>Une plaque correspond à la combinaison de l'ID de plaque d'hybridation et de l'ID de plaque de capture.</p>
Grille d'agencement des plaques	Représentation graphique d'une microplaque à 96 puits dans le logiciel du système <i>digene</i> HC2. La position des étalons, des contrôles de qualité et des échantillons sur la grille d'agencement des plaques correspond à leur position physique dans les microplaques d'hybridation et de capture physiques.
Instrument de pré-analyse	Instrument utilisant des spécimens patient pour préparer les échantillons en vue de leur analyse avec les tests <i>digene</i> HC2 DNA.

Terme	Description
État des résultats « preliminary »	Résultat incomplet pour l'échantillon selon les paramètres du protocole de dosage. L'état des résultats « preliminary » peut résulter de l'algorithme de retest ou de résultats fractionnés.
Facteur de seuil primaire (1°)	Paramètre du protocole de dosage indiquant si un échantillon est positif ou négatif lors du premier test.
Résultat de test à retester	Résultat de test positif inclus dans la zone de retest entre les facteurs de seuil positif et négatif pour le protocole de dosage et le type d'échantillon.
Zone de retest	Différence entre les facteurs de seuil négatif et positif. Les échantillons dont les résultats de test sont inclus dans la zone de retest obtiennent l'état « preliminary » et doivent être à nouveau testés pour parvenir à un état des résultats « final ».
Unité relative de lumière (RLU)	Unité de mesure utilisée pour quantifier la chimiluminescence mesurée par un instrument DML.
Facteur de RLU	Paramètre utilisé par le DML 2000 et défini par le fabricant. Le facteur de RLU est l'échelle utilisée pour mesurer une plaque et il ne peut pas être modifié par l'utilisateur.
Facteur de seuil secondaire (2°)	Paramètre du protocole de dosage indiquant si un échantillon est positif ou négatif lors du deuxième test.
Temps de stabilisation	Durée de pause de l'instrument DML entre le mouvement du portoir des plaques et la mesure d'un puits. Le temps de stabilisation est défini par le fabricant et ne peut pas être modifié par l'utilisateur.
Résultat de test fractionné	Résultat de test obtenu lorsqu'un échantillon testé en double donne des résultats différents (à savoir, positif et négatif). Le logiciel du système <i>digene</i> HC2 traite les résultats fractionnés selon que le protocole de dosage est consensuel ou non consensuel et selon le paramètre Results Final pour le type d'échantillon.
Facteur de seuil tertiaire (3°)	Paramètre du protocole de dosage indiquant si un échantillon est positif ou négatif lors du troisième test.

Terme	Description
AVERTISSEMENT	Terme signalant des situations risquant d'entraîner des accidents corporels dont vous, ou d'autres, pourriez être victimes.

Annexe A — Données techniques

Cette section identifie les spécifications et les exigences de l'ordinateur du système HC2, des périphériques et de l'instrument DML.

Spécifications de l'ordinateur du système et des périphériques

Description	Spécification
Unité centrale (UC)	3,0 GHz 2 Go de RAM
Lecteurs de disque	Disque dur de 160 Go Lecteur de CD-RW/DVD-RW
Ports d'E/S	1 port DB-25 (femelle à 25 broches) 1 port DE-9, RS-232 (mâle à 9 broches) 6 ports USB 2.0 1 port DE-15 (femelle à 15 broches) 1 prise modulaire Ethernet 8P8C (prise femelle), 10–100 Mbit/s 2 mini-prises avec vérification du support
Câbles	Cordon d'alimentation spécifique au pays
Système d'exploitation	Windows 7 Professional SP1
Moniteur	Résolution de 1024 x 768 (recommandée) ; câble ; cordon d'alimentation
Clavier	Clavier USB, version spécifique au pays
Souris	Souris optique USB

Exigences relatives à l'alimentation et à l'environnement

Pour connaître les exigences relatives à l'alimentation et à l'environnement de l'ordinateur du système HC2 et de l'imprimante, consultez la documentation fournie par le fabricant.

Caractéristiques de performances et exigences de fonctionnement de l'instrument DML

Pour connaître les caractéristiques de performances et les exigences de fonctionnement de l'instrument DML, consultez le manuel d'utilisation de l'instrument DML concerné.

Exigences relatives à l'alimentation et à l'environnement de l'instrument DML

Pour connaître les exigences relatives à l'alimentation et à l'environnement pour l'instrument DML, consultez le manuel d'utilisation de l'instrument DML concerné.

Annexe B — Abréviations

Terme	Description
CA	Courant alternatif
ASTM	American Society for Testing and Methods
CAF	Facteur d'ajustement de l'étalonnage
CCD	Périphérique à couplage de charge
CO	Seuil du dosage
UC	Unité centrale
CV	Coefficient de variation
DML	Luminomètre pour microplaques <i>digene</i>
HC2	Hybrid Capture 2
REI	Rapport sur les échantillons individuels
IT	Technologies de l'information
LIS	Système d'information de laboratoire
NC	Étalon négatif
PCO	Seuil de dosage positif
PMT	Tube du photomultiplicateur
QNS	Quantité non suffisante
RCS	Rapid Capture System
RLU	Unités relatives de lumière
STM	Milieu de transport d'échantillons
USB	Bus série universel

Index

- Accepted Capture Plates, volet 40
- Actions on plate, volet 47
- Archivage
 - paramètres 124
- Archive
 - création 231
 - journal d'audit 235
 - récupération 233
 - transfert vers USB 234
 - visualisation 232
- Assay Protocols, onglet 63
- Assays on layout, volet 44
- Attention 20
- Audit Log, fenêtre 99
- Avertissements 20
- Calibrators and Limits, onglet 73
- Capture
 - association à une plaque d'hybridation 181
- Capture Plates, volet 61
- Communication bidirectionnelle
 - configuration 128
 - échantillons 145
- Consensus, case 71
- Contrôle de qualité
 - avertissement 184
 - création d'un contrôle facultatif 166
 - modification 167
 - suppression d'un contrôle facultatif 168
- Create/Edit Layout, fenêtre 49
- Cutoff Factors: < [type d'échantillon] >, volet 76
- Données techniques 251
- Échantillon
 - ajout d'une série 147
 - copie 150
 - création 145
 - équivoque 173
 - état 143, 145
 - exportation 158
 - ID d'échantillon 140
 - importation 148
 - impression de la liste 156
 - modification 153
 - modification de plusieurs échantillons 152, 155
 - modification des informations 151
 - non lié 149
 - non valide 173
 - nouvelle mesure 211
 - retest 144
 - suppression 158
 - type d'échantillon 141
 - type d'échantillon par défaut 142
 - un seul ID 146
- Échantillons
 - affichage des informations 150
- Edit IVD Assay Protocol, boîte de dialogue 67
- Edit Multiple Specimens, boîte de dialogue 58
- Edit Specimen, boîte de dialogue 58
- Equivocal/Retest IDs, onglet 71
- État
 - plaque 170
- Exigences de lieu d'installation 252
- Exportation de données 230
- Exportation des données
 - automatique 130
 - communication bidirectionnelle 128
 - dosages ayant échoué 130
 - erreurs 243
 - normes du CLSI 127
 - normes HL7 128
 - paramètres 127
 - résultats préliminaires 129
- Fonctions de sécurité
 - compteur d'inactivité 121
 - expiration du mot de passe 121
 - nombre de tentatives de connexion autorisées 122
 - profondeur d'historique du mot de passe 122
- Grille d'agencement des plaques 42
 - déplacement d'un échantillon 181
 - déplacement d'un protocole de dosage 180
- Header Information, boîte de dialogue 49
- Informations de sécurité
 - sécurité électrique 21
 - utilisation appropriée 20
- Instrument DML
 - ajout 131
 - cliquetis 238
 - commandes manuelles 136
 - échec d'ouverture de l'iris 239
 - erreur de bruit de fond de la plaque 244
 - erreur de communication 237
 - gestion 131
 - modification des paramètres 132
 - porte ouverte 238
 - relevés en RLU élevés 239

- suppression 137
- IVD Assay Protocols, volet 63
- Journal d'audit
 - visualisation 235
- Lecteur de code-barres
 - système *digene* HC2 130
- Lecteur de code-barres RCS 182
 - erreurs 240
 - répertoire 95, 125
- LIS Laboratory Settings, volet 128
- Logiciel du système *digene* HC2
 - accès superviseur 115
 - configuration 122
 - espace sur le disque dur 115
 - fonctions de sécurité 121
 - installation 24
 - interactions défavorables 22
 - licence 13
 - réalisation d'un test 115
 - système d'exploitation 15
 - utilisateurs 117
 - utilisation prévue 15
- Lot du kit
 - association 163
 - avertissement 163
 - création 164
 - suppression 165
- Luminometer Controls, boîte de dialogue 132
 - DML 2000 111, 136
 - DML 3000 105, 136
- Luminometer Settings, onglet 102, 131
 - DML 2000 107, 133, 134
 - DML 3000 103
- Matériel du système *digene* HC2 23
 - exigences 251
 - installation 24
 - spécifications 251
- Measure, onglet 60
- Measured Capture Plates, volet 39
- Mesure d'une plaque 184
- Mesure de la plaque
 - annulation 186
- Mesure de plaque
 - données brutes 187
- Mesure des plaques
 - invite pour le numéro de série du RCS 123
- Mot de passe eSign 119
- Negative IDs, onglet 71
- New/Edit Specimens, boîte de dialogue 51, 65, 153, 155
- Niveau d'accès
 - opérateur 117
 - requis pour valider les résultats 123
- superviseur 118
- Normalization Method, volet 70
- Patient
 - commentaire 162
 - création 161
 - création à partir du LIS 160
 - ID de patient 160
 - modification des informations 162
 - suppression d'un ID de patient 163
 - visualisation des informations 161
- Patients, onglet 85
- Plaque
 - ajout d'un contrôle de qualité 177
 - ajout d'un échantillon 178
 - ajout d'un protocole de dosage 176
 - annulation de la mesure 186
 - association 181
 - CQ de fichier de pré-analyse 173
 - erreurs de bruit de fond 244
 - fichier de pré-analyse 171
 - impression 183
 - mesure 184
 - modification de l'agencement des plaques 180
 - modification du fichier de pré-analyse 174
 - nouvelle mesure 211
 - plaque d'hybridation 169
 - plaque de capture 169
 - suppression 183
- Plaque d'hybridation
 - création manuelle 175
 - erreur du fichier de sortie de pré-analyse 245
- Plaque LumiCheck 131
- Plate Measurement, volet 62
- Plates, onglet 37
- Positive IDs, onglet 71
- Protocole de dosage
 - ajout à une plaque 176
 - algorithme de retest 143
 - consensuel 137, 143
 - contrôle de qualité 165
 - contrôle de qualité facultatif 165
 - copie d'échantillons non liés 149
 - impression 138
 - installation 25
 - IVD 137
 - modification 139
 - non consensuel 71, 137
 - restauration 140
 - suppression 139
 - type d'échantillon par défaut 142
 - visualisation 138
- QIAGEN Report Viewer, fenêtre 114

Quality Control List, boîte de dialogue 77, 166
 Quality controls, volet 46
 Query Status, volet 66
 Rapport
 génération 188
 informations du laboratoire 124
 rapport sur l'historique de l'échantillon 206
 rapport sur les colonnes 194
 rapport sur les données brutes de la plaque 189
 rapport sur les dosages 198
 rapport sur les échantillons 203
 rapport sur les échantillons individuels 204
 rapport sur les plaques 191
 Rapport sur les tendances
 bruit de fond de la plaque (10) 227
 étalon par lot du kit 220
 étalon par utilisateur 222
 génération 214
 rapport sur les tendances de l'échantillon 224
 rapport sur les tendances des contrôles de qualité 218
 rapport sur les tendances du patient 216
 valeur de référence du bruit de fond (100) 225
 RCS
 saisie du numéro de série 123
 Relevé de référence du bruit de fond (100) 134
 Relevé du bruit de fond de la plaque (10) 136
 Résultats de test 208
 nouvelle mesure d'un échantillon 211
 nouvelle mesure d'une plaque 211
 résultats de validation du dosage 209
 résultats fractionnés 209
 suppression de l'état de résultat 210
 Results Designations < [type d'échantillon] >, volet 77
 Sauvegarde des données 229
 Scanners antivirus 35
 Specimen List, fenêtre 80
 Specimen Types, Cutoff Factors and Results Output, onglet 75
 Specimens not bound to an assay protocol, volet 65
 Suite du système *digene* HC2 22
 désinstallation du logiciel 34
 informations 36
 lecteur de code-barres RCS 182
 Système *digene* HC2
 arrêt 116
 démarrage 115
 protocoles de dosage 25
 Test mécanique 133
 Trends, onglet 87
 Unassigned specimens, volet 45
 Unmeasured Hybridization Plates, volet 38
 Users, onglet 90
 Utilisateur
 création 118
 ID utilisateur 118
 modification 119
 mot de passe de connexion 118
 mot de passe eSign 119
 niveaux d'accès 117
 Utilisateurs
 gestion 117
 Utilities/Settings onglet 92
 Validation and Evaluation onglet 68
 Validation des résultats 213
 niveau d'accès 123
 View IVD Assay Protocol, boîte de dialogue 67
 Windows
 comptes utilisateur 33
 configuration 26

Pour commander www.qiagen.com/contact | Support technique support.qiagen.com | Site Web www.qiagen.com